

**(12) МЕЖДУНАРОДНАЯ ЗАЯВКА, ОПУБЛИКОВАННАЯ В  
СООТВЕТСТВИИ С ДОГОВОРОМ О ПАТЕНТНОЙ КООПЕРАЦИИ (РСТ)**

(19) Всемирная Организация  
Интеллектуальной Собственности

Международное бюро

(43) Дата международной публикации  
02 февраля 2023 (02.02.2023)



(10) Номер международной публикации

**WO 2023/008988 A1**

**(51) Международная патентная классификация:**

*A61K 47/42* (2017.01)      *C12N 5/0781* (2010.01)  
*A61K 38/17* (2006.01)      *C12N 5/0783* (2010.01)  
*C07K 14/165* (2006.01)      *A61P 31/14* (2006.01)  
*C07K 14/08* (2006.01)

**(21) Номер международной заявки:** PCT/KZ2022/000010

**(22) Дата международной подачи:**

29 июля 2022 (29.07.2022)

**(25) Язык подачи:**

Русский

**(26) Язык публикации:**

Русский

**(30) Данные о приоритете:**

2021/0464.1      30 июля 2021 (30.07.2021) KZ

**(71) Заявитель:** АВТОНОМНАЯ ОРГАНИЗАЦИЯ  
ОБРАЗОВАНИЯ "НАЗАРБАЕВ УНИВЕРСИТЕТ"  
(AUTONOMOUS ORGANIZATION OF  
EDUCATION "NAZARBAYEV UNIVERSITY")  
[KZ/KZ]; проспект Кабанбай батыра, 53, Нур-Султан,  
010000, Nur-Sultan (KZ).

**(72) Изобретатели:** САЙЕД, Али (SYED, Ali); проспект  
Кабанбай батыра, 53, блок 45, 412, район Есиль, Нур-  
Султан, 010000, Nur-Sultan (KZ). САЙЕД, Хани Аби-  
ди (SYED, Hani Abidi); Б-6, Садат Колони, Дригх Роад,  
Карачи, 75230, Karachi (PK).

**(74) Агент:** СУЮНДУКОВ, Мади и др. (SUYUNDUKOV,  
Madi et al.); улица Кайым Мухамедханов, 17, 408,  
Есильский район, Нур-Султан, Z05T6B2, Nur-Sultan  
(KZ).

**(81) Указанные государства** (если не указано иначе, для каждого вида национальной охраны): AE, AG, AL, AM, AO, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BH, BN, BR, BW, BY, BZ, CA, CH, CL, CN, CO, CR, CU, CV, CZ, DE, DJ, DK, DM, DO, DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, GT, HN, HR, HU, ID, IL, IN, IQ, IR, IS, IT, JM, JO, JP, KE, KG, KH, KN, KP, KR, KW, KZ, LA, LC, LK, LR, LS, LU, LY, MA, MD, ME, MG, MK, MN, MW, MX, MY, MZ, NA, NG, NI, NO, NZ, OM, PA, PE, PG, PH, PL, PT, QA, RO, RS, RU, RW, SA, SC, SD, SE, SG, SK, SL, ST, SV, SY, TH, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US, UZ, VC, VN, WS, ZA, ZM, ZW.

**(84) Указанные государства** (если не указано иначе, для каждого вида региональной охраны): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LR, LS, MW, MZ, NA, RW, SD, SL, ST, SZ, TZ, UG, ZM, ZW), евразийский (AM, AZ, BY, KG, KZ, RU, TJ, TM), европейский патент (AL, AT, BE, BG, CH, CY, CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HR, HU, IE, IS, IT, LT, LU, LV, MC, MK, MT, NL, NO, PL, PT, RO, RS, SE, SI, SK, SM, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG, CI, CM, GA, GN, GQ, GW, KM, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

**Опубликована:**

- с отчётом о международном поиске (статья 21.3)
- до истечения срока для изменения формулы изобретения и с повторной публикацией в случае получения изменений (правило 48.2(h))

---

**(54) Title:** MULTI-SUBUNIT SARS-COV-2 VACCINE

**(54) Название изобретения:** МУЛЬТИСУБЪЕДИНИЧНАЯ ВАКЦИНА ПРОТИВ SARS-COV-2

**(57) Abstract:** Claimed is a vaccine that combines evolutionarily conserved B and T cell epitopes of human coronaviruses, inter alia SARS-CoV-2, to provide both humoral and cellular immunity. The high degree of sequence similarity between SARS-CoV-2 and other human coronaviruses (HCoVs) opens possibilities for the development of vaccines that will provide protection against SARS-CoV-2 and its current and future new variants, together with cross protection against other HCoVs. A bioinformatics analysis identifying T cell and B cell epitopes originating from spike, membrane, nucleocapsid or envelope protein sequences has shown that said epitopes are evolutionarily conserved among the seven main HCoVs. The evolutionary conservation of these epitopes indicates that they may play a crucial role in viral fitness and thus are unlikely to mutate during viral replication, which makes them attractive candidates for a vaccine. The proposed vaccine construct comprises 12 T cell and 6 B cell epitopes that are conserved among HCoVs.

**(57) Реферат:** Заявлена вакцина, которая сочетает эволюционно сохраненные В- и Т- клеточные эпипотопы коронавирусов человека, включая SARS-CoV-2, для обеспечения как гуморального, так и клеточного иммунитета. Высокая степень сходства последовательностей между SARS-CoV-2 и другими коронавирусами человека (HCoV) открывает возможность для разработки вакцин, которые обеспечивают защиту от SARS-CoV-2 и его текущих и будущих новых вариантов, с перекрестной защитой от других HCoV. Проведенный биоинформационный анализ, идентифицирующий эпипотопы Т-клеток и В-клеток, происходящие из последовательностей спайков, мембранных, нуклеокапсидных и оболочек белков, показал, что они эволюционно консервативны среди семи основных HCoV. Эволюционное сохранение этих эпипотопов указывает на то, что они могут играть решающую роль в приспособленности вируса и, следовательно, вряд ли мутируют во время репликации вируса, что делает такие эпипотопы привлекательными кандидатами для вакцины. Наша разработанная вакцинальная конструкция включает 12 Т-клеточных и шесть В-клеточных эпипотопов, которые сохраняются среди HCoV.

WO 2023/008988 A1

## МУЛЬТИСУБЪЕДИНИЧНАЯ ВАКЦИНА ПРОТИВ SARS-COV-2

Настоящее изобретение относится к разработке и составлению мультисубъединичной полипептидной вакцинной конструкции для иммунизации против SARS-CoV-2 и ее текущих и будущих новых вариантов. Вакцина сочетает эволюционно сохраненные В - и Т-клеточные эпитопы коронавирусов человека, включая SARS-CoV-2, для обеспечения как гуморального, так и клеточного иммунитета.

### 10 Современный уровень техники

Настоящее изобретение относится к коронавирусу-2 тяжелого острого респираторного синдрома коронавируса-2 (SARS-CoV-2), также известному как коронавирусная инфекция-19 (COVID-19), вакцинным композициям и иммунизации против SARS-CoV-2, их применению в медицине и способам их 15 изготовления.

На рынке существует несколько вакцин против SARS-CoV-2. Однако все они основаны на спайковых эпитопах SARS-CoV-2, которые очень подвержены мутациям и, следовательно, могут стать неэффективными при появлении вариантов SARS-CoV-2.

20 Среди хорошо известных примеров-две вакцины на основе мРНК-BNT162b2 (Pfizer - BioNTech), мРНК-1273 (Moderna)-показали эффективность до 95%, аденоовирусный вектор Ad26.CoV2.S (Johnson & Johnson) показал эффективность 72% в США, но 57% в Южной Африке, в то время как вектор аденоовида шимпанзе ChAdOx (AZD1222) (AstraZeneca) показал эффективность 70% (J. H. Kim et al., 2021)(Karim, 2021)(I. Jones & Roy, 25 2021)(Логунов и др., 2021)(Крич и др., 2021)..

Аналогичным образом, гетерологичная рекомбинантная аденоовирусная векторная основа Gam-COVID-Vac (Sputnik V) (Россия) продемонстрировала эффективность 91% в предварительных испытаниях фазы 3, в то время как 30 вакцина на основе белка NVX-CoV237 (Novavax) была эффективна на 89% в Великобритании, но на 49% в Южной Африке (J. H. Kim et al., 2021)(Karim, 2021)(I. Jones & Roy, 2021)(Logunov et al., 2021)(Creech et al., 2021).

Две инактивированные вирусные вакцины – CoronaVac (Sinovac, Китай) и BBIBP-CorV (Sinopharm, Китай) – прошли клинические испытания фазы 3 и,

как сообщалось, показали эффективность от 50% до 91% (Duan et al., 2020; Ivan Lozada et al., 2020; Q. Li et al., 2020).

В отличие от вышеупомянутых вакцин, наша вакцинальная конструкция включает не только эпитетопы из области спайка SARS-CoV-2, но также из мембранных оболочек и нуклеокапсида. Эти эпитетопы эволюционно сохраняются среди коронавирусов человека, включая SARS-CoV-2, и поэтому маловероятно, что они мутируют, оставаясь, таким образом, иммуннозащитными против SARS-CoV-2, его текущих и будущих новых вариантов и других коронавирусов человека.

Настоящее изобретение относится к коронавирусу-2 тяжелого острого респираторного синдрома (SARS-CoV-2), также известному как коронавирусная болезнь-19 (COVID-19), вакцинным композициям и иммунизации против SARS-CoV-2, их применению в медицине и способам их изготовления.

На рынке существует несколько вакцин против SARS-CoV-2. Однако все они основаны на спайковых эпитетопах SARS-CoV-2, которые очень подвержены мутациям и, следовательно, могут стать неэффективными при появлении вариантов SARS-CoV-2.

Отличительными особенностями изобретения являются: 1) Разработанная нами вакцина представляет собой полипептидную конструкцию на основе эпитетопов, происходящих из нескольких белков SARS-CoV-2, т. е. Из спайка, оболочки, нуклеокапсида и мембранных оболочек. 2) Конструкция вакцины включает 12 Т- и шесть В-клеточных эпитетопов, которые сохраняются среди НСОВ (рис.1А). Пептидные последовательности представлены в таблице 1. 3) 12 Т-кленточных и шесть В-клеточных эпитетопов являются нетоксичными и антигенными пептидами (табл.1). 4) Среди 12 эпитетопов Т-клеток один, два, три и шесть происходят соответственно из оболочки, мембранных оболочек, нуклеокапсида и спайка SARS-CoV-2. 5) Среди шести эпитетопов В-клеток два, три и один происходят, соответственно, из оболочки SARS-CoV-2, нуклеокапсида и спайка. 6) Эпитетопы Т-клеток связаны с помощью линкера АAY, в то время как эпитетопы В-клеток связаны линкером GPGPG. 7) На С-конце вакцинной конструкции добавляется шестигистидиновый хвост. 8) На N-конце аминокислотная последовательность  $\beta$ -дефензина добавляется к первому эпитетопу через линкер ЕАААК -  $\beta$ -дефензин действует как адьювант. 9) Предполагается, что вакцина растворима в воде, стабильна, имеет относительно длительный период полураспада (рис.1В и С) и обладает низкой аллергичностью и токсичностью. 10) Наши результаты стыковки показали, что вакцина образует стабильные комплексы с toll-

подобными рецепторами 3, 4 и 8 (фиг.2), в то время как иммунное моделирование показало, что вакцина вызывает сильные IgG, IgM и цитотоксические Т-клеточные реакции (фиг.3А). 11) На основе иммунологического моделирования *in silico* вакцина вызывает мощный и прочный В (включая ответ на антитела) и Т-клеточный ответ (фиг. 3). 12) Конструкция вакцины способна вызывать значительные титры IgG и IgM, достигшие максимума в 400 000-600 000 кол/мл в первые 100 дней, а затем выдерживается на уровне 10 000-200 000 кол/мл в течение 350 дней (фиг.3А). 12) По прогнозам, вакцинная конструкция будет иметь значительный эфекторный и В-клеточный ответ памяти (фиг.3Б). 13) Прогнозируется, что вакцинная конструкция вызовет цитотоксический Т-клеточный ответ, активный в течение приблизительно 200 дней, с последующей активацией покоящихся Т-клеток (фиг.3С). 14) Прогнозируется, что вакцина вызовет сильный ИФН-гамма и другие цитокиновые реакции (фиг.3Д). 15) В целом, прогнозируется, что вакцинная конструкция будет стабильной, нетоксичной и высокоиммуногенной и способной вызывать устойчивый защитный иммунный ответ. 16) Таким образом, с разных точек зрения, наш дизайн мультисубъединичной вакцины демонстрирует потенциал для получения сильного иммунно-защитного ответа против SARS-CoV-2 и его новых вариантов, при минимальном риске возникновения побочных эффектов.

Ожидается, что изобретение послужит эффективной вакциной против инфекции SARS-CoV-2. Эта комбинация сохраненных эпитопов, по прогнозам, решит проблему выхода из иммунитета, обеспеченного вакциной, наблюдавшегося в случае инфицирования новыми вариантами SARS-CoV-2.

Мы разработали вакцину против SARS-CoV-2, которая может быть использована для синтеза продукта для вакцинации/защиты от SARS-CoV-2, его вариантов и других связанных с ними коронавирусов человека.

Основная сильная сторона изобретения: Используя в силикоанализе, мы разработали мультисубъединичную вакцину SARS-CoV-2, используя эпитопы Т-и В-клеток, происходящие из областей спайка (S), мембранны (M), нуклеокапсида (N) и белков оболочки (E), сохраненных среди коронавирусов человека (фиг.1А). Эволюционное сохранение этих мотивов подразумевает их критическую роль в приспособленности к вирусам, указывая на то, что они вряд ли мутируют во время репликации вируса, что делает их привлекательными кандидатами на вакцину против субъединицы SARS – CoV-2, которая обещает обеспечить покрытие против нескольких НСОВ, включая SARS-CoV-2 и его текущие и будущие новые варианты.

Для разработки указанной вакцины мы использовали предсказанные эпитопы В-и Т-клеток, которые сохраняются среди коронавирусов человека. Были предсказаны эпитопы CD8 + Т-клеток и В-клеток, происходящие из консервативных областей белков коронавируса S, E, N, M. Мы обнаружили в общем сложности 18 эпитопов, которые были сохранены между человеческими коронавирусами и между вариантами SAR-COV-2. Эти эпитопы оказались нетоксичными и иммуногенными и впоследствии были использованы для создания многоэпитопной вакцины.

Физико-химическая оценка вакцины показала, что предполагаемый период полураспада вакцины составляет 30 часов в ретикулоцитах млекопитающих (*in vitro*), >20 часов в дрожжах (*in vivo*) и >10 часов в кишечной палочке (*in vivo*). Индекс нестабильности составил 33,06, классифицируя белок как стабильный. Было установлено, что индекс растворимости вакцинной конструкции составляет 0,34, что указывает на приемлемую растворимость вакцины. Прогноз аллергенности и иммуногенности показал, что конструкция является иммуногенной и неаллергенной. Оценка 3D-структуры показала, что конструкция имела 94,3% остатков в очень предпочтительных регионах, 4,5% в предпочтительном регионе и только 1,1% остатков в предпочтительном/запрещенном регионе. Общие параметры указывают на то, что структура нашей вакцинной конструкции должна быть высокого качества.

Результаты иммунного моделирования показали, что конструкция вакцины была способна повышать как значительные титры IgG, так и IgM, которые были максимальными в первые 100 дней, но поддерживались на постоянном уровне в течение 350 дней. Кроме того, вакцичная конструкция смогла установить значительный эффекторный и В-клеточный ответ памяти, а также цитотоксический Т-клеточный ответ, который был активен в течение приблизительно 200 дней с последующей активацией покоящихся Т-клеток. В соответствии с ответом Т-клеток было также обнаружено значительное повышение уровня интерферона-гамма, что соответствует мощному ответу Т-клеток. В целом, было установлено, что конструкция вакцины стабильна, нетоксична и обладает высокой иммуногенностью, и, по прогнозам, обеспечит длительный защитный иммунный ответ.

На фигуре 1 указана прогнозируемая 3-D структура вакцины и оценка ее качества. А) Прогнозируемая 3D-структура вакцины, Б) График Рамачандрана для 3D-структуры вакцины, показывающий 97,8% остатков в благоприятной области, В) Z-оценка ProSA для 3D-структуры вакцины, определенная с

помощью спектроскопии ЯМР (темно-синий) и рентгеновской кристаллографии (светло-синий). Напротив, 3D-структура, предсказанная инструментом Phyre2 после уточнения (A), показала высокую степень достоверности, варьирующуюся от 84-96% для большинства регионов, в то время как 66-74% для некоторых регионов. Рамачандранский анализ структуры показал, что прогнозируемая структура имела 94,3% остатков в сильно предпочтительном регионе, 4,5% в предпочтительном регионе и только 1,1% остатков в предпочтительном/запрещенном регионе (B). Оценка структуры PROSA, предсказанная Phyre2, составила -2,94, что находится в приемлемом диапазоне (C). В целом, оценка различных параметров качества белка указывает на то, что структура, предсказанная Phyre2, является высококачественной.

На фигуре 2 показан анализ молекулярного докинга между вакциной конструкцией и тремя TLR. Состыкован комплекс разработанной вакцины с TLR3, TLR4 и TLR-8. Для выявления режимов и энергий связывания разработанной вакцины с толл-подобными рецепторами человека (TLR) был использован метод молекулярного докинга. Молекулярный докинг разработанной вакцины проводили с человеческими TLR3, TLR4 и TL8 (коды PDB: 1ZIW, 4G 8A и 3 W3G соответственно). Оценки глобальной энергии связи показывают, что наша вакцинальная конструкция образовала стабильные комплексы с TLR3, TLR4 и TLR8 с глобальными энергиями связи -49,55, -47,76 и -45,26 ккал/моль соответственно.

На фигуре 3 показан смоделированный иммунный ответ после введения вакцины: Графики показывают стимуляцию А) IgG, IgM и общего ответа антител, Б) эфекторного и В-клеточного ответа памяти, В) Активного и анергического ответа CD8+T-клеток и Г) IFN-гамма и другого цитокинового ответа после введения вакцины; Г (вставка): график показывает уровни сигнала опасности (положительные или отрицательные сигналы, которые иммунная система генерирует в ответ на "опасность", такую как патогены вместе с фактором роста лейкоцитов IL-2 в течение нескольких дней).

35

Таблица 1. Т - и В-клеточные эпитопы, входящие в состав вакцины.

SARS-CoV-2 антигенные нетоксичные CD8 + Т- и В-клеточные эпитопы

<b>Эпитопы Т-клеток</b>							
<b>Конверт</b>							
<b>№</b>	<b>Пептид</b>	<b>Иммуногенность (Vaxijen)</b>	<b>Токсичность (Toxin Pred)</b>	<b>Сохранение в 7 ВПЦ (%)</b>	<b>Сохранение при SARS-CoV-2, SARS-CoV, MERS-CoV (%)</b>	<b>Сохранение в B.1.1.7, B.1.351, P.1 (%)</b>	<b>Экспериментально подтвержденный эпитоп</b>
1	SLVKPSF YV	0,414	Нетоксично	-	44	100	SLVKPSF YV
<b>Мембрана</b>							
1	SYFIASFR L	0,482 1	Нетоксично	55	66	100	SYFIASFRLFA
2	AGDSGFA AY	0,909 5	Нетоксично	-	44	100	AGDSGFAA Y
<b>Нуклеопсид</b>							
1	SPRWYFY YL	0,734	Нетоксично	44	77	100	SPRWYFY YL
2	QASSRSSS R	0,829 4	Нетоксично	-	66	100	SQASSRSSR
3	VPINTNSS P	0,443 9	Нетоксично	-	66	88	GVPINTNNSP DDQIG
<b>Шип</b>							
1	DLLFNKV TL	0,68	Нетоксично	-	77	100	SFIED LLFN KVTL AD
2	NLNESLI DL	0,682 7	Нетоксично	-	77	100	NLNES LIDL
3	VVNQNA QAL	0,474 9	Нетоксично	-	66	100	-
4	AYRFNGI GV	1,299 5	Нетоксично	-	55	100	QMAY RFNGI GVTQ NV
5	VVFLHVT YV	1,512 2	Нетоксично	-	44	100	VVFL HVTY

			но				V
6	QMAYRF NGI	0,680 3	Не токсич но	-	44	100	QMAY RFNGI GVTQ NV
<b>В-клеточные эпитопы</b>							
<b>Конверт</b>							
№	Пептид	Имму ноген ность (Vaxi jen)	Токси чность (Toxin Pred)	Сохр анен ие в 7 ВПЦ (%)	Сохранение при SARS- CoV-2, SARS-CoV, MERS-CoV (%)	Сохранени е в B.1.1.7, B.1.351, P.1 (%)	Экспер имента льно подтве рждени й эпитоп
1	YSFVSEE TGTLIVN	0,453 2	Не токсич но	-	50	100	MYSF VSEET GTLIV NSV
2	YSFVSEE TGTLL	0,501 4	Не токсич но	-	42	100	MYSF VSEET GTLIV NSV
<b>Нуклеокапсид</b>							
1	TASWFTA LTQHGK EDL	0,414 9	Не токсич но	-	69	100	-
2	YNVTQAF GRRGPEQ TQ	0,489 9	Не токсич но	-	56	100	-
3	TGAIKLD DKDPNFK DQ	1,843 8	Не токсич но	-	50	100	-
<b>Шип</b>							
1	ESLIDLQE LGKYEQY I	0,610 5	Не токсич но	-	63	100	-

## ОПИСАНИЕ РЕАЛИЗАЦИИ ИЗОБРЕТЕНИЯ

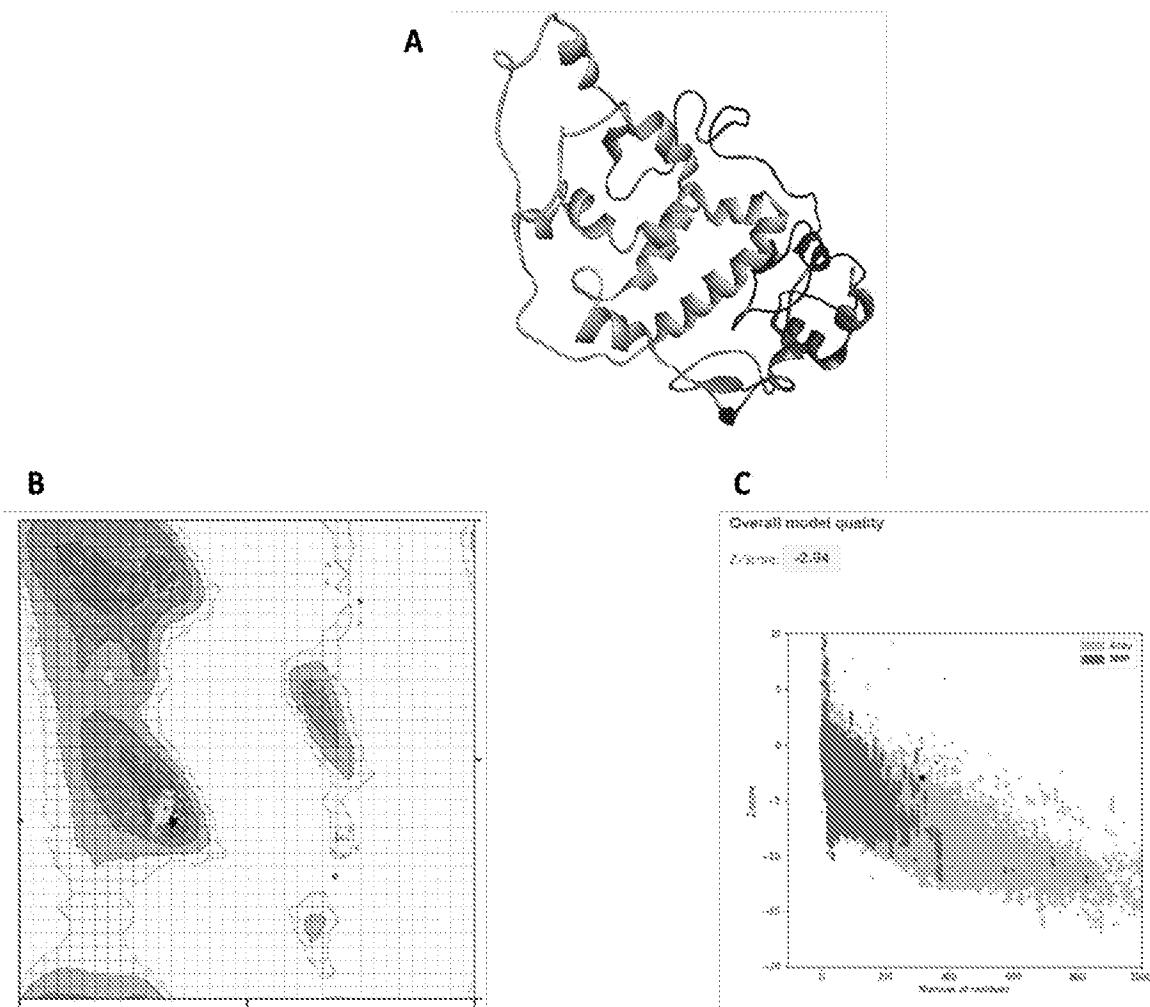
5 Разработка вакцины против SARS-CoV-2, которая может быть использована для синтеза продукта для вакцинации/защиты от SARS-CoV-2, его текущих и будущих вариантов и других связанных с ними коронавирусов человека.

Пример лечения людей вакциной:

10 Мультисубъединичная вакцина может быть использована для иммунизации населения против инфекции SARS-CoV-2. Вакцина основана на вирусных эпитопах, которые эволюционно сохраняются среди коронавирусов человека, включая SARS-CoV-2. Таким образом, вакцина, вероятно, будет эффективна в отношении новых вариантов SARS-CoV-2, которые циркулируют в настоящее время или появятся в будущем. Благодаря эволюционному 15 сохранению эпитопов коронавирусов человека вакцина обладает потенциалом для обеспечения иммунитета против вирусов человека, отличных от SARS-CoV-2. Поскольку вакцина сочетает в себе как Т-клеточные, так и В-клеточные эпитопы, она обеспечит иммунитет одновременно через две ветви, а именно клеточную и гуморальную. Таким образом, наша вакцинная конструкция может 20 быть использована для обеспечения опосредованной Т- и В-клетками иммунной защиты от коронавирусов человека, включая SARS-CoV-2 и его варианты, которые в настоящее время циркулируют или, вероятно, появятся в будущем.

## ФОРМУЛА ИЗОБРЕТЕНИЯ

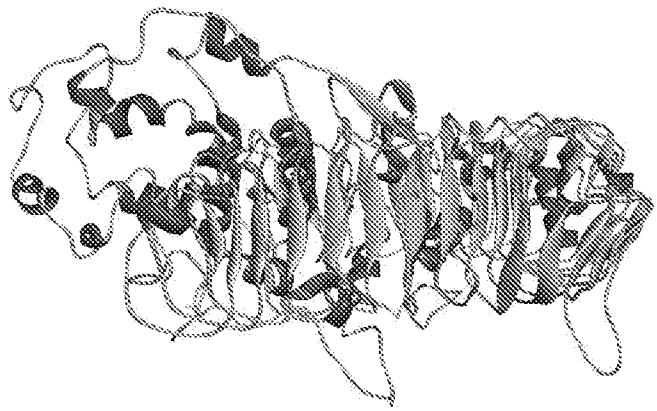
Разработка конструкции полипептидной вакцины с несколькими субъединицами, которая может обеспечить иммунную защиту от SARS-CoV-2, отличающаяся тем, что где конструкция представляет собой полипептид, содержащий эпитопы из областей белков SARS-CoV-2, S, M, N и E, которые сохраняются среди коронавирусов человека, сохранение эпитопов делает маловероятным их мутацию во время репликации вируса и позволит вакцине оставаться защитной от SARS-CoV-2, а также ее текущих и будущих новых вариантов, обеспечить иммунную защиту от коронавирусов человека, отличных от SARS-CoV-2, позволит вакцине оставаться защитной от текущих и будущих возникающих вариантов множественных коронавирусов человека, конструкция вакцины содержит 18 эпитопов; 12 для Т-клеток и шесть для В-клеток, где среди 12 эпитопов Т-клеток один, два, три и шесть происходят соответственно из оболочки SARS-CoV-2, мембранные, нуклеокапсида и спайка, где среди шести эпитопов В-клеток два, три и один происходят, соответственно, из оболочки SARS-CoV-2, нуклеокапсида и спайка, в которой эпитопы Т-клеток связаны с помощью линкера AAY, в то время как эпитопы В-клеток связаны линкером GPGPG, в которой на С-конце вакцинной конструкции добавляется хвост из шести гистидинов, где на N-конце аминокислотная последовательность β-дефензина добавляется в качестве адьюванта к первому эпитопу через линкер EAAAK, в которой вакцина, по прогнозам, растворима в воде, стабильна и имеет относительно длительный период полураспада, в которой прогнозируется, что вакцина будет проявлять низкую аллергенность и токсичность, где конструкция, по прогнозам, образует стабильные комплексы с toll-подобными рецепторами 3, 4 и 8, в которой конструкция, по прогнозам, будет вызывать сильные IgG, IgM и цитотоксические Т-клеточные реакции, в которой конструкция, по прогнозам, является водорастворимой и имеет относительно длительный период полураспада, в которой конструкция прогнозируется стабильной, в которой конструкция, по прогнозам, обладает низкой аллергенностью, в которой конструкция, по прогнозам, будет нетоксичной, где комбинация эпитопов Т- и В-клеток позволяет вакцине вызывать как гуморальный, так и клеточный иммунный ответ, где с нескольких точек зрения конструкция, как ожидается, обеспечит сильную иммунную защиту, где с нескольких точек зрения прогнозируется, что конструкция будет иметь низкие побочные эффекты.



Фиг. 1.



Vaccine-TLR3  
Global binding energy= -49.55 kcal/mol

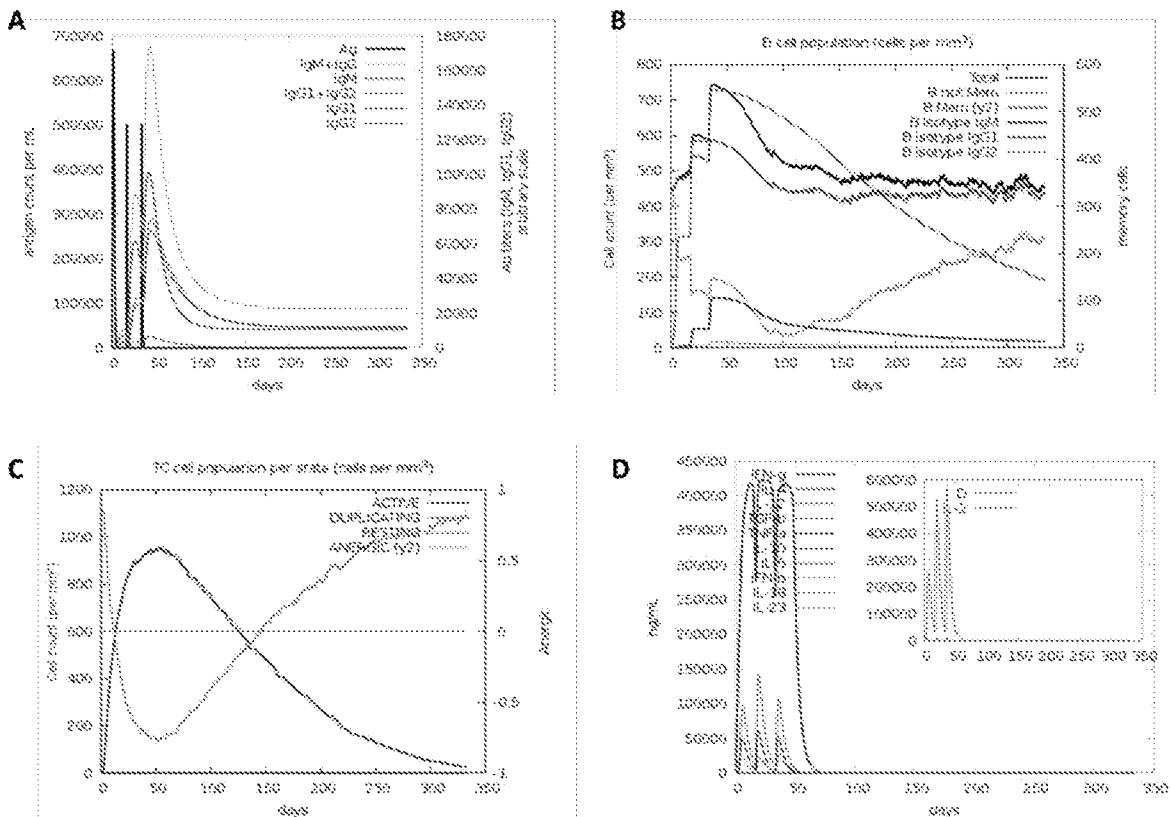


Vaccine-TLR4  
Global binding energy= -47.76 kcal/mol



Vaccine-TLR8  
Global binding energy= -45.26 kcal/mol

Фиг. 2.



Фиг. 3.

**INTERNATIONAL SEARCH REPORT**

International application No.

PCT/KZ 2022/000010

**A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER**

(see the supplemental sheet)

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

**B. FIELDS SEARCHED**

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

A61K, C07K, C112N, A61P

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

PatSearch, ESPACENET, USPTO, RUPTO, EAPATIS, PubMed, ScienceDirect, E-Library, NCBI, EMBL-EBI

**C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT**

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
X	B. AKBAY et al. Multi-Subunit SARS-CoV-2 Vaccine Design Using Evolutionarily Conserved T- and B- Cell Epitopes, Vaccines, 26.06.2021, 9, 702, abstract, section «Introduction», paragraphs 4, 5, section « Design of a Multi-Subunit Vaccine»	1
A	MINCHAO L et al. Rational Design of a Pan-Coronavirus Vaccine Based on Conserved CTL Epitopes. Viruses, 21.02.2021, 13, 333, sections «Introduction», «Results and Discussion»	1
A	SINGH H. et al. Designing spike protein (S-Protein) based multi -epitope peptide vaccine against SARS COVID-19 by immunoinformatics. Heliyon, 2020, 6(11), e05528 , abstract, section «Discussion»	1

Further documents are listed in the continuation of Box C.

See patent family annex.

\* Special categories of cited documents:

“A” document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance

“E” earlier application or patent but published on or after the international filing date

“L” document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)

“O” document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means

“P” document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

“T” later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

“X” document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

“Y” document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art

“&” document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search

Date of mailing of the international search report

02 November 2022 (02.11.2022)

01 December 2022 (01.12.2022)

Name and mailing address of the ISA/ RU

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/KZ 2022/000010

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

*A61K 47/42* (2017.01)

*A61K 38/17* (2006.01)

*C07K 14/08* (2006.01)

*C07K 14/165* (2006.01)

*C12N 5/0781* (2010.01)

*C12N 5/0783* (2010.01)

*A61P 31/14* (2006.01)

## ОТЧЕТ О МЕЖДУНАРОДНОМ ПОИСКЕ

Номер международной заявки

PCT/KZ 2022/000010

## А. КЛАССИФИКАЦИЯ ПРЕДМЕТА ИЗОБРЕТЕНИЯ

(см. дополнительный лист)

Согласно Международной патентной классификации МПК

## В. ОБЛАСТЬ ПОИСКА

Проверенный минимум документации (система классификации с индексами классификации)

A61K, C07K, C112N, A61P

Другая проверенная документация в той мере, в какой она включена в поисковые подборки

Электронная база данных, использовавшаяся при поиске (название базы и, если, возможно, используемые поисковые термины)

PatSearch, ESPACENET, USPTODB, RUPTO, EAPATIS, PubMed, ScienceDirect, E-Library, NCBI, EMBL-EBI

## С. ДОКУМЕНТЫ, СЧИТАЮЩИЕСЯ РЕЛЕВАНТНЫМИ:

Категория*	Цитируемые документы с указанием, где это возможно, релевантных частей	Относится к пункту №
X	B. AKBAY et al. Multi-Subunit SARS-CoV-2 Vaccine Design Using Evolutionarily Conserved T- and B- Cell Epitopes, Vaccines, 26.06.2021, 9, 702, реферат, раздел «Introduction», абзацы 4, 5, раздел «Design of a Multi-Subunit Vaccine»	1
A	MINCHAO L et al. Rational Design of a Pan-Coronavirus Vaccine Based on Conserved CTL Epitopes. Viruses, 21.02.2021, 13, 333, разделы «Introduction», «Results and Discussion»	1
A	SINGH H. et al. Designing spike protein (S-Protein) based multi-epitope peptide vaccine against SARS COVID-19 by immunoinformatics. Heliyon, 2020, 6(11), e05528 , реферат, раздел «Discussion»	1

 последующие документы указаны в продолжении графы С.

<input type="checkbox"/>	данные о патентах-аналогах указаны в приложении
* Особые категории ссылочных документов:	
“A” документ, определяющий общий уровень техники и не считающийся особо релевантным	“T” более поздний документ, опубликованный после даты международной подачи или приоритета, но приведенный для понимания принципа или теории, на которых основывается изобретение
“D” документ, цитируемый заявителем в международной заявке	“X” документ, имеющий наибольшее близкое отношение к предмету поиска; заявленное изобретение не обладает новизной или изобретательским уровнем, в сравнении с документом, взятым в отдельности
“E” более ранняя заявка или патент, но опубликованная на дату международной подачи или после нее	“Y” документ, имеющий наибольшее близкое отношение к предмету поиска; заявленное изобретение не обладает изобретательским уровнем, когда документ взят в сочетании с одним или несколькими документами той же категории, такая комбинация документов очевидна для специалиста
“L” документ, подвергающий сомнению притязание(я) на приоритет, или который приводится с целью установления даты публикации другого ссылочного документа, а также в других целях (как указано)	
“O” документ, относящийся к устному раскрытию, использованию, экспонированию и т.д.	
“P” документ, опубликованный до даты международной подачи, но после даты испрашиваемого приоритета	“&” документ, являющийся патентом-аналогом

Дата действительного завершения международного поиска  
02 ноября 2022 (02.11.2022)Дата отправки настоящего отчета о международном поиске  
01 декабря 2022 (01.12.2022)Наименование и адрес ISA/RU:  
Федеральный институт промышленной собственности,  
Бережковская наб., д. 30, корп. 1, Москва, Г-59, ГСП-3, 125993,  
Российская Федерация  
тел. +7(499)240-60-15, факс +7(495)531-63-18Уполномоченное лицо:  
Громова Г.А.  
Телефон № (8-499) 240-25-91

**ОТЧЕТ О МЕЖДУНАРОДНОМ ПОИСКЕ**  
Классификация предмета изобретения

Номер международной заявки

PCT/KZ 2022/000010

**A61K 47/42** (2017.01)

**A61K 38/17** (2006.01)

**C07K 14/08** (2006.01)

**C07K 14/165** (2006.01)

**C12N 5/0781** (2010.01)

**C12N 5/0783** (2010.01)

**A61P 31/14** (2006.01)