

(19)



**Евразийское
патентное
ведомство**

(11) **042093**(13) **B8**

**(12) ИСПРАВЛЕННОЕ ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К
ЕВРАЗИЙСКОМУ ПАТЕНТУ**

(15) Информация об исправлении
Версия исправления: 1 (W1 B1)
исправления в биб. данных, код ИНИД (72)

(48) Дата публикации исправления
2023.02.15, Бюллетень №2'2023

(45) Дата публикации и выдачи патента
2023.01.12

(21) Номер заявки
202092900

(22) Дата подачи заявки
2013.06.14

(51) Int. Cl. **C12Q 1/6869** (2006.01)
C12Q 1/6827 (2006.01)
C12Q 1/6886 (2006.01)
G16B 20/00 (2006.01)
G16B 30/00 (2006.01)
G01N 33/574 (2006.01)

(54) МУТАЦИОННЫЙ АНАЛИЗ ДНК В ПЛАЗМЕ ДЛЯ ДЕТЕКТИРОВАНИЯ РАКА

(31) 61/662,878; 61/682,725; 61/695,795;
61/711,172; 13/801,748

(32) 2012.06.21; 2012.08.13; 2012.08.31;
2012.10.08; 2013.03.13

(33) US

(43) 2021.03.31

(62) 201500027; 2013.06.14

(71)(73) Заявитель и патентовладелец:
**ТЕ ЧАЙНИЗ ЮНИВЕРСИТИ ОВ
ГОНКОНГ (CN)**

(72) Изобретатель:
**Чжу Вай Квунь Росса, Ло Юйк-Мин
Деннис, Чань Квань Чэ, Цзян Пэйюн
(CN)**

(74) Представитель:
Фелицына С.Б. (RU)

(56) WO-A1-2012071621
FORSHEW T. et al.: "Noninvasive
Identification and Monitoring of Cancer Mutations by
Targeted Deep Sequencing of Plasma DNA" // Science
Translational Medicine, 30.05.2012, vol. 4, issue 136,
p. 1-12, DOI: 10.1126/scitranslmed.3003726
WO-A1-2009013496
GB-A-2485635
WO-A1-2011090557

(57) Частоту соматических мутаций в биологическом образце (например, в плазме или сыворотке) субъекта, проходящего скрининг или мониторинг на наличие рака, можно сравнить с таковой в конститутивной ДНК того же субъекта. Из данных частот можно получить параметр и применять его для классификации уровня рака. Ложноположительные результаты можно отсеять, требуя по меньшей мере определенного количества считываемых последовательностей (маркеров) в любом измененном локусе, что позволяет получить более точный параметр. Относительные частоты различных измененных локусов можно проанализировать для определения уровня гетерогенности опухолей у пациента.

B8**042093****042093****B8**