

(19)



**Евразийское
патентное
ведомство**

(21) **202292533** (13) **A8**

**(12) ИСПРАВЛЕННОЕ ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К
ЕВРАЗИЙСКОЙ ЗАЯВКЕ**

(15) Информация об исправлении
**Версия исправления: 1 (W1 A2)
исправления в биб. данных, код ИНИД (72)**

(48) Дата публикации исправления
2023.02.20, Бюллетень №2'2023

(43) Дата публикации заявки
2022.11.30

(22) Дата подачи заявки
2013.06.14

(51) Int. Cl. **C12Q 1/6869** (2006.01)
C12Q 1/6827 (2006.01)
C12Q 1/6886 (2006.01)
G16B 20/00 (2006.01)
G16B 30/00 (2006.01)
G01N 33/574 (2006.01)

(54) МУТАЦИОННЫЙ АНАЛИЗ ДНК В ПЛАЗМЕ ДЛЯ ДЕТЕКТИРОВАНИЯ РАКА

(31) **61/662,878; 61/682,725; 61/695,795;
61/711,172; 13/801,748**

(32) **2012.06.21; 2012.08.13; 2012.08.31;
2012.10.08; 2013.03.13**

(33) **US**

(62) **202092900; 2013.06.14**

(71) Заявитель:
**ТЕ ЧАЙНИЗ ЮНИВЕРСИТИ ОВ
ГОНКОНГ (CN)**

(72) Изобретатель:
**Чжу Вай Квунь Росса, Ло Юйк-Мин
Деннис, Чань Квань Чэ, Цзян Пэйюн
(CN)**

(74) Представитель:
Фелицына С.Б. (RU)

(57) Частоту соматических мутаций в биологическом образце (например, в плазме или сыворотке) субъекта, проходящего скрининг или мониторинг на наличие рака, можно сравнить с таковой в конститутивной ДНК того же субъекта. Из данных частот можно получить параметр и применять его для классификации уровня рака. Ложноположительные результаты можно отсеять, требуя, по меньшей мере, определенного количества считываемых последовательностей (маркеров) в любом измененном локусе, что позволяет получить более точный параметр. Относительные частоты различных измененных локусов можно проанализировать для определения уровня гетерогенности опухолей у пациента.

A8

202292533

202292533

A8