(12) ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ К ЕВРАЗИЙСКОЙ ЗАЯВКЕ

- (43) Дата публикации заявки 2022.01.24
- (22) Дата подачи заявки 2020.04.14

- (51) Int. Cl. C12N 15/52 (2006.01) A61K 48/00 (2006.01) C12N 15/11 (2006.01) C12N 15/85 (2006.01) C12N 9/22 (2006.01)
- (54) ОПОСРЕДУЕМАЯ AAV-ВЕКТОРОМ ДЕЛЕЦИЯ КРУПНОЙ МУТАЦИОННОЙ "ГОРЯЧЕЙ ТОЧКИ" ДЛЯ ЛЕЧЕНИЯ МЫШЕЧНОЙ ДИСТРОФИИ ДЮШЕННА
- (31) 62/833,760
- (32) 2019.04.14
- (33) US
- (86) PCT/US2020/028148
- (87) WO 2020/214609 2020.10.22
- **(71)** Заявитель:

ДЬЮК ЮНИВЕРСИТИ (US)

(72) Изобретатель:

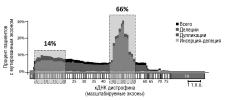
Герсбах Чарльз А., Булаклак Карен, Робинсон-Хамм Жаклин Н. (US)

(74) Представитель:

Медведев В.Н. (RU)

(57) В изобретении раскрываются терапевтические мишени для коррекции гена дистрофина человека посредством редактирования гена и способы их применения.





ОПИСАНИЕ ИЗОБРЕТЕНИЯ

2420-571149EA/032

ОПОСРЕДУЕМАЯ AAV-ВЕКТОРОМ ДЕЛЕЦИЯ КРУПНОЙ МУТАЦИОННОЙ «ГОРЯЧЕЙ ТОЧКИ» ДЛЯ ЛЕЧЕНИЯ МЫШЕЧНОЙ ДИСТРОФИИ ДЮШЕННА

Перекрестная ссылка на родственные заявки

[0001] В настоящей заявке испрашивается приоритет предварительной заявки на патент США № 62/833760, поданной 14 апреля 2019 г., которая в полном объеме вводится в настоящее описание посредством ссылки.

Заявление относительно исследований, спонсируемых **Ф**едеральными **О**рганами

[0002] Настоящее изобретение было сделано при государственной поддержке в соответствии с грантом R01AR069085, выданным Национальным Институтом Здравоохранения. Правительство имеет определенные права на это изобретение.

Область изобретения

[0003] Настоящее изобретение относится к области изменения экспрессии генов, к геномной инженерии и геномной модификации генов с использованием систем на основе кластеризованных регулярно перемежающихся коротких палиндромных повторов (CRISPR)/CRISPR-ассоциированной Cas9 и вирусной системы доставки. Настоящее изобретение также относится к области геномной инженерии и геномной модификации генов в мышцах, таких как скелетные мышцы и сердечные мышцы.

Введение

[0004] Системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 могут быть использованы для введения сайт-специфичных двухцепочечных разрывов в геномные локусы-мишени. Это расщепление ДНК стимулирует природный механизм репарации ДНК, что приводит к инициации одного из двух возможных путей репарации. В отсутствии донорной матрицы, разрыв будет репарироваться посредством негомологичного соединения концов (NHEJ), то есть, пути репарации с вероятностью ошибки, который приводит к небольшим инсерциям или делециям ДНК. Этот метод может быть применен для нацеленной дизрупции, делеции или модификации рамки считывания последовательностей генов-мишеней. Однако, если донорная матрица продуцируется вместе с нуклеазами, то клеточный механизм будет репарировать разрыв путем гомологичной рекомбинации, которая усиливается на несколько порядков при расщеплении ДНК. Этот метод может быть применен для внесения конкретных изменений в последовательность ДНК в сайтах-мишенях. Сконструированные нуклеазы были использованы для редактирования генов в различных стволовых клетках и клеточных линиях человека, а также для редактирования генов в печени мыши. Однако, основным препятствием для осуществления этих технологий является доставка к конкретным тканям in vivo таким способом, который был бы подходящим, эффективным и обеспечивал бы успешную модификацию генома.

[0005] Наследственные генетические заболевания представляют большую угрозу

для жизни детей в Соединенных Штатах. Эти заболевания в настоящее время являются неизлечимыми, и все лечение ограничивается лишь попытками ослабления симптомов. На протяжении десятилетий, генотерапия рассматривалась как перспективный способ лечения этих заболеваний. Однако, технические ограничения, связанные с безопасной и эффективной доставкой терапевтических генов в клетки пациентов, создают проблемы при применении такого подхода. Мышечная дистрофия Дюшенна (МДД) представляет собой смертельное генетическое заболевание, клинически характеризующееся истощением мышц, потерей способности передвигаться и летальным исходом обычно на третьем десятилетии жизни из-за потери функционального дистрофина. МДД является результатом наследственных или спонтанных мутаций в гене дистрофина. Большинство мутаций, вызывающих МДД, являются результатом делеций экзона(ов), удаляющих трансляционную рамку считывания за пределы основной рамки считывания. Большинство мутаций при МДД представляют собой делеции (~68%) одного или более из 79 экзонов, которые сдвигают рамку считывания и прекращают экспрессию полноразмерного транскрипта. Делеции в основном происходят в двух «горячих точках» гена, которые включают экзоны 2-20 (~ 1/3 от всех делеций) и экзоны 45-55 (~ 2/3 от всех делеций). У пациентов с мышечной дистрофией Беккера (МДБ) с природными делециями в рамке считывания всей области гена с экзонами 45-55 гена дистрофина наблюдалась отсрочка начала развития заболевания и минимальная патология скелетных мышц.

[0006] Дистрофин представляет собой ключевой компонент белкового комплекса, который ответственен за регуляцию целостности и функции мышечных клеток. Пациенты с МДД обычно теряют способность к физической деятельности в детстве, становятся все слабее в подростковом возрасте и умирают в возрасте двадцати лет. Современные экспериментальные стратегии генотерапии МДД требуют многократного введения носителей для временной доставки генов или основаны на постоянной интеграции чужеродного генетического материала в геномную ДНК. Оба эти метода имеют серьезные проблемы, связанные с безопасностью. Кроме того, эти стратегии были ограничены неспособностью доставить большую и сложную последовательность гена дистрофина. Поэтому, все еще остается потребность в более точных и эффективных инструментах редактирования генов для коррекции и лечения пациентов, имеющих мутации в гене дистрофина.

Сущность изобретения

[0007] В одном своем аспекте, настоящее изобретение относится к системе CRISPR-Cas. Система CRISPR-Cas может включать один или несколько векторов, кодирующих композицию, где указанная композиция включает: (а) молекулу первой руководящей РНК (рРНК), нацеленной на интрон 44 дистрофина; (b) вторую молекулу рРНК, нацеленную на интрон 55 дистрофина; (c) белок Cas9; и (d) один или более остовов рРНК Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, система содержит один единственный вектор. В некоторых вариантах осуществления изобретения, система содержит два или более векторов, где два или более векторов включают первый вектор и

второй вектор. В некоторых вариантах осуществления изобретения, (а) первый вектор кодирует первую молекулу рРНК и вторую молекулу рРНК; и (b) второй вектор кодирует белок Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, (а) первый вектор кодирует первую молекулу рРНК; и (b) второй вектор кодирует вторую молекулу рРНК. В некоторых вариантах осуществления изобретения, первый вектор также кодирует белок Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, второй вектор также кодирует белок Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, экспрессия белка Cas9 инициируется конститутивным промотором или мышцеспецифическим промотором. В некоторых вариантах осуществления изобретения, мышцеспецифический промотор включает промотор МНСК7, промотор СК8 или промотор Spc512. В некоторых вариантах осуществления изобретения, один вектор кодирует первую молекулу рРНК, вторую молекулу рРНК и белок Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор содержит по меньшей мере один двунаправленный промотор. В некоторых вариантах осуществления изобретения, двунаправленный промотор включает: первый промотор, инициирующий экспрессию первой молекулы рРНК и/или второй молекулы рРНК; и второй промотор, инициирующий экспрессию белка Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, первая рРНК нацелена на полинуклеотид SEQ ID NO: 2 или на его 5'-усеченный вариант. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вторая рРНК нацелена на полинуклеотид SEQ ID NO: 3 или его 5'-усеченный вариант. В некоторых вариантах осуществления изобретения, белок Cas9 представляет собой белок SpCas9, SaCas9 или St1Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, остов рРНК Cas9 представляет собой остов рРНК SaCas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, остов pPHK SaCas9 содержит полинуклеотид SEQ ID NO: 4 или кодируется этим полинуклеотидом. В некоторых вариантах осуществления изобретения, белок Cas9 представляет собой белок SaCas9, кодируемый полинуклеотидом SEQ ID NO: 11. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор содержит по меньшей мере один полинуклеотид, выбранный из SEQ ID NO: 1-13 и 24. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор содержит полинуклеотидную последовательность SEQ ID NO: 24. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор содержит полинуклеотидную последовательность, выбранную из SEQ ID NO: 14, SEQ ID NO: 15, SEQ ID NO: 16, SEQ ID NO: 17, SEQ ID NO: 18, SEQ ID NO: 19, SEQ ID NO: 20, SEQ ID NO: 21, SEQ ID NO: 22, SEQ ID NO: 23, SEQ ID NO: 41, SEQ ID NO: 42, SEQ ID NO: 29 и SEQ ID NO: 30. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор представляет собой вирусный вектор. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор представляет собой аденоассоциированный вирусный вектор (AAV). В некоторых вариантах осуществления изобретения, ААV-вектор представляет собой AAV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV-10, AAV-11, AAV-12, AAV-13 или AAVrh.74. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор содержит универсальный промотор или тканеспецифический промотор, функционально связанный с полинуклеотидной последовательностью, кодирующей первую молекулу рРНК, вторую молекулу рРНК и/или белок Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, тканеспецифический промотор представляет собой мышцеспецифический промотор.

[0008] В другом своем аспекте, настоящее изобретение относится к клетке, содержащей описанную здесь систему.

[0009] В другом своем аспекте, настоящее изобретение относится к набору, содержащему описанную здесь систему.

[00010] В другом своем аспекте, настоящее изобретение относится к способу коррекции мутантного гена дистрофина в клетке. Этот способ может включать введение в клетку описанной здесь системы.

[00011] В другом своем аспекте, настоящее изобретение относится к способу редактирования мутантного гена дистрофина в геноме индивидуума. Этот способ может включать введение индивидууму описанной здесь системы или клетки. Такая система или клетка могут быть введены индивидууму внутримышечно, внутривенно или в их комбинации.

[00012] В другом своем аспекте, настоящее изобретение относится к способу лечения индивидуума, имеющего мутантный ген дистрофина. Этот способ может включать введение индивидууму описанной здесь системы или клетки. Такая система или клетка могут быть введены индивидууму внутримышечно, внутривенно или в их комбинации.

[00013] Настоящее изобретение относится и к другим аспектам и вариантам его осуществления, которые будут очевидны исходя из нижеследующего подробного описания и прилагаемых чертежей.

Краткое описание чертежей

[00014] На фиг. 1 показаны две «горячие точки» в дистрофине, в которых может происходить делеция. Ген дистрофина (который может обозначаться геном DMD) является самым крупным из всех известных генов человека (2,3 м.п.о.). Приблизительно 68% мутаций представляют собой делеции крупных экзонов, которые приводят к ошибкам сдвига рамки считывания.

[00015] На фиг. 2 подробно описаны «горячие точки» с мутациями экзонов 45-55. Приблизительно 45% всех мутаций DMD и многие обычно делетированные одиночные экзоны расположены в этой области. У пациентов с делецией экзонов 45-55 в рамке считывания наблюдается более мягкий фенотип дистрофии. AON (антисмысловые олигонуклеотиды) были использованы для индуцирования вырезания экзонов в этой области.

[00016] На фиг. 3 показано вырезание экзонов 45-55 дистрофина. Эта система протестирована на гуманизованной мыши, несущей человеческий ген с делецией экзона 52.

[00017] На фиг. 4 показана инъекция системы для вырезания экзонов 45-55 дистрофина у новорожденных мышей. Новорожденным мышам вводили системные

инъекции через 2 дня после рождения (Р2). Мышцы собирали через 8 недель после обработки. ПЦР-полосы показали предполагаемую делецию.

[00018] На фиг. 5 показана экспрессия дистрофина у мышей, подвергавшихся системной обработке. Показано 10-кратное увеличение двойного вектора Р2, инъецированного через 8 недель после обработки.

[00019] На фиг. 6 показана традиционная двухвекторная система по сравнению с одновекторной системой. Преимущества одновекторной системы могут включать: наличие всех необходимых компонентов редактирования в одном векторе, возможность увеличивать эффективную дозу, оптимизацию продуцирования других векторов (единого терапевтического агента), использование/включение мышцеспецифических промоторов (СК8, Spc512, MHCK7), и возможность воздействовать на комбинации экзонов и крупных делеций (путем модификации руководящих последовательностей).

[00020] На фиг. 7 проиллюстрировано сравнение конструкций вектора. Показаны все компоненты, объединенные в одном векторе (общая упакованная ДНК <4,8 т.п.о. включает: SaCas9 ($\sim3,2$ т.п.о.); минисигнал полиаденилирования (60 п.о.) или сигнал полиаденилирования bGH (232 п.о.); конститутивный промотор EFS (252 п.о.) или мышцеспецифический промотор).

[00021] На фиг. 8 показан объединенный вектор с делецией экзонов 45-55 и анализ in vitro клеток НЕК293.

[00022] На фиг. 9А схематически представлена диаграмма гена дистрофина иммортализованных миобластов, выделенных у пациента с МДД, и показана делеция экзонов 48-50. На фиг. 9В показаны результаты ПЦР геномной ДНК и кДНК с делециями от прошедших лечение пациентов с МДД, и эти результаты указывает на то, что экзон 45-55 был эффективно удален с помощью векторов, как подробно описано в настоящей заявке. На фиг. 9С представлен Вестерн-блот-анализ клеточных лизатов, указывающий на то, что необработанные миобласты не продуцируют белок дистрофин, в то время как трансфицированные миобласты экспрессируют менее крупный белок дистрофина по сравнению с позитивным контролем, что соответствует делеции «горячей точки».

[00023] На фиг. 10 представлены изображения клеток сердечной мышцы у новорожденных мышей hDMD Δ 52/mdx, которым инъецировали AAV-CRISPR, нацеленный на контрольный локус (верхняя панель) или на экзон 45-55 (нижняя панель). Клетки собирали через 8 недель после инъекции. Клетки окрашивали DAPI или на дистрофин. 10-кратное увеличение, масштаб=200 мкм.

[00024] На фиг. 11 схематически представлена диаграмма вариантов объединенного вектора 5.

[00025] На фиг. 12 представлены изображения мышечных клеток ТА через 8 недель после инъекции указанных векторов при 10-кратном увеличении.

[00026] На фиг. 13 представлены графики, иллюстрирующие экспрессию SaCas9 и рРНК in vivo в результате обработки указанными объединенными векторами, как было определено с помощью кол.ОТ-ПЦР с использованием образцов ТА, взятых через 8

недель после инъекции. N=3-4.

[00027] На фиг. 14 представлены графики, иллюстрирующие стабильность объединенных векторов (AIO) іп vivo. На левом графике представлены результаты кол.ПЦР с использованием образцов ТА, взятых через 8 недель после инъекции. На правых графиках представлены результаты ELISpot-анализа на IFN-гамма против SaCas9. N=3-4 для обоих графиков.

Подробное описание изобретения

[00028] Как описано в настоящей заявке, было обнаружено, что определенные способы и сконструированные рРНК могут быть использованы вместе с системами редактирования генов на основе CRISPR/CRISPR-ассоциированных Cas9 для изменения экспрессии, конструирования генома и коррекции или снижения эффектов мутаций в гене дистрофина, которые приводят к генетическим заболеваниям, таким как МДД. Раскрытые здесь рРНК были созданы для сайтов-мишеней, которые в большей степени поддаются клинической трансляции. Так, например, ген, кодирующий Cas9 S. pyogenes (SpCas9), слишком велик для доставки посредством аденоассоциированного вируса (AAV), то есть, вектора, используемого для системной доставки гена в мышцы, если включены все другие необходимые регуляторные последовательности. Вместо этого были отобраны описанные здесь рРНК и был проведен скрининг на их использование вместе с Cas9 S. aureus (SaCas9), который приблизительно на 1 т.п.о. меньше, чем SpCas9. Раскрытые здесь рРНК, которые нацелены на последовательности гена дистрофина человека, могут быть использованы вместе с системой на основе CRISPR/Cas9 для нацеливания на экзоны 45-55 гена дистрофина человека, что будет приводить к геномным делециям этой области для восстановления экспрессии функционального дистрофина в клетках, взятых у пациентов с МДД.

[00029] В настоящей заявке также описаны генетические конструкции, композиции и способы доставки системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 и множества рРНК для нацеливания на ген дистрофина. Раскрытый здесь предмет изобретения также относится к способам доставки генетических конструкций (например, векторов) или содержащих их композиций в скелетные мышцы и сердечные мышцы. Вектор может представлять собой AAV, включая модифицированные векторы AAV. В раскрытом здесь изобретении описан способ доставки активных форм терапевтических средств этого класса в скелетную мышцу или в сердечную мышцу, который является подходящим и эффективным и облегчает успешную модификацию генома, а также описаны средства для перезаписи генома человека для терапевтических применений и нацеливания на модели различных видов в целях проведения фундаментальных научных исследований. Способы могут включать использование одного вектора AAV для доставки всех редактирующих компонентов, необходимых для вырезания экзонов 45-55 дистрофина.

[00030] Заголовки разделов и все приведенные здесь описания представлены лишь в иллюстративных целях и не рассматриваются как ограничение объема изобретения.

1. Определения

[00031] Если не указано иное, то все используемые здесь технические и научные термины имеют свои общепринятые значения, понятные специалистам в данной области. В случае возникновения разночтений следует отдать предпочтение определениям, представленным в настоящей заявке. Предпочтительные способы и материалы описаны ниже, хотя для практического осуществления изобретения или проведения анализов согласно изобретению могут быть применены способы и материалы, аналогичные или эквивалентные описанным здесь способам и материалам. Все упомянутые здесь публикации, патентные заявки, патенты и другие документы во всей своей полноте включены в настоящее описание посредством ссылки. Раскрытые здесь материалы, способы и примеры приводятся лишь в иллюстративных целях и не рассматриваются как ограничение объема изобретения.

[00032] Используемые «содержит(ат)», здесь термины «включает(ют)», «имеющий», «имеет», «может», «содержит(ат)» и их варианты рассматриваются как неограничивающие переходные фразы, термины или слова, которые не исключают действий возможность дополнительных или использования других Используемые здесь артикли «a», «an» и «the», употребляемые с существительными в формах единственного числа, могут относиться и к существительным во множественном числе, если из контекста описания не следует иное. В настоящем изобретении также рассматриваются другие варианты его осуществления, «содержащие», «состоящие из» и «состоящие по существу из» вариантов или элементов, представленных в настоящей заявке, независимо от того, указаны они конкретно или нет.

[00033] При перечислении имеющихся здесь числовых интервалов, предусматривается, что каждое промежуточное число в данном интервале указано с одинаковой степенью точности. Так, например, для интервала 6-9, помимо чисел 6 и 9 указываются также числа 7 и 8, а для интервала 6,0-7,0, числа 6,0, 6,1, 6,2, 6,3, 6,4, 6,5, 6,6, 6,7, 6,8, 6,9 и 7,0 рассматриваются как точные значения.

[00034] Используемый здесь термин «около» или «приблизительно» означает значения в пределах допустимых ошибок для конкретной величины, которые могут быть определены специалистом в данной области, и будут частично зависеть от того, как это значение измеряется или определяется, то есть, от ограничений системы измерения. Так, например, «приблизительно» может означать значение в пределах 3 или более, чем 3 стандартных отклонений в соответствии с практикой, применяемой в данной области. Альтернативно, «приблизительно» может означать диапазон до 20%, предпочтительно до 10%, более предпочтительно до 5%, а еще более предпочтительно до 1% от заданного значения. В некоторых аспектах изобретения, термин «приблизительно» относится к интервалу значений, которые находятся в пределах 20%, 19%, 18%, 17%, 16%, 15%, 14%, 13%, 12%, 11%, 10%, 9%, 8%, 7%, 6%, 5%, 4%, 3%, 2%, 1% или меньше в любом направлении (больше или меньше) от указанного эталонного значения, если это не оговорено особо, или если это не очевидно из контекста (кроме случаев, когда такое число превышает 100% от возможного значения). Альтернативно, этот термин, если он

относится к биологическим системам или процессам, может означать число в пределах порядка величины, предпочтительно в пределах 5-кратного, а более предпочтительно в пределах 2-кратного значения.

[00035] Используемые здесь термины «аденоассоциированный вирус» или «AAV» являются синонимами и означают небольшой вирус, принадлежащий к роду Dependovirus семейства Parvoviridae, который инфицирует человека и приматов некоторых других видов. В настоящее время не известно, вызывает ли AAV какое-либо заболевание, и, следовательно, этот вирус вызывает очень слабый иммунный ответ.

[00036] Используемый здесь термин «связывающая область» относится к области, находящейся внутри области, которая является мишенью для нуклеазы, и которая распознается нуклеазой и связывается с ней.

[00037] Используемые здесь термины «сердечная мышца» или «мышца сердца» являются синонимами и означают тип непроизвольно сокращающейся поперечно-полосатой мышцы, присутствующей в стенках миокарда в соответствии с гистологией сердца. Сердечная мышца состоит из кардиомиоцитов или миокардиоцитов. Миокардиоциты имеют бороздки, похожие на бороздки на клетках скелетных мышц, но содержат только одно уникальное ядро, в отличие от многоядерных скелетных клеток. В некоторых вариантах осуществления изобретения, «состояние сердечной мышцы» относится к патологическому состоянию сердечной мышцы, такому как кардиомиопатия, сердечная недостаточность, аритмия и воспалительное заболевание сердца.

[00038] Используемый здесь термин «кодирующая последовательность» или «кодирующая нуклеиновая кислота» означает нуклеиновые кислоты (молекулу РНК или ДНК), которые содержат нуклеотидную последовательность, кодирующую белок. Кодирующая последовательность может дополнительно включать сигналы инициации и терминации, функционально связанные с регуляторными элементами, включая промотор и сигнал полиаденилирования, способные регулировать экспрессию в клетках индивидуума или млекопитающего, которым вводят эту нуклеиновую кислоту. Кодирующая последовательность может быть оптимизирована по кодонам.

[00039] Используемый здесь термин «комплемент» или «комплементарный» относится к нуклеиновой кислоте и может означать пары оснований Уотсона-Крика (например, A-T/U и C-G) или Хугстена между нуклеотидами или нуклеотидными аналогами молекул нуклеиновой кислоты. «Комплементарность» относится к свойству, общему для двух последовательностей нуклеиновых кислот, то есть, при их антипараллельном выравнивании друг с другом, нуклеотидные основания будут комплементарными в каждом положении.

[00040] Используемые здесь термины «коррекция», «редактирование генома» и «восстановление» относятся к изменению мутантного гена, который кодирует усеченный белок или вообще не кодирует белок, так, что в результате этого наблюдается экспрессия полноразмерного функционального или полноразмерного частично функционального белка. Коррекция или восстановление мутантного гена может включать замену области

гена, в которой имеется мутация, или замену всего мутантного гена копией гена, не имеющего мутации, посредством механизма репарации, такого как гомологически направленная репарация (HDR). Коррекция или восстановление мутантного гена может также включать репарацию мутации сдвига рамки считывания, которая вызывает аберрантного образование преждевременного стоп-кодона, акцепторного сайта сплайсинга или аберрантного донорного сайта сплайсинга, посредством создания гене, который двухцепочечного разрыва В затем репарируется негомологичного соединения концов (NHEJ). NHEJ может добавлять или делетировать по меньшей мере одну пару оснований во время репарации, что может приводить к восстановлению правильной рамки считывания и к удалению преждевременного стопкодона. Коррекция или восстановление мутантного гена может также включать дизрупцию аберрантного акцепторного сайта сплайсинга или донорной последовательности сплайсинга. Коррекция или восстановление мутантного гена может также включать делецию несущественного сегмента гена за счет одновременного воздействия двух нуклеаз на одну и ту же цепь ДНК с восстановлением правильной рамки считывания посредством удаления ДНК между двумя сайтами-мишенями для нуклеаз и репарацией разрыва ДНК под действием NHEJ.

[00041] Термин «направленный промотор» относится к двум или более промоторам, которые способны регулировать транскрипцию двух отдельных последовательностей в обоих направлениях. В одном варианте осуществления изобретения, один промотор инициирует транскрипцию в направлении от 5' до 3', а другой промотор инициирует транскрипцию от 3' до 5'. В одном варианте осуществления изобретения, двунаправленные промоторы представляют собой двухцепочечные элементы регуляции транскрипции, которые могут инициировать экспрессию по меньшей мере двух отдельных последовательностей, например, кодирующих или некодирующих последовательностей противоположных направлениях. Такие В промоторные последовательности могут состоять из двух отдельных промоторных последовательностей, действующих в противоположных направлениях, таких как одна нуклеотидная последовательность, связанная с другой (комплементарной) нуклеотидной последовательностью, включая упаковывающие конструкции, содержащие два промотора в противоположных направлениях, например, гибридные, химерные или слитые последовательности, содержащие две отдельные промоторные последовательности или по меньшей мере их коровые последовательности, или только одну последовательность регуляции транскрипции, которая может инициировать транскрипцию направлениях. В некоторых вариантах осуществления изобретения, две отдельные промоторные последовательности могут быть сопоставлены друг с другом, или между первой второй последовательностями может располагаться линкерная последовательность. Последовательность промотора может быть обращена в другую другой объединения последовательностью ориентацию c промотора противоположной ориентации. Гены, расположенные по обе стороны ОТ

двунаправленного промотора, МОГУТ быть функционально одной связаны последовательностью или областью регуляции транскрипции, которая инициирует транскрипцию в обоих направлениях. В других вариантах осуществления изобретения, двунаправленные промоторы не находятся в юкста-положении. Так, например, один промотор может инициировать транскрипцию на 5'-конце нуклеотидного фрагмента, а другой промотор может инициировать транскрипцию с 3'-конца того же самого фрагмента. В другом варианте осуществления изобретения, первый ген может быть двунаправленным промотором с связан c регуляторными элементами или без них, такими как репортерные или терминаторные элементы, а второй ген может быть функционально связан с двунаправленным промотором противоположном направлении посредством комплементарной промоторной последовательности, опять же с дополнительными регуляторными элементами или без них.

[00042] Используемые здесь термины «донорная ДНК», «донорная матрица» и «матрица для репарации» являются синонимами и означают фрагмент или молекулу двухцепочечной ДНК, которая включает по меньшей мере часть представляющего интерес гена. Донорная ДНК может кодировать полностью функциональный белок или частично функциональный белок.

[00043] Используемые здесь термины «мышечная дистрофия Дюшенна» или «МДД» являются синонимами и относятся к рецессивному, смертельному, X-сцепленному заболеванию, которое приводит к дегенерации мышц и, в конечном итоге, к летальному исходу. МДД является распространенным наследственным моногенным заболеванием и встречается у 1 из 3500 мужчин. МДД является результатом наследуемых или спонтанных мутаций, которые вызывают нонсенс-мутации или мутации со сдвигом рамки считывания в гене дистрофина. Большинство мутаций дистрофина, вызывающих МДД, представляют собой делеции экзонов, которые нарушают рамку считывания и вызывают преждевременное прекращение трансляции в гене дистрофина. Пациенты с МДД обычно теряют способность физически поддерживать себя в детстве, становятся все слабее в подростковом возрасте и умирают в возрасте двадцати лет.

[00044] Используемый здесь термин «дистрофин» означает палочковидный цитоплазматический белок, который является частью белкового комплекса, соединяющего цитоскелет мышечного волокна с окружающим внеклеточным матриксом посредством клеточной мембраны. Дистрофин обеспечивает структурную стабильность дистрогликановому комплексу клеточной мембраны, который ответственен обеспечение целостности и функции мышечных клеток. Термины «ген дистрофина» или «ген DMD» используются здесь как синонимы, и составляют 2,2 мегаоснований в локусе Хр21. Первичная транскрипция составляет приблизительно 2400 т.п.о., при этом, размер зрелой мРНК составляет приблизительно 14 т.п.о. 79 экзонов кодируют белок, состоящий из более, чем 3500 аминокислот.

[00045] Используемый здесь термин «экзоны 45-55» дистрофина относится к

области, где находится приблизительно 45% всех мутаций дистрофина. Делеции экзонов 45-55 ассоциируются с очень легкими фенотипами Беккера и были обнаружены даже у индивидуумов без симптомов. Вырезание мультиэкзона 45-55 может быть полезным приблизительно для 50% всех пациентов с МДД.

[00046] Используемые здесь термины «сдвиг рамки считывания» или «мутация со сдвигом рамки считывания» являются синонимами и относятся к типу генных мутаций, при которых добавление или удаление одного или нескольких нуклеотидов вызывает сдвиг рамки считывания кодонов в мРНК. Сдвиг рамки считывания может приводить к изменению аминокислотной последовательности при трансляции белка, например, к миссенс-мутации или к образованию преждевременного стоп-кодона.

[00047] Используемые здесь термины «функциональный» и «полностью функциональный» относятся к белку, который обладает биологической активностью. «Функциональный ген» означает ген, транскрибируемый в мРНК, которая транслируется в функциональный белок.

[00048] Используемый здесь термин «слитый белок» означает химерный белок, созданный посредством соединения двух или более генов, которые изначально кодируют отдельные белки. Трансляция слитого гена приводит к образованию одного полипептида с функциональными свойствами, происходящего от каждого из исходных белков.

[00049] Используемый здесь термин «генетическая конструкция» относится к молекулам ДНК или РНК, которые содержат нуклеотидную последовательность, кодирующую белок. Кодирующая последовательность включает сигналы инициации и терминации, функционально связанные с регуляторными элементами, включая промотор и сигнал полиаденилирования, способные регулировать экспрессию в клетках индивидуума, которому вводят молекулу нуклеиновой кислоты. Используемый здесь термин «экспрессируемая форма» относится к генным конструкциям, которые содержат необходимые регуляторные элементы, функционально связанные с кодирующей последовательностью, кодирующей белок, так, чтобы при их присутствии в клетке индивидуума, кодирующая последовательность могла экспрессироваться.

[00050] Используемый здесь термин «генетическое заболевание» означает заболевание, которое частично или полностью, прямо или опосрдованно, вызывается одной или несколькими аномалиями в геноме, а в частности, состояние, которое имеется уже при рождении. Аномалией может быть мутация, инсерция или делеция. Аномалия может влиять на кодирующую последовательность гена или его регуляторную последовательность. Генетическое заболевание может включать, но не ограничивается ими, МДД, мышечную дистрофию Беккера (МДБ), гемофилию, кистозный фиброз, хорею Гентингтона, семейную гиперхолестеринемию (дефект рецептора ЛПНП), гепатобластому, болезнь Вильсона, врожденную порфирию печени, наследственные нарушения метаболизма печени, синдром Леша-Нихана, серповидноклеточную анемию, талассемию, пигментную ксеродермию, анемию Фанкони, пигментный ретинит, атаксиютелангиэктазию, синдром Блума, ретинобластому и болезнь Тея-Сакса.

[00051] Используемые здесь термины «гомологически направленная репарация» или «НDR» являются синонимами и относятся к механизму репарации повреждений двухцепочечной ДНК в клетках, если гомологичный фрагмент ДНК присутствует в ядре, в основном в G2- и S-фазах клеточного цикла. При HDR используется матрица донорной ДНК для регуляции репарации, и HDR может быть использована для создания специфических модификаций последовательности в геноме, включая целевое добавление целых генов. Если вместе с системой редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 используется донорная матрица, то клеточный аппарат будет восстанавливать разрыв посредством гомологичной рекомбинации, которая усиливается на несколько порядков при расщеплении ДНК. Если гомологичный фрагмент ДНК отсутствует, то вместо этого может наблюдаться негомологичное соединение концов.

[00052] Используемый здесь термин «редактирование генома» означает модификацию гена. Редактирование генома может включать коррекцию или восстановление мутантного гена. Редактирование генома может включать нокаут гена, такого как мутантный ген или нормальный ген. Редактирование генома может быть проведено для лечения заболевания или ускорения восстановления мышц посредством модификации представляющего интерес гена.

[00053] Используемые здесь термины «идентичный» или «идентичность», если они относятся к двум или более нуклеиновым кислотам или к полипептидным последовательностям, означают, что эти последовательности имеют определенный процент остатков, которые являются одинаковыми в определенной области. Такой быть процент может вычислен путем оптимального выравнивания последовательностей, сравнения двух последовательностей в указанной области, определения числа положений, в которых идентичный остаток встречается в обеих последовательностях, и получения числа совпадающих положений, деления числа совпадающих положений на общее количество положений в указанной области и умножения результата на 100 с получением процента идентичности последовательностей. В тех случаях, когда две последовательности имеют различные длины, или когда выравнивание дает один или более смещенных концов, и указанная область сравнения включает только одну последовательность, то при вычислении, остатки одной последовательности включают в знаменатель, но не в числитель. При сравнении ДНК и РНК, тимин (T) и урацил (U) можно считать эквивалентными. Идентификация может быть осуществлена вручную или с использованием компьютерного алгоритма для сравнения последовательностей, такого как BLAST или BLAST 2.0.

[00054] Используемые здесь термины «мутантный ген» или «мутированный ген» являются синонимами и означают ген, который претерпел детектируемую мутацию. Мутантный ген имеет модификацию, такую как потеря, приобретение или обмен генетического материала, которые влияют на нормальную передачу и экспрессию гена. Используемый здесь термин «разрушенный ген» означает мутантный ген, который имеет мутацию, вызывающую образование преждевременного стоп-кодона. Разрушенный

генный продукт является усеченным по сравнению с полноразмерным неповрежденным генным продуктом.

[00055] Используемый здесь термин «путь негомологичного соединения концов (NHEJ)» означает путь, который восстанавливает двухцепочечные разрывы в ДНК посредством прямого лигирования разорванных концов, и при этом, не требуется присутствия гомологичной матрицы. Независимое от матрицы повторное лигирование концов ДНК посредством NHEJ представляет собой стохастический процесс репарации с вероятностью ошибки, который вводит случайные микро-инсерции и микро-делеции (инсерции-делеции) в точке разрыва ДНК. Этот метод может быть применен для разрушения, или модификации нацеленного делеции рамки считывания При NHEJ последовательностей генов-мишеней. обычно используют гомологичные последовательности ДНК, называемые микрогомологами, для регуляции репарации. Эти микрогомологи часто присутствуют в одноцепочечных выступающих концах на конце двухцепочечных разрывов. Если выступающие концы полностью совместимы, то NHEJ обычно точно репарируют разрыв, но при этом, может также происходить неточная репарация, приводящая к потере нуклеотидов, и гораздо чаще, когда выступающие концы являются несовместимыми.

[00056] Используемый здесь термин «нормальный ген» означает ген, который не подвергался модификации, такой как потеря, приобретение или обмен генетического материала. Нормальный ген подвергается нормальной передаче и экспрессии генов. Так, например, нормальный ген может представлять собой ген дикого типа.

[00057] Используемый здесь термин «опосредуемый нуклеазой NHEJ» означает NHEJ, который инициируется после того, как нуклеаза, такая как молекула Cas9, разрезает двухцепочечную ДНК.

[00058] Используемые термины «нуклеиновая здесь кислота», или «олигонуклеотид», или «полинуклеотид» означают по меньшей мере два нуклеотида, ковалентно связанных друг с другом. Изображение одной цепи также определяет последовательность комплементарной цепи. Таким образом, нуклеиновая кислота также включает комплементарную цепь одной указанной цепи. Многие варианты нуклеиновой кислоты могут быть использованы для той же цели, что и данная нуклеиновая кислота. Таким образом, термин «нуклеиновая кислота» также охватывает по существу идентичные нуклеиновые кислоты и их комплементы. Одна цепь обеспечивает зонд, который может гибридизоваться с последовательностью-мишенью в жестких условиях гибридизации. Таким образом, нуклеиновая кислота также включает зонд, который гибридизуется в жестких условиях гибридизации.

[00059] Нуклеиновые кислоты могут быть одноцепочечными или двухцепочечными или могут содержать части как двухцепочечной, так и одноцепочечной последовательности. Нуклеиновая кислота может представлять собой ДНК, как геномную, так и кДНК, РНК или гибрид, где нуклеиновая кислота может содержать комбинации дезоксирибо- и рибонуклеотидов и комбинации оснований, включая урацил, аденин,

тимин, цитозин, гуанин, инозин, ксантин, гипоксантин, изоцитозин и изогуанин. Нуклеиновые кислоты могут быть получены методами химического синтеза или рекомбинантными методами.

[00060] Используемый здесь термин «функционально связанный» означает, что экспрессия гена находится под контролем промотора, с которым он пространственно связан. Промотор может располагаться на 5'-конце (выше) или 3'-конце (ниже) гена, находящегося под его контролем. Расстояние между промотором и геном может быть приблизительно таким же, как расстояние между этим промотором и геном, контролируемым этим промотором, в гене, от которого происходит промотор. Как известно специалистам в данной области, изменение этого расстояния может быть осуществлено без потери функции промотора.

[00061] Используемый здесь термин «частично функциональный» относится к белку, который кодируется мутантным геном и имеет меньшую биологическую активность, чем функциональный белок, но большую активность, чем нефункциональный белок.

[00062] Используемые здесь термины «преждевременный стоп-кодон» или «стоп-кодон вне рамки считывания» являются синонимами и относятся к нонсенс-мутации в последовательности ДНК, которая приводит к образованию стоп-кодона на участке, который обычно не присутствует в гене дикого типа. Преждевременный стоп-кодон может приводить к усечению или укорочению белка по сравнению с полноразмерным вариантом белка.

[00063] Используемый здесь термин «промотор» означает синтетическую молекулу или молекулу природного происхождения, которая способна обеспечивать, активировать или усиливать экспрессию нуклеиновой кислоты в клетке. Промотор может содержать одну или более специфических последовательностей регуляции транскрипции для последующего повышения уровня экспрессии и/или для изменения пространственной экспрессии и/или временной экспрессии. Промотор может также содержать дистальные энхансеры или репрессорные элементы, которые могут располагаться на расстоянии до нескольких тысяч пар оснований от сайта инициации транскрипции. Промотор может быть получен из различных источников, включая вирусные, бактериальные, грибковые, растительные источники, а также насекомых и животных. Промотор может регулировать экспрессию компонента гена конститутивно (конститутивный дифференцированно, то есть, только в клетках, тканях или органах, в которых происходит экспрессия, или, только на стадии развития, на которой происходит экспрессия, или в ответ на внешние раздражители, такие как физиологические стрессы, патогены, ионы металлов или возбудители. Типичные примеры промоторов включают промотор Т7 бактериофага, промотор T3 бактериофага, промотор SP6, оператор-промотор lac, промотор tac, поздний промотор SV40, ранний промотор SV40, промотор RSV-LTR, промотор CMV IE, ранний промотор SV40 или поздний промотор SV40, промотор U6 (hU6) человека и промотор IE CMV. Примеры мышцеспецифических промоторов могут

включать промотор МНСК7, промотор СК8 и промотор Spc512.

[00064] Используемый здесь термин «скелетная мышца» относится к типу поперечно-полосатой мышцы, которая находится под контролем соматической нервной системы и прикреплена к костям пучками коллагеновых волокон, известных как сухожилия. Скелетная мышца состоит из отдельных компонентов, известных как миоциты или «мышечные клетки», и иногда просто называемых «мышечными волокнами». Миоциты образуются в результате слияния миобластов на стадии развития (типа эмбриональных клеток-предшественников, которые дают начало мышечной клетке) в процессе, известном как миогенез. Эти длинные цилиндрические многоядерные клетки также называются миоволокнами.

[00065] Используемый здесь термин «заболевание скелетных мышц» относится к патологии скелетных мышц, такой как мышечные дистрофии, старение, дегенерация мышц, заживление ран и мышечная слабость или атрофия.

[00066] Используемые здесь термины «индивидуум» и «пациент» являются синонимами и относятся к любому позвоночному, включая, но не ограничиваясь ими, млекопитающих (например, коров, свиней, верблюдов, лам, лошадей, коз, кроликов, овец, хомяков, морских свинок, кошек, собак, крыс и мышей, а также приматов, не являющихся человеком (например, обезьян, таких как собакоподобные обезьяны или макак-резусы, шимпанзе и т.п.), и человека). В некоторых вариантах осуществления изобретения, индивидуумом может быть человек или животное, не являющееся человеком. Индивидуум или пациент могут проходить лечение других типов.

[00067] Используемый здесь термин «ген-мишень» означает любую нуклеотидную последовательность, кодирующую известный или предполагаемый генный продукт. Генмишень может представлять собой мутированный ген, участвующий в развитии генетического заболевания. В некоторых вариантах осуществления изобретения, генмишень представляет собой ген дистрофина человека. В некоторых вариантах осуществления изобретения, ген-мишень представляет собой мутантный ген дистрофина человека.

[00068] Используемый здесь термин «область-мишень» означает область генамишени, для которой была сконструирована система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, предназначенная для связывания и расщепления.

[00069] Используемый здесь термин «трансген» означает ген или генетический материал, содержащий последовательность гена, которая была выделена из одного организма и введена в другой организм. Этот ненативный сегмент ДНК может сохранять способность продуцировать РНК или белок в трансгенном организме или может изменять нормальную функцию генетического кода трансгенного организма. Введение трансгена может изменять фенотип организма.

[00070] Термин «вариант», используемый здесь по отношению нуклеиновой кислоте, означает: (i) часть или фрагмент эталонной нуклеотидной последовательности; (ii) комплемент эталонной нуклеотидной последовательности или ее части; (iii)

нуклеиновую кислоту, которая по существу идентична указанной эталонной нуклеиновой кислоте или ее комплементу; или (iv) нуклеиновую кислоту, которая гибридизуется в жестких условиях с эталонной нуклеиновой кислотой, ее комплементом или с последовательностями, по существу идентичными этой последовательности.

[00071] Термин «вариант», используемый здесь по отношению к пептиду или полипептиду, означает вариант, который, по своей аминокислотной последовательности, отличается наличием инсерции, делеции или консервативной аминокислотной замены, но сохраняет по меньшей мере одну биологическую активность. Вариант также может означать белок с аминокислотной последовательностью, которая по существу идентична аминокислотной последовательности эталонного белка, и которая сохраняет по меньшей мере одну биологическую активность. Консервативная замена аминокислоты, то есть, замена одной аминокислоты другой аминокислотой со сходными свойствами (например, гидрофильностью, степенью и распределением заряженных областей) известна специалистам в данной области как замена, обычно включающая незначительные изменения. Эти незначительные изменения можно частично идентифицировать по гидропатическому индексу аминокислот, как известно специалистам в данной области. Kyte et al., J. Mol. Biol. 157: 105-132 (1982). Гидропатический индекс аминокислот определяют исходя из их гидрофобности и заряда. Специалистам в данной области известно, что аминокислоты с аналогичными гидропатическими индексами могут быть заменены, но все еще сохранют функцию белка. В одном аспекте изобретения, заменяемыми аминокислотами являются аминокислоты, имеющие гидропатический индекс ±2. Гидрофильность аминокислот может быть также использована для выявления замен, которые могут приводить к сохранению биологической функции белков. Учет гидрофильности аминокислот в пептиде позволяет рассчитать максимальную локальную среднюю гидрофильность этого пептида. При этом, могут быть осуществлены замены на аминокислоты, имеющие значения гидрофильности в пределах ±2. На индекс гидрофобности и на индекс гидрофильности аминокислот также влияет конкретная боковая цепь этой аминокислоты. В соответствии с этим наблюдением, можно сказать, что аминокислотные замены, совместимые с биологической функцией, зависят от относительного сходства аминокислот а, в частности, боковых цепей этих аминокислот, что определяется гидрофобностью, гидрофильностью, зарядом, размером и другими свойствами.

[00072] Используемый здесь термин «вектор» означает последовательность нуклеиновой кислоты, содержащую ориджин репликации. Вектор может представлять собой вирусный вектор, бактериофаг, бактериальную искусственную хромосому или дрожжевую искусственную хромосому. Вектор может представлять собой ДНК- или РНК-вектор. Вектор может представлять собой самореплицирующийся внехромосомный вектор и предпочтительно представляет собой плазмидную ДНК.

[00073] Если это не оговорено особо, то научные и технические термины, используемые в описании настоящего изобретения, имеют свои общепринятые значения,

обычно понятные специалистами в данной области. Так, например, любые описанные здесь номенклатуры и методы, используемые в отношении культивирования клеток и тканей, в молекулярной биологии, в иммунологии, в микробиологии, в генетике, в химии белков и нуклеиновых кислот и в гибридизации, хорошо известны и широко используются в данной области. Значение и объем терминов должны быть понятными, однако, в случае любой скрытой двусмысленности определений, следует отдать предпочтение определениям, приведенным в настоящей заявке, а не в каких-либо словарях или других источниках. Кроме того, если это не оговорено особо и если это не следует из контекста, то термины, употребляемые в единственном числе, должны включать термины, употребляемые во множественном числе и наоборот.

2. Генетические конструкции для редактирования гена дистрофина в геноме

[00074] \mathbf{B} настоящей заявке описаны генетические конструкции ДЛЯ редактирования генома, модификации генома и/или изменения экспрессии гена дистрофина. Ген дистрофина может представлять собой ген дистрофина человека. Генетические конструкции включают по меньшей мере одну рРНК, которая нацелена на последовательность(и) гена дистрофина. По меньшей мере одна рРНК может быть нацелена на последовательности гена дистрофина человека и/или макак-резуса и может представлять собой SaCas9-совместимые мишени. Раскрытые здесь рРНК могут быть включены в систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, включая системы, в которых используется SaCas9 для нацеливания на экзоны 45-55 гена дистрофина человека. Раскрытые здесь рРНК, которые могут быть включены в систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, могут вызывать геномные делеции в области экзонов 45-55 гена дистрофина человека с последующим восстановлением экспрессии функционального дистрофина в клетках пациентов с МДД.

а. Ген дистрофина

[00075] Дистрофин представляет собой палочковидный цитоплазматический белок, который является частью белкового комплекса, соединяющего цитоскелет мышечного волокна с окружающим внеклеточным матриксом посредством клеточной мембраны. Дистрофин обеспечивает структурную стабильность дистрогликановому комплексу клеточной мембраны. Ген дистрофина составляет 2,2 мегаоснований в локусе Xp21. Первичная транскрипция составляет приблизительно 2400 т.п.о., при этом, размер зрелой мРНК составляет приблизительно 14 т.п.о. 79 экзонов кодируют белок, состоящий из более, чем 3500 аминокислот. Нормальная мышечная ткань скелета содержит лишь небольшое количество дистрофина, но его отсутствие или аномальная экспрессия приводят к развитию тяжелых и неизлечимых симптомов. Некоторые мутации в гене дистрофина приводят к продуцированию дефектного дистрофина и к развитию тяжелого дистрофического фенотипа у пациентов. Некоторые мутации в гене дистрофина приводят к продуцированию частично функционального белка дистрофина и к гораздо более мягкому фенотипу дистрофии у пациентов с такой дистрофией.

[00076] МДД является результатом наследуемых или спонтанных мутаций,

которые вызывают нонсенс-мутации или мутации со сдвигом рамки считывания в гене дистрофина. Природные мутации и их последствия при МДД относительно хорошо изучены. Делеции в рамке считывания, которые возникают в областях экзона 45-55 (фиг. 1, фиг.2), содержащихся палочкообразном домене, продуцировать В могут высокофункциональные белки-дистрофины, и у многих носителей этих белков симптомы либо отсутствуют, либо проявляются в легкой форме. Кроме того, теоретически, более 60% пациентов можно лечить путем воздействия на эту область в целом (экзоны 45-55) или на конкретные экзоны в этой области гена дистрофина (например, путем воздействия только на экзон 51). Были предприняты попытки восстановить рузрушенную рамку считывания дистрофина у пациентов с МДД путем вырезания несущественного(ых) экзона(ов) (например, вырезания экзона 51) во время сплайсинга мРНК для получения внутренне делетированных, но функциональных белков дистрофина. внутреннего(их) экзона(ов) дистрофина (например, экзона 51) сохраняет правильную рамку считывания и вызывает менее тяжелую мышечную дистрофию Беккера (МДБ). Генотип МДБ похож на МДД в том, что в гене дистрофина присутствуют делеции. Однако, делеции при МДБ оставляют рамку считывания нетронутой. Таким образом, создается усеченный изнутри, но частично функциональный белок дистрофин. МДБ имеет широкий спектр фенотипов, но в большинстве случаев, если делеции находятся между экзонами 45-55 дистрофина, то фенотип проявляется намного мягче по сравнению с МДД. Таким образом, изменение генотипа МДД на генотип МДБ является распространенной стратегией коррекции дистрофина. Существует множество стратегий коррекции дистрофина, многие из которых основаны на восстановлении рамки считывания эндогенного дистрофина. Это смещает генотип заболевания с МДД в сторону мышечной дистрофии Беккера. Многие пациенты с МДБ имеют внутригенные делеции, которые поддерживают трансляционную рамку считывания, что приводит к образованию более короткого, но, в основном, функционального белка дистрофина.

[00077] В некоторых вариантах осуществления изобретения, модификация экзонов 45-55 (такая как делеция или вырезание экзонов 45-55, например, посредством NHEJ) для восстановления рамки считывания ослабляет фенотип МДД у индивидуумов, включая индивидуумов с МДД с делеционными мутациями. Экзоны 45-55 гена дистрофина включают 45-й экзон, 46-й экзон, 47-й экзон, 48-й экзон, 49-й экзон, 50-й экзон, 51-й экзон, 52-й экзон, 53-й экзон, 54-й экзон и 55-й экзон гена дистрофина. Мутации в области экзона 45-55 идеально подходят для постоянной коррекции посредством редактирования генома на основе NHEJ.

[00078] Раскрытые здесь генетические конструкции могут генерировать делеции в гене дистрофина. Ген дистрофина может представлять собой ген дистрофина человека. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор сконструирован так, чтобы он образовывал два двухцепочечных разрыва (первый двухцепочечный разрыв и второй двухцепочечный разрыв) в двух интронах (в первом интроне и во втором интроне), фланкирующих нужное положение гена дистрофина, и тем самым удалял сегмент гена

дистрофина, содержащий нужное положение дистрофина. «Нужное положение дистрофина» может представлять собой положение-мишень экзонов дистрофина или положение-мишень внутри экзонов дистрофина, как описано в настоящей заявке. Удаление положений-мишеней экзонов дистрофина может оптимизировать последовательность дистрофина у индивидуума, страдающего мышечной дистрофией Дюшенна. Так, например, такая делеция может улучшить функцию или активность белка дистрофина и/или приводить К ослаблению кодируемого симптомов патологического состояния индивидуума. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вырезание экзонов в положении-мишени дистрофина будет восстанавливать рамку считывания. Положение-мишень экзона дистрофина может включать один или более экзонов гена дистрофина. В некоторых вариантах осуществления изобретения, положение-мишень дистрофина включает экзон 51 гена дистрофина (например, гена дистрофина человека).

[00079] Раскрытая здесь генетическая конструкция может опосредовать высокоэффективное редактирование гена в области экзонов 45-55 гена дистрофина. Раскрытая здесь генетическая конструкция может восстанавливать экспрессию белка дистрофина в клетках пациентов с МДД.

[00080] Удаление экзонов 45-55 из транскрипта дистрофина путем вырезания экзонов может быть использовано для лечения приблизительно 50% всех пациентов с МДД. Этот класс мутаций дистрофина подходит для постоянной коррекции путем редактирования генома на основе NHEJ и HDR. Описанные здесь генетические конструкции были разработаны для направленной модификации экзонов 45-55 в гене дистрофина человека. Раскрытая здесь генетическая конструкция может быть перенесена в клетки человека с МДД и может опосредовать эффективную модификацию гена и конверсию правильную рамку считывания. Восстановление белка может сопровождаться восстановлением рамки считывания и обнаруживаться в основной популяции клеток, обработанных системой редактирования генов на основе CRISPR/Cas9.

b. Система CRISPR

[00081] Раскрытая здесь генетическая конструкция может кодировать систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, специфичную для гена дистрофина. Используемые здесь термины «кластеризованные регулярно перемежающиеся короткие палиндромные повторы» и «CRISPR» являются синонимами и относятся к локусам, содержащим множество коротких прямых повторов, которые обнаруживаются в геномах приблизительно у 40% секвенированных бактерий и 90% секвенированных архебактерий. Система CRISPR представляет собой систему микробных нуклеаз, участвующую в защите от фагов и плазмид и обеспечивающую форму приобретенного иммунитета. Локусы CRISPR в микробах-хозяевах содержат комбинацию CRISPR-ассоциированных (Cas) генов, а также некодирующих элементов РНК, способных программировать специфичность CRISPR-опосредованного расщепления нуклеиновой кислоты. Короткие сегменты чужеродной ДНК, называемые спейсерами, включаются в геном между

повторами CRISPR и служат «памятью» о прошлых воздействиях. Саѕ 9 образует комплекс с 3'-концом оцрРНК (также называемой здесь «рРНК»), и пара белок-РНК распознает свою геномную мишень посредством комплементарного спаривания оснований между 5'-концом последовательности оцрРНК и предварительно определенной 20 п.о.-последовательностью ДНК, известной как протоспейсер. Этот комплекс направлен на гомологичные локусы патогенной ДНК посредством областей, кодируемых внутри сг-РНК, то есть, посредством протоспейсеров и мотивов, смежных с протоспейсерами (РАМ) в геноме патогена. Некодирующий массив CRISPR транскрибируется и расщепляется внутри прямых повторов на короткие сг-РНК, содержащие отдельные спейсерные последовательности, которые направляют нуклеазы Саѕ к сайту-мишени (протоспейсеру). Благодаря простой замене 20 п.о.-последовательности распознавания экспрессируемой оцрРНК, нуклеаза Саѕ 9 может быть направлена на новые геномные мишени. Спейсеры CRISPR используют для распознавания и сайленсинга экзогенных генетических элементов по механизму, аналогичному РНКи в эукариотических организмах.

[00082] Известны три класса систем CRISPR (эффекторные системы типов I, II и III). Эффекторная система типа II осуществляет целевой двухцепочечный разрыв ДНК в четыре последовательных стадии посредством одного эффекторного фермента Cas9 для расщепления дцДНК. По сравнению с эффекторными системами типа I и типа III, которые требуют нескольких отдельных эффекторов, действующих как комплекс, эффекторная система типа II может функционировать в альтернативных организмах, таких как эукариотические клетки. Эффекторная система типа II состоит из длинной пре-сг-РНК, которая транскрибируется из спейсер-содержащего локуса CRISPR, белка cas9 и trаст-РНК, которые участвуют в процессировании пре-сг-РНК. tracr-РНК гибридизуются с повторяющимися областями, разделяющими спейсеры пре-сг-РНК, что таким образом, приводит к расщеплению дцРНК эндогенной РНКазой III. За этим расщеплением следует второе событие расщепления внутри каждого спейсера под действием Cas9 с образованием зрелых сг-РНК, которые остаются связанными с tracr-РНК и Cas9 и образуют комплекс Cas9:cr-РНК-tracr-РНК.

[00083] Комплекс Cas9:cr-PHK-tracr-PHK расплетает дуплекс ДНК и осуществляет поиск последовательностей, соответствующих ст-РНК для расщепления. Распознавание мишени происходит при обнаружении комплементарности между последовательностью «протоспейсера» в ДНК-мишени и оставшейся последовательностью спейсера в сr-РНК. Cas9 опосредует расщепление ДНК-мишени, если правильный мотив, смежный с протоспейсером (РАМ), также присутствует на 3'-конце протоспейсера. Для нацеливания на протоспейсер, последовательность должна непосредственно сопровождаться мотивом, смежным c протоспейсером (РАМ), то есть, короткой последовательностью, распознаваемой нуклеазой Cas9, которая необходима для расщепления ДНК. Различные системы типа II имеют различные PAM. Система CRISPR S. pyogenes может иметь последовательность РАМ для этой Cas9 (SpCas9), такую как 5'-NRG-3', где R представляет собой либо A, либо G, и характеризуется тем, что является специфичной в клетках человека. Уникальной способностью системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 является прямая способность одновременно нацеливаться на несколько различных геномных локусов посредством совместной экспрессии одного белка Cas9 с двумя или более оцрРНК. Так, например, система Streptococcus pyogenes типа II, по свей природе, предпочтительно использует последовательность «NGG», где «N» может быть любым нуклеотидом, но также может использовать и другие последовательности PAM, такие как «NAG» в сконструированных системах (Hsu et al., Nature Biotechnology (2013) doi:10.1038/nbt.2647). Аналогичным образом, Cas9, происходящий от Neisseria meningitidis (NmCas9), обычно имеет нативный PAM NNNNGATT, но обладает активностью в различных PAM, включая сильно вырожденный PAM NNNNGNNN (Esvelt et al. Nature Methods (2013) doi:10.1038/nmeth. 2681).

[00084] Молекула Cas9 S. aureus распознает мотив последовательности NNGRR (R=A или G) (SEQ ID NO: 25) и направляет расщепление последовательности нуклеиновой кислоты-мишени, расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула Cas9 S. aureus распознает мотив последовательности NNGRRN (R=A или G) (SEQ ID NO: 26) и направляет расщепление последовательности нуклеиновой кислотымишени, расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула Cas9 S. aureus распознает мотив последовательности NNGRRT (R=A или G) (SEQ ID NO: 27) и направляет расщепление последовательности нуклеиновой кислоты-мишени расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула Саѕ9 S. aureus распознает мотив последовательности NNGRRV (R=A или G) (SEQ ID NO: 28) и направляет последовательности нуклеиновой кислоты-мишени. расщепление расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В вышеупомянутых вариантах осуществления изобретения, N может представлять собой любой нуклеотидный остаток, например, любой из А, G, С или Т. Молекулы Cas9 могут быть сконструированы для изменения специфичности молекулы Cas9 к PAM.

i) Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9

[00085] Было показано, что сконструированная форма эффекторной системы типа II Streptococcus pyogenes функционирует в человеческих клетках с образованием геномной последовательности. В этой системе, белок Cas9 был направлен к сайтам-мишеням генома с помощью синтетически восстановленной «руководящей РНК» («pPHK», которая также называется здесь химерной одноцепочечной руководящей РНК («оцрРНК»)), которая представляет собой гибрид сг-РНК и tracr-РНК, что устраняет необходимость в процессинге РНКазы III и сг-РНК в целом. В настоящей заявке описаны сконструированные системы на основе CRISPR/Cas9 для их использования в целях редактирования генома и лечения генетических заболеваний. Сконструированные

системы на основе CRISPR/Cas9 могут быть разработаны для нацеливания на любой ген, включая гены, участвующие в развитии генетического заболевания, в старении, в регенерации тканей или в заживлении ран. Системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 могут включать белок Cas9 или слитый белок Cas9 и по меньшей мере одну рРНК. В некоторых вариантах осуществления изобретения, система включает две молекулы рРНК. Слитый белок Cas9 может, например, включать домен, который имеет другую активность, то есть, он является эндогенным по отношению к Cas9, например, домен трансактивации.

[00086] Ген-мишень (например, ген дистрофина, например, ген дистрофина человека) может участвовать в дифференцировке клетки или в любом другом процессе, в котором может оказаться желательной активация гена, или может иметь мутацию, такую как мутация со сдвигом рамки считывания или нонсенс-мутация. Если ген-мишень имеет мутацию, которая вызывает образование преждевременного стоп-кодона, аберрантного акцепторного сайта сплайсинга или аберрантного донорного сайта сплайсинга, то система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может быть разработана для распознавания и связывания нуклеотидной последовательности, расположенной выше или ниже от преждевременного стоп-кодона, аберрантного акцепторного сайта сплайсинга или аберрантного донорного сайта сплайсинга. Система на основе CRISPR-Cas9 также может быть использована для дизрупции нормального сплайсинга генов посредством нацеливания на акцепторы и доноры сплайсинга, так, чтобы индуцировать вырезание преждевременных стоп-кодонов или восстановление нарушенной рамки считывания. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может опосредовать, а может и не опосредовать, нежелательные изменения в белок-кодирующих областях генома.

(1) Молекулы Cas9 и слитые белки Cas9

[00087] Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может включать белок Cas9 или слитый белок Cas9. Белок Cas9 представляет собой эндонуклеазу, которая расщепляет нуклеиновую кислоту, кодируется локусами CRISPR и участвует в системе CRISPR типа II. Белок Cas9 может происходить от бактерий любого вида или архебактерий, включая, но не ограничиваясь ими, Streptococcus pyogenes, Staphylococcus aureus (S. aureus), Acidovorax avenae, Actinobacillus pleuropneumoniae, Actinobacillus succinogenes, Actinobacillus suis, Actinomyces sp., cycliphilus denitrificans, Aminomonas paucivorans, Bacillus cereus, Bacillus smithii, Bacillus thuringiensis, Bacteroides sp., Blastopirellula marina, Bradyrhizobium sp., Brevibacillus laterosporus, Campylobacter coli, Campylobacter jejuni, Campylobacter lari, Candidatus Puniceispirillum, Clostridium cellulolyticum, Clostridium perfringens, Corynebacterium accolens, Corynebacterium diphtheria, Corynebacterium matruchotii, Dinoroseobacter shibae, Eubacterium dolichum, gamma proteobacterium, Gluconacetobacter diazotrophicus, Haemophilus parainfluenzae, Haemophilus sputorum, Helicobacter canadensis, Helicobacter cinaedi, Helicobacter mustelae, Ilyobacter polytropus, Kingella kingae, Lactobacillus crispatus, Listeria ivanovii, Listeria monocytogenes, Listeriaceae bacterium, Methylocystis sp., Methylosinus trichosporium,

Mobiluncus mulieris, Neisseria bacilliformis, Neisseria cinerea, Neisseria flavescens, Neisseria Neisseria wadsworthii, Nitrosomonas lactamica. Neisseria sp., sp., lavamentivorans, Pasteurella multocida, Phascolarctobacterium succinatutens, Ralstonia syzygii, Rhodopseudomonas palustris, Rhodovulum sp., Simonsiella muelleri, Sphingomonas sp., Sporolactobacillus vineae, Staphylococcus lugdunensis, Streptococcus sp., Subdoligranulum sp., Tistrella mobilis, Treponema sp., или Verminephrobacter eiseniae. В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула Cas9 представляет собой молекулу Cas9 Streptococcus pyogenes (также называемую здесь «SpCas9»). В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула Cas9 представляет собой молекулу Cas9 Staphylococcus aureus (также называемую здесь «SaCas9»).

[00088] Молекула Cas9 или слитый белок Cas9 может взаимодействовать с одной или с несколькими молекулами рРНК и, вместе с молекулой (молекулами) рРНК, локализуется в сайте, который содержит домен-мишень, а в некоторых вариантах осуществления изобретения, последовательность РАМ. Способность молекулы Cas9 или слитого белка Cas9 распознавать последовательность РАМ может быть определена, например, с помощью анализа на трансформацию, известного специалистам в данной области.

[00089] В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекулы Cas9 или слитого белка Cas9 взаимодействовать с нуклеиновой кислотоймишенью и расщеплять нуклеиновую кислоту-мишень, зависит от последовательности РАМ. Последовательность РАМ представляет собой последовательность нуклеиновой кислоты-мишени. В некоторых вариантах осуществления изобретения, расщепление нуклеиновой кислоты-мишени происходит выше последовательности РАМ. Молекулы Cas9 бактерий различных видов могут распознавать различные мотивы последовательностей (например, последовательности РАМ). В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула Cas9 S. aureus распознает мотив последовательности NNGRR (R=A или G) (SEQ ID NO: 25) и направляет расщепление последовательности нуклеиновой кислоты-мишени, расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В некоторых вариантах осуществления изобретения, S. молекула Cas9 aureus распознает мотив последовательности NNGRRN (R=A или G) (SEQ ID NO: 26) и направляет расщепление последовательности нуклеиновой кислоты-мишени, расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В некоторых вариантах S. осуществления изобретения, молекула Cas9 aureus распознает мотив последовательности NNGRRT (R=A или G) (SEQ ID NO: 27) и направляет расщепление последовательности нуклеиновой кислоты-мишени, расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В некоторых вариантах Cas9 осуществления изобретения, молекула S. aureus распознает последовательности NNGRRV (R=A или G; V=A или C или G) (SEQ ID NO: 28) и направляет расщепление последовательности нуклеиновой кислоты-мишени,

расположенной в пределах от 1 до 10, например, от 3 до 5 п.о. выше этой последовательности. В вышеупомянутых вариантах осуществления изобретения, N может представлять собой любой нуклеотидный остаток, например, любой из A, G, C или T. Молекулы Cas9 могут быть сконструированы для изменения специфичности молекулы Cas9 к PAM.

[00090] В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор кодирует по меньшей мере одну молекулу Cas9, которая распознает мотив, смежный с протоспейсером (PAM), либо NNGRRT (SEQ ID NO: 27), либо NNGRRV (SEQ ID NO: 28). В некоторых вариантах осуществления изобретения, по меньшей мере одна молекула Cas9 представляет собой молекулу Cas9 S. aureus. В некоторых вариантах осуществления изобретения, по меньшей мере одна молекула Cas9 представляет собой мутантную молекулу Cas9 S. aureus.

[00091] Дополнительно или альтернативно, нуклеиновая кислота, кодирующая молекулу Cas9 или полипептид Cas9, может содержать последовательность ядерной локализации (NLS). Последовательности ядерной локализации известны специалистам в данной области.

[00092] Типичные оптимизированные по кодонам последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующие молекулу Cas9 S. aureus и необязательно содержащие последовательности ядерной локализации (NLS), представлены в SEQ ID NO: 31-37. Другой пример оптимизированной по кодонам последовательности нуклеиновой кислоты, кодирующей молекулу Cas9 S. aureus, включает нуклеотиды 1293-4451 SEQ ID NO: 38.

[00093] В некоторых вариантах осуществления изобретения, нуклеотидная последовательность, кодирующая молекулу Cas9 S. aureus, включает полинуклеотидную последовательность SEQ ID NO: 37. Аминокислотная последовательность молекулы Cas9 S. aureus представлена в SEQ ID NO: 39. Аминокислотная последовательность молекулы Cas9 S. aureus представлена в SEQ ID NO: 40.

[00094] Альтернативно или дополнительно, система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может включать слитый белок. Слитый белок может содержать два гетерологичных полипептидных домена, где первый полипептидный домен содержит белок Cas, а второй полипептидный домен обладает активностью, такой как активация транскрипции, репрессия транскрипции, активность фактора высвобождения транскрипции, активность модификации гистонов, нуклеазная активность, способность ассоциироваться с нуклеиновой кислотой, метилазная активность или деметилазная активность. Слитый белок может включать белок Cas9 или мутированный белок Cas9, связанный со вторым полипептидным доменом, который обладает такой активностью, как активация транскрипции, репрессия транскрипции, активность фактора высвобождения транскрипции, активность модификации гистонов, нуклеазная активность, способность ассоциироваться с нуклеиновой кислотой, метилазная активность или деметилазная активность.

(а) Способность к активации транскрипции

[00095] Второй полипептидный домен может обладать способностью к активации транскрипции, то есть, он может иметь домен трансактивации. Так, например, экспрессия эндогенных генов млекопитающих, таких как гены человека, может быть достигнута путем нацеливания слитого белка iCas9 и домена трансактивации на промоторы млекопитающих посредством комбинаций рРНК. Домен трансактивации может включать белок р300, белок VP16, множество белков VP16, таких как домен VP48 или домен VP64, или домен р65 фактора активации транскрипции каппа В NF. Так, например, слитый белок может представлять собой dCas9-VP64 или dCas9-p300.

(b) Способность к репрессии транскрипции

[00096] Второй полипептидный домен может обладать способностью к репрессии транскрипции. Второй полипептидный домен может обладать активностью ассоциации с боксом Круппеля, и таким доменом является домен KRAB; активностью доменарепрессора ERF; активностью домена-репрессора Mxil; активностью домена-репрессора SID4X; активностью домена-репрессора Mad-SID; или активностью белка, связывающегося с TATA-боксом. Так, например, слитый белок может представлять собой dCas9-KRAB.

(с) Активность фактора высвобождения транскрипции

[00097] Второй полипептидный домен может обладать активностью фактора высвобождения транскрипции. Второй полипептидный домен может обладать активностью эукариотического фактора высвобождения 1 (ERF1) или активностью эукариотического фактора высвобождения 3 (ERF3).

(d) Активность модификации гистонов

[00098] Второй полипептидный домен может обладать активностью модификации гистонов. Второй полипептидный домен может обладать гистон-деацетилазной, гистонацетилтрансферазной, гистон-деметилазной или гистон-метилтрансферазной активностью. Гистон-ацетилтрансфераза может представлять собой белок р300 или СREB-связывающий белок (СВР) или их фрагменты. Так, например, слитый белок может представлять собой dCas9-p300.

(е) Нуклеазная активность

[00099] Второй полипептидный домен может обладать нуклеазной активностью, отличающейся от нуклеазной активности белка Cas9. Нуклеаза или белок, обладающий нуклеазной активностью, представляет собой фермент, способный расщеплять фосфодиэфирные связи между нуклеотидными субъединицами нуклеиновых кислот. Нуклеазы обычно подразделяются на эндонуклеазы и экзонуклеазы, хотя некоторые из этих ферментов могут относиться к обеим категориям. Хорошо известными нуклеазами являются дезоксирибонуклеаза и рибонуклеаза.

(е) Активность ассоциации нуклеиновых кислот

[000100] Второй полипептидный домен может обладать способностью ассоцироваться с нуклеиновыми кислотами, или иметь ДНК-связывающий домен белка, связывающегося с нуклеиновой кислотой (DBD), и этот домен независимо представляет

собой домен конформационного белка, который содержит по меньшей мере один мотив, распознающий двух- или одноцепочечную ДНК. DBD может распознавать специфическую последовательность ДНК (последовательность распознавания) или иметь общую аффинность по отношению к ДНК. Область ассоциации нуклеиновых кислот выбрана из группы, состоящей из области спирали-витка-спирали, области «лейциновой молнии», области крыловидной спирали, области крыловидной спирали-витка-спирали, области спирали-петли-спирали, иммуноглобулинвой складки, домена В3, «цинкового пальца», НМG-бокса, домена Wor3, и домена, связывающегося с ДНК эффектора ТАL.

(g) Метилазная активность

[000101] Второй полипептидный домен может обладать метилазной активностью, которая обеспечивает перенос метильной группы на ДНК, РНК, белок, небольшую молекулу, цитозин или аденин. Второй полипептидный домен может включать ДНК-метилтрансферазу.

(h) Деметилазная активность

[000102] Второй полипептидный домен может обладать деметилазной активностью. Второй полипептидный домен может включать фермент, который удаляет метильные группы (СН3-группы) из нуклеиновых кислот, белков (в частности, гистонов) и других молекул. Альтернативно, второй полипептид может скрывать метильную группу в гидроксиметилцитозине по механизму деметилирования ДНК. Второй полипептид может катализировать эту реакцию. Так, например, вторым полипептидом, который катализирует эту реакцию, может быть Tet1.

(2) рРНК, нацеленная на ген дистрофина

[000103] Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 включает по меньшей мере одну молекулу рРНК, например, две молекулы рРНК. рРНК обеспечивает нацеливание системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. pPHK представляет собой слитую молекулу из двух некодирующих РНК: ст-РНК и tracr-РНК. оцрРНК может нацеливаться на любую нужную последовательность ДНК посредством замены последовательности, кодирующей протоспейсер из 20 п.о., что будет сообщать специфичность к мишени посредством спаривания комплементарных оснований с нужной ДНК-мишенью. pPHK имитирует природный дуплекс cr-PHK:tracr-PHK, участвующий в функционировании эффекторной системы типа ІІ. Этот дуплекс, который может включать, например, ст-РНК из 42 нуклеотидов и tracr-РНК из 75 нуклеотидов, действует как руководящая последовательность для Cas9 по расщеплению нуклеиновой кислотымишени. Используемые здесь термины «область-мишень», «последовательность-мишень» или «протоспейсер» могут употребляться как синонимы и относятся к области генамишени (например, гена дистрофина), на которую нацелена система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может включать по меньшей мере одну рРНК, где каждая рРНК нацелена на другую последовательность ДНК. Последовательности ДНК-мишени могут перекрываться. За последовательностью-мишенью или протоспейсером следует последовательность РАМ на 3'-конце протоспейсера. Различные системы типа II имеют различные РАМ. Так, например, система Streptococcus pyogenes типа II использует последовательность «NGG», где «N» может быть любым нуклеотидом. В некоторых вариантах осуществления изобретения, последовательность РАМ может представлять собой «NGG», где «N» может быть любым нуклеотидом. В некоторых вариантах осуществления изобретения, последовательность РАМ может представлять собой NNGRRT (SEQ ID NO: 27) или NNGRRV (SEQ ID NO: 28).

[000104] Количество молекул рРНК, кодируемых раскрытой здесь генетической конструкцией (например, AAV-вектором), может составлять по меньшей мере 1 рРНК, по меньшей мере 2 различных рРНК, по меньшей мере 3 различных рРНК, по меньшей мере 4 различных рРНК, по меньшей мере 5 различных рРНК, по меньшей мере 6 различных рРНК, по меньшей мере 7 различных рРНК, по меньшей мере 8 различных рРНК, по меньшей мере 9 различных рРНК, по меньшей мере 10 различных рРНК, по меньшей мере 11 различных рРНК, по меньшей мере 12 различных рРНК, по меньшей мере 13 различных рРНК, по меньшей мере 14 различных рРНК, по меньшей мере 15 различных рРНК, по меньшей мере 16 различных рРНК, по меньшей мере 17 различных рРНК, по меньшей мере 18 различных рРНК, по меньшей мере 19 различных рРНК, по меньшей мере 20 различных рРНК, по меньшей мере 25 различных рРНК, по меньшей мере 30 различных нРНК, по меньшей мере 35 различных рРНК, по меньшей мере 40 различных рРНК, по меньшей мере 45 различных рРНК или по меньшей мере 50 различных рРНК. Количество молекул рРНК, кодируемых раскрытой здесь генетической конструкцией, может составлять менее, чем 50 рРНК, менее, чем 45 различных рРНК, менее, чем 40 различных рРНК, менее, чем 35 различных рРНК, менее, чем 30 различных рРНК, менее, чем 25 различных рРНК, менее, чем 20 различных рРНК, менее, чем 19 различных рРНК, менее, чем 18 различных рРНК, менее, чем 17 различных рРНК, менее, чем 16 различных рРНК, менее, чем 15 различных рРНК, менее, чем 14 различных рРНК, менее, чем 13 различных рРНК, менее, чем 12 различных рРНК, менее, чем 11 различных рРНК, менее, чем 10 различных рРНК, менее, чем 9 различных рРНК, менее, чем 8 различных рРНК, менее, чем 7 различных рРНК, менее, чем 6 различных рРНК, менее, чем 5 различных рРНК, менее, чем 4 различных рРНК, или менее, чем 3 различных рРНК. Количество рРНК, кодируемых раскрытой здесь генетической конструкцией, может составлять по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 50 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 45 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 40 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 35 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 30 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 25 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 20 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 16 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 12 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 8 различных рРНК, по меньшей мере от 1 рРНК до по меньшей мере 4 различных рРНК, по меньшей мере от 4

рРНК до по меньшей мере 50 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 45 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере для 40 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 35 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 30 различных мРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 25 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 20 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 16 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 12 различных рРНК, по меньшей мере от 4 различных рРНК до по меньшей мере 8 различных рРНК, по меньшей мере от 8 различных рРНК до по меньшей мере 50 различных рРНК, по меньшей мере от 8 различных рРНК до по меньшей мере 45 различных рРНК, по меньшей мере от 8 различных рРНК до по меньшей мере 40 различных рРНК, по меньшей мере от 8 различных рРНК до по меньшей мере 35 различных рРНК, от 8 различных мРНК до по меньшей мере 30 различных рРНК, по меньшей мере от 8 различных рРНК до по меньшей мере 25 различных рРНК, от 8 различных рРНК до по меньшей мере для 20 различных рРНК, по меньшей мере от 8 различных рРНК до по меньшей мере 16 различных рРНК или от 8 различных рРНК до по меньшей мере 12 различных рРНК. В некоторых вариантах осуществления изобретения, генетическая конструкция (например, AAV-вектор) кодирует одну молекулу рРНК, то есть, первую молекулу рРНК и, необязательно, молекулу Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, первая генетическая конструкция (например, первый ААVвектор) кодирует одну молекулу рРНК, то есть, первую молекулу рРНК и, необязательно, молекулу Cas9, а вторая генетическая конструкция (например, второй AAV-вектор) кодирует одну молекулу рРНК, то есть, вторую молекулу рРНК и необязательно молекулу Cas9.

[000105] Молекула рРНК содержит нацеливающий домен (также называемый нацеливающей последовательностью), который представляет собой полинуклеотидную последовательность, комплементарную последовательности-мишени ДНК, за которой следует последовательность РАМ. рРНК \ll G \gg может содержать 5'-конце нацеливающего домена или комплементарной полинуклеотидной последовательности. Нацеливающий домен молекулы рРНК может содержать по меньшей мере 10 пар оснований, по меньшей мере 11 пар оснований, по меньшей мере 12 пар оснований, по меньшей мере 13 пар оснований, по меньшей мере 14 пар оснований, по меньшей мере, 15 пар оснований, по меньшей мере 16 пар оснований, по меньшей мере 17 пар оснований, по меньшей мере 18 пар оснований, по меньшей мере 19 пар оснований, по меньшей мере 20 пар оснований, по меньшей мере 21 пару оснований, по меньшей мере 22 пары оснований, по меньшей мере 23 пары оснований, по меньшей мере 24 пары оснований, по меньшей мере 25 пар оснований, по меньшей мере 30 пар оснований или по меньшей мере 35 пар оснований полинуклеотидной последовательности, комплементарной последовательности ДНК-мишени, за которой следует последовательность РАМ. Нацеливающий домен молекулы рРНК может содержать менее, чем 40 пар оснований, менее, чем 35 пар оснований, менее, чем 30 пар оснований, менее, чем 25 пар оснований, менее, чем 20 пар оснований, менее, чем 19 пар оснований, менее, чем 18 пар оснований, менее, чем 17 пар оснований, менее, чем 16 пар оснований, менее, чем 15 пар оснований, менее, чем 14 пар оснований, менее, чем 13 пар оснований, менее, чем 12 пар оснований, менее, чем 11 пар оснований или менее, чем 10 пар оснований полинуклеотидной последовательности, комплементарной последовательности ДНК-мишени, которой следует за последовательность PAM. В некоторых вариантах осуществления изобретения, нацеливающий домен молекулы рРНК имеет длину 19-25 нуклеотидов. В некоторых вариантах осуществления изобретения, нацеливающий домен молекулы рРНК имеет нуклеотидов. В некоторых вариантах осуществления изобретения, нацеливающий домен молекулы рРНК имеет длину в 21 нуклеотид. В некоторых вариантах осуществления изобретения, нацеливающий домен молекулы рРНК имеет нуклеотида. В некоторых вариантах осуществления изобретения, длину в 22 нацеливающий домен молекулы рРНК имеет длину в 23 нуклеотида.

[000106] рРНК может быть нацелена на область гена дистрофина (DMD). В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК может нацеливаться по меньшей мере на один из экзонов, интронов, промоторной области, энхансерной области, транскрибируемой области гена дистрофина. В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула рРНК нацелена на интрон 44 гена дистрофина человека. В некоторых вариантах осуществления изобретения, молекула рРНК нацелена на интрон 55 гена дистрофина человека. В некоторых вариантах осуществления изобретения, первая рРНК и вторая рРНК нацелены на интрон гена дистрофина человека, что приводит к 45-55. рРНК c делеции экзонов может связываться полинуклеотидной последовательностью, соответствующей SEQ ID NO: 2 или с ее фрагментом или комплементом, и нацеливаться на эту последовательность. рРНК может кодироваться полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 2 или ее фрагмент или комплемент. Нацеливающая последовательность рРНК может содержать полинуклеотид SEQ ID NO: 2 или его фрагмент, такой как усеченный 5'-фрагмент или его комплемент. Усеченные последовательности могут быть, например, на 1, 2, 3, 4, 5, 6, 7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14 или 15 нуклеотидов короче, чем SEQ ID NO: 2. В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК может связываться с полинуклеотидом SEQ ID NO: 2 и нацеливаться на него. В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК может связываться с 5'-усеченным полинуклеотидом SEQ ID NO: 2 и нацеливаться на него. pPHK может связываться с полинуклеотидной последовательностью, соответствующей SEQ ID NO: 3 или с ее фрагментом или комплементом и нацеливаться на них. pPHK может кодироваться полинуклеотидной последовательностью, содержащей SEQ ID NO: 3 или ее фрагмент или ее комплемент. Нацеливающая последовательность рРНК может содержать полинуклеотид SEQ ID NO: 3 или его фрагмент, такой как его усеченный 5'-фрагмент или его комплемент. Усеченные последовательности могут быть, например, на 1, 2, 3, 4, 5, 6,

7, 8, 9, 10, 11, 12, 13, 14 или 15 нуклеотидов короче, чем SEQ ID NO: 3. В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК может связываться с полинуклеотидом SEQ ID NO: 3 и нацеливаться на него. В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК может связываться с 5'-усеченным полинуклеотидом SEQ ID NO: 3 и нацеливаться на него. В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК, которая связывается с полинуклеотидной последовательностью, нацеливается на эту полинуклеотидную последовательность или кодируется этой полинуклеотидной последовательностью, содержащей или соответствующей SEQ ID NO: 2 или ее усеченный вариант, спаривается на эту полинуклеотидную последовательностью, нацеливается на эту полинуклеотидную последовательность или кодируется этой полинуклеотидной последовательностью, содержащей или соответствующей SEQ ID NO: 3 или ее усеченный вариант.

[000107] Одиночные или мультиплексные рРНК могут быть сконструированы для восстановления рамки считывания дистрофина путем нацеливания на «горячую точку» мутации в экзонах 45-55 дистрофина. После обработки описанным здесь вектором, экспрессия дистрофина может быть восстановлена в мышечных клетках пациента с болезнью Дюшенна in vitro. Дистрофин человека был детектирован in vivo после трансплантации генетически скорректированных клеток пациента иммунодефицитным мышам. Примечательно то, что уникальные способности системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 редактировать мультиплексные гены позволяют эффективно генерировать крупные делеции этой области «горячей точки» мутации, которые могут корректировать до 62% мутаций у пациента посредством универсальных или специфичных для пациента подходов редактирования генов. В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК-кандидаты оценивают и выбирают исходя из нежелательной активности, целевой активности, оцениваемой специалистами, и расстояния от экзона.

(3) Остов рРНК

[000108] Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 включает по меньшей мере один остов рРНК. Остов рРНК способствует связыванию Cas9 с рРНК и рРНК усиливает эндонуклеазную активность. Остов представляет собой полинуклеотидную последовательность, которая следует за нацеливающей последовательностью рРНК. Нацеливающая последовательность рРНК вместе с остовом рРНК образуют один полинуклеотид. В некоторых вариантах осуществления изобретения, остов рРНК содержит полинуклеотидную последовательность SEQ ID NO: 4 или ее комплемент. В некоторых вариантах осуществления изобретения, остов рРНК кодируется полинуклеотидной последовательностью SEQ ID NO: 4 или ее комплементом. В некоторых вариантах осуществления изобретения, рРНК содержит полинуклеотид, который нацелен на последовательность SEQ ID NO: 2 или SEQ ID NO: 3 или их усеченный вариант, и полинуклеотид, соответствующий остову pPHK SEQ ID NO: 4 или кодируемый остовом pPHK SEQ ID NO: 4.

3. Композиции для нацеливания на ДНК

[000109] Кроме того, в настоящей заявке описаны композиции для нацеливания на которые содержат указанные генетические конструкции. Композиции для нацеливания на ДНК включают по меньшей мере одну молекулу рРНК (например, две молекулы рРНК), которая нацелена на ген дистрофина (например, ген дистрофина человека), как описано выше. По меньшей мере одна молекула рРНК может связываться с областью-мишенью и распознавать ее. Области-мишени могут быть выбраны из областей, расположенных непосредственно перед возможными стоп-кодонами считывания, так, чтобы инсерции или делеции во время процесса репарации восстанавливали рамку считывания дистрофина посредством ее конверсии. Областимишени могут также представлять собой акцепторные сайты сплайсинга или донорные сайты сплайсинга, где инсерции или делеции во время процесса репарации нарушают сплайсинг и восстанавливают рамку считывания дистрофина за счет разрушения сайта сплайсинга и исключения экзонов. Области-мишени также могут представлять собой аберрантные стоп-кодоны, где инсерции или делеции во время процесса репарации восстанавливают рамку считывания дистрофина посредством удаления или разрушения стоп-кодона.

[000110] В некоторых вариантах осуществления изобретения, раскрытая здесь композиция для нацеливания на ДНК включает первую рРНК и вторую рРНК. Первая молекула рРНК и вторая молекула рРНК могут связываться с полинуклеотидом SEQ ID NO: 2 и SEQ ID NO: 3, соответственно, или с его усеченным вариантом или комплементом, или нацеливаться на них. Первая молекула рРНК и вторая молекула рРНК могут содержать полинуклеотид, соответствующий SEQ ID NO: 2 и SEQ ID NO: 3, соответственно, или его усеченный вариант или комплемент.

[000111] Эффективность делеции раскрытых здесь векторов может быть связана с размером делеции, то есть, с размером сегмента, удаленного векторами. В некоторых вариантах осуществления изобретения, длина или размер специфических делеций определяется расстоянием между последовательностями РАМ в гене, являющемся мишенью (например, в гене дистрофина). В некоторых вариантах осуществления изобретения, специфическая делеция сегмента гена дистрофина, которая определяется с точки зрения его длины и последовательности, которую он включает (например, экзон 51), является результатом разрывов, сделанных рядом со специфическими последовательностями РАМ в гене-мишени. (например, в гене дистрофина).

[000112] В некоторых вариантах осуществления изобретения, размер делеции составляет приблизительно от 50 до приблизительно 2000 пар оснований (п.о.), например, приблизительно от 50 до приблизительно 1999 п.о., приблизительно от 50 до приблизительно 1800 п.о., приблизительно от 50 до приблизительно От 50 до приблизительно От 50 до приблизительно От 50 до приблизительно 1600 п.о., приблизительно от 50 до приблизительно от 50 до

приблизительно 1400 п.о., приблизительно OT 50 до приблизительно 1300 п.о., приблизительно от 50 до приблизительно 1200 п.о., приблизительно от 50 до приблизительно 1150 п.о., приблизительно 50 приблизительно 1100 приблизительно приблизительно 1000 50 до п.о., приблизительно от 50 приблизительно 900 п.о., приблизительно ОТ 50 до приблизительно 850 п.о., приблизительно 50 до приблизительно 800 П.О., приблизительно от приблизительно приблизительно 50 приблизительно 700 750 п.о., ОТ до приблизительно приблизительно 600 приблизительно 50 ДΟ П.О., OT приблизительно 500 П.О., приблизительно ОТ 50 приблизительно 400 до приблизительно ОТ 50 приблизительно 350 п.о., приблизительно от до приблизительно приблизительно 50 приблизительно 300 П.О., ОТ до 250 приблизительно от 50 приблизительно приблизительно от 50 до 200 п.о., приблизительно 150 п.о., приблизительно до приблизительно ОТ 50 приблизительно от 100 до приблизительно 1999 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1900 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1800 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1700 п.о., приблизительно от приблизительно 1650 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1600 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1500 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1400 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1300 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1200 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно от 100 до приблизительно 1100 приблизительно 1150 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 1000 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно от 100 до приблизительно 850 п.о., приблизительно 900 п.о., приблизительно 100 до приблизительно 800 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 750 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 700 приблизительно 100 до приблизительно 600 п.о., приблизительно от приблизительно п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 400 1000 приблизительно приблизительно до 350 приблизительно п.о., приблизительно 300 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 250 приблизительно от 100 до приблизительно 200 п.о., приблизительно от 100 до приблизительно 150 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно от 200 до приблизительно 1900 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно приблизительно приблизительно от 200 до приблизительно 1700 п.о., 1800 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 1650 п.о., приблизительно от 200 приблизительно 1600 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 1500 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 1400 п.о., приблизительно от 200 приблизительно 1300 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 1200 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 1150 п.о., приблизительно от 200 до 1100 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 1000 п.о., приблизительно приблизительно от 200 до приблизительно 900 п.о., приблизительно от 200 до

приблизительно 850 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 800 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 750 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 700 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 600 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 2000 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 400 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 350 п.о., приблизительно от 200 до приблизительно 300 п.о., приблизительно от 200 до 250 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1999 п.о., приблизительно приблизительно от 300 до приблизительно 1900 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1800 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1700 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1650 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1600 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1500 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1400 п.о., приблизительно от 300 до 1300 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1200 п.о., приблизительно приблизительно от 300 до приблизительно 1150 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1100 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 1000 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 900 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 850 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 800 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 750 п.о., приблизительно от 300 до 700 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 600 п.о., приблизительно приблизительно от 300 до приблизительно 3000 п.о., приблизительно от 300 до приблизительно 400 п.о., или приблизительно от 300 до приблизительно 350 п.о. В некоторых вариантах осуществления изобретения, размер делеции может составлять приблизительно 118 пар оснований, приблизительно 233 пары оснований, приблизительно 326 пар оснований, приблизительно 766 пар оснований, приблизительно 805 пар оснований или приблизительно 1611 пар оснований.

4. Композиции для редактирования генома в мышцах

[000113] В настоящей заявке раскрывается генетическая конструкция или ее композиция для редактирования гена-мишени в геноме индивидуума, такого как, например, ген-мишень в скелетной мышце и/или в сердечной мышце индивидуума. Генетическая конструкция может представлять собой вектор. Вектор может представлять собой модифицированный AAV-вектор. Композиция может включать полинуклеотидную последовательность, кодирующую систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Композиция может доставлять активные формы систем редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 в скелетные мышцы или сердечные мышцы. Раскрытые здесь генетические конструкции могут быть использованы для коррекции или снижения эффектов мутаций в гене дистрофина, участвующем в развитии генетических заболеваний и/или других состояний скелетных или сердечных мышц, таких как, например, МДД. Композиция может дополнительно включать донорную ДНК или трансген. Эти композиции могут быть использованы для редактирования генома, конструирования генома и коррекции или снижения эффектов мутаций в генах, участвующих в развитии генетических заболеваний

и/или других состояний скелетных и/или сердечных мышц.

а. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 для нацеливания на дистрофин

[000114] В настоящей заявке раскрывается система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, специфичная для гена дистрофина. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может включать Cas9 и по меньшей мере одну рРНК для нацеливания на ген дистрофина. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может связываться с областью-мишенью и распознавать эту область. Области-мишени могут быть выбраны из областей, расположенных непосредственно перед возможными стоп-кодонами вне рамки считывания, так, чтобы инсерции или делеции во время процесса репарации восстанавливали рамку считывания дистрофина посредством ее конверсии. Области-мишени могут также представлять собой акцепторные сайты сплайсинга или донорные сайты сплайсинга, где инсерции или делеции во время процесса репарации нарушают сплайсинг и восстанавливают рамку считывания дистрофина за счет разрушения сайта сплайсинга и исключения экзонов. Области-мишени также могут также представлять собой аберрантные стоп-кодоны, где инсерции или делеции во время процесса репарации восстанавливают рамку считывания дистрофина посредством удаления или разрушения стоп-кодона. Области-мишени могут включать интрон гена дистрофина. Области-мишени могут включать экзон гена дистрофина.

b. Аденоассоциированные вирусные векторы

[000115] Композиция также может включать вирусную систему доставки. В осуществления изобретения, вариантах вектор представляет собой некоторых аденоассоциированный вирусный (AAV) вектор. АAV-вектор представляет собой небольшой вирус, принадлежащий к роду Dependovirus семейства Parvoviridae, который инфицирует человека и некоторые другие виды приматов. AAV-векторы могут быть использованы для доставки систем редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 с использованием конструкций различных конфигураций. Так, например, AAV-векторы могут доставлять экспрессионные кластеры Cas9 и рРНК в отдельные векторы или в один и тот же вектор. Альтернативно, если используются небольшие белки Cas9, происходящие от бактерий таких видов, как Staphylococcus aureus или Neisseria meningitidis, то кластеры, экспрессирующие Cas9 и до двух рРНК могут быть объединены в один AAV-вектор в пределах упаковки 4,7 т.п.о.

[000116] В некоторых вариантах осуществления изобретения, ААV-вектор представляет собой модифицированный ААV-вектор. Модифицированный ААV-вектор может обладать повышенным тропизмом по отношению к ткани сердца и скелетных мышц. Модифицированный ААV-вектор может обладать способностью доставлять систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 в клетку млекопитающего и экспрессировать эту систему в клетке. Так, например, модифицированный ААV-вектор может представлять собой вектор AAV-SASTG (Piacentino et al. (2012) Human Gene Therapy 23:635-646). Модифицированный ААV-вектор может доставлять нуклеазы в

скелетную и сердечную мышцу in vivo. Модифицированный AAV-вектор может быть основан на одном или более капсидах нескольких типов, включая AAV1, AAV2, AAV5, AAV6, AAV8 и AAV9. Модифицированный AAV-вектор может быть получен на основе псевдотипа AAV2 с альтернативными капсидами AAV, обладающими тропизмом по отношению к мышцам, такими как AAV2/1, AAV2/6, AAV2/7, AAV2/8, AAV2/9, AAV2.5, и на основе вектора AAV/SASTG, который эффективно доставляется в скелетные мышцы или сердечные мышцы посредством системной и местной доставки (Seto et al. Current Gene Therapy (2012) 12:139-151). Модифицированный AAV-вектор может представлять собой AAV2i8G9 (Shen et al. J. Biol. Chem. (2013) 288:28814-28823). AAV-вектор может представлять собой AAVrh74.

5. Способы

а. Способы редактирования генома в мышцах

[000117] В настоящей заявке раскрываются способы редактирования генома у индивидуума. Редактирование генома может происходить в скелетной мышце и/или в сердечной мышце индивидуума. Способ может включать введение в скелетную мышцу и/или в сердечную мышцу индивидуума системы или композиции для редактирования генома, как описано выше. Редактирование генома может включать коррекцию мутантного гена или встраивание трансгена. Коррекция мутантного гена может включать делецию, реаранжировку или замену мутантного гена. Коррекция мутантного гена может включать опосредованные нуклеазой NHEJ или HDR.

b. Способы коррекции мутантного гена и лечения индивидуума

[000118] В настоящей заявке раскрываются способы коррекции мутантного гена (например, мутантного гена дистрофина, например, мутантного гена дистрофина человека) в клетке и способы лечения индивидуума, страдающего генетическим заболеванием, таким как МДД. Способ может включать введение в клетку или индивидууму раскрытой здесь системы или генетической конструкции (например, вектора) или композиции, содержащей эти системы или конструкции, как описано выше. Способ может включать введение в скелетную мышцу и/или в сердечную мышцу индивидуума раскрытой здесь системы или генетической конструкции (например, вектора) или или композиции, содержащей эти системы или конструкции, как описано выше, для редактирования генома в скелетной мышце и/или в сердечной мышце. Использование описанной здесь системы или генетической конструкции (например, вектора) или содержащей их композиции для доставки системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 в скелетную или сердечную мышцу может восстанавливать экспрессию полностью функционального или частично функционального белка с репарацией матрицы или донорной ДНК, которые могут заменить весь ген или область, содержащую мутацию. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может быть использована для введения сайт-специфичных двухцепочечных разрывов в геномные локусы-мишени. Сайт-специфические двухцепочечные разрывы образуются в том случае, когда система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 связывается с

последовательностями ДНК-мишени, что приводит к расщеплению ДНК-мишени. Это расщепление ДНК может стимулировать природный механизм репарации ДНК и обеспечивает один из двух возможных путей репарации: путь гомологично-направленной репарации (HDR) или путь негомологичного соединения концов (NHEJ).

[000119] В настоящей заявке раскрывается редактирование генома с помощью системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 без репарационной матрицы, что позволяет эффективно корректировать рамку считывания и восстанавливать экспрессию функционального белка, участвующего в развитии генетического заболевания. Раскрытые здесь системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 могут быть использованы в соответствии с мехаизмами коррекции на основе гомологически направленной репарации или опосредованном нуклеазами негомологичном соединении концов (NHEJ), которые обеспечивают эффективную коррекцию в ограниченных пролиферацией первичных клеточных линиях, которые не могут быть подвергнуты гомологичной рекомбинации или коррекции генов на основе отбора. Эта стратегия объединяет в себе быструю и надежную сборку активных систем редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 с эффективным методом редактирования генов для лечения генетических заболеваний, вызываемых мутациями, в несущественных кодирующих областях, которые приводят к образованию сдвигов рамки считывания, преждевременных стоп-кодонов, аберрантных донорных сайтов сплайсинга или аберрантных акцепторных сайтов сплайсинга.

і) Опосредованное нуклеазой негомологичное соединение концов

[000120] Восстановление экспрессии белка из эндогенного мутантного гена может происходить посредством NHEJ-опосредуемой репарации ДНК без использования матрицы. В отличие от временного метода, нацеленного на ген-мишень РНК, коррекция рамки считывания гена-мишени в геноме посредством временно экспрессируемой системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может приводить к необратимому восстановлению экспрессии гена-мишени в каждой модифицированной клетке и во всем ее потомстве. В некоторых вариантах осуществления изобретения, NHEJ представляет собой опосредуемое нуклеазой NHEJ, которое в некоторых вариантах осуществления изобретения называется NHEJ и инициирует разрезание двухцепочечной ДНК молекулой Cas9. Способ включает введение раскрытой здесь генетической конструкции (например, вектора) или содержащей ее композиции в скелетную мышцу или в сердечную мышцу индивидуума для редактирования генома в скелетной мышце или в сердечной мышце.

[000121] Опосредуемая нуклеазой коррекция гена посредством NHEJ может корректировать мутированный ген-мишень и дает несколько потенциальных преимуществ по сравнению с путем HDR. Так, например, NHEJ не требует донорной матрицы, которая может вызывать неспецифический инсерционный мутагенез. В отличие от HDR, NHEJ эффективно действует на всех стадиях клеточного цикла, а поэтому может эффективно использоваться как на стадиях клеточного цикла, так и в постмитотических клетках, таких как клетки мышечных волокон. Это обеспечивает надежную, постоянную альтернативу восстановлению генов путем вырезания экзонов из олигонуклеотида или путем

фармакологического принудительного считывания стоп-кодонов и теоретически может потребовать использования всего лишь одного лекарственного средства. Коррекция генов на основе NHEJ с использованием системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, а также других сконструированных нуклеаз, включая мегануклеазы и нуклеазы «цинковые пальцы», может быть объединена с другими существующими методами ех vivo и in vivo для клеточной и генной терапии в дополнение к описнному здесь методу электропорации плазмиды. Так, например, доставка системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 посредством переноса генов на основе мРНК или в виде очищенных проходящих через клетку белков позволяет применять метод редактирования генома без ДНК, который будет предотвращать любую возможность инсерционного мутагенеза.

(ii) Гомологически направленная репарация

[000122] Восстановление экспрессии белка из эндогенного мутированного гена может включать гомологически направленную репарацию. Описанный выше способ дополнительно включает введение в клетку донорной матрицы. Донорная матрица может включать нуклеотидную последовательность, кодирующую полностью функциональный белок или частично функциональный белок. Так, например, донорная матрица может включать миниатюрную конструкцию дистрофина, называемую минидистрофином («minidys»), полностью функциональную конструкцию дистрофина для восстановления мутантного гена дистрофина или фрагмент гена дистрофина, который после гомологически направленной репарации приводит к восстановлению мутантного гена дистрофина.

ііі) Способы коррекции мутантного гена и лечения индивидуума с использованием CRISPR/Cas9

[000123] Настоящее изобретение также относится к редактированию генома с CRISPR/Cas9 использованием системы редактирования генов на основе восстановления экспрессии полностью функционального или частично функционального белка посредством репарационной матрицы или донорной ДНК, которая может заменить весь ген или область, содержащую мутацию. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может быть использована для введения сайт-специфических двухцепочечных локусы-мишени. Сайт-специфические разрывов геномные двухцепочечные разрывы создаются в том случае, когда система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 связывается с последовательностями ДНК-мишени посредством рРНК, что тем самым приводит к расщеплению ДНК-мишени. Система редактирования CRISPR/Cas9 основе обладает тем преимуществом, что благодаря высокоскоростной, успешной и эффективной генетической модификации будет осуществляться расширенное редактирование генома. Это расщепление ДНК может стимулировать природный механизм репарации ДНК и приводить к одному из двух возможных путей репарации: пути гомологически направленной репарации (HDR) или пути негомологичного соединения концов (NHEJ).

[000124] Настоящее изобретение относится к редактированию генома с

использованием системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 репарационной матрицы, что будет обеспечивать эффективную коррекцию рамки считывания и восстанавление экспрессии функционального белка, участвующего в развитии генетического заболевания. Раскрытые здесь системы и методы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 могут быть использованы в соответствии с механизмами коррекции на основе гомологически направленной репарации или опосредованном нуклеазами негомологичном соединении концов (NHEJ), которые обеспечивают эффективную коррекцию в ограниченных пролиферацией первичных клеточных линиях, которые не могут быть подвергнуты гомологичной рекомбинации или коррекции генов на основе отбора. Эта стратегия объединяет в себе быструю и надежную сборку активных систем редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 с эффективным методом редактирования генов для лечения генетических заболеваний, вызываемых мутациями, в несущественных кодирующих областях, которые приводят к образованию сдвигов рамки считывания, преждевременных стоп-кодонов, аберрантных донорных сайтов сплайсинга или аберрантных акцепторных сайтов сплайсинга

[000125] Настоящее изобретение относится к способам коррекции мутантного гена в клетке и к способам лечения индивидуума, страдающего генетическим заболеванием, таким как МДД. Эти способы могут включать введение в клетку или индивидууму системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, полинуклеотида или вектора, кодирующего указанную систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, или композиции указанной системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, как описано выше. Эти способы могут включать введение системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, такое как введение белка Cas9 или слитого белка Cas9, содержащего второй домен, обладающий нуклеазной активностью; нуклеотидной последовательности, кодирующей указанный белок Cas9 или слитый белок Cas9; и/или по меньшей мере одной рРНК, где рРНК нацелены на различные последовательности ДНК. Последовательности ДНК-мишени могут перекрываться. Количество рРНК, вводимых в клетку, может составлять по меньшей мере 1 рРНК, по меньшей мере 2 различных рРНК, по меньшей мере 3 различных рРНК, по меньшей мере 4 различных рРНК, по меньшей мере 5 различных рРНК, по меньшей мере 6 различных рРНК, по меньшей мере 7 различных рРНК, по меньшей мере 8 различных рРНК, по меньшей мере 9 различных рРНК, по меньшей мере 10 различных рРНК, по меньшей мере 15 различных рРНК, по меньшей мере 20 различных рРНК, по меньшей мере 30 различных рРНК или по меньшей мере 50 различных рРНК, как описано выше. Эти способы могут включать гомологически направленную репарацию или негомологичное соединение концов.

с. Способы лечения заболевания

[000126] Настоящее изобретение относится к способу лечения индивидуума, нуждающегося в этом. Этот способ включает введение в ткань индивидуума раскрытой здесь системы или генетической конструкции (например, вектора) или композиции, содержащей эти системы или конструкции, как описано выше. В некоторых вариантах

осуществления изобретения, способ может включать введение в скелетную мышцу или в сердечную мышцу индивидуума раскрытой здесь системы или генетической конструкции (например, вектора) или композиции, содержащей эти системы или конструкции, как описано выше. В некоторых вариантах осуществления изобретения, способ может включать введение в вену индивидуума раскрытой здесь системы или генетической конструкции (например, вектора) или композиции, содержащей эти системы или конструкции, как описано выше. В некоторых вариантах осуществления изобретения, индивидуум страдает заболеванием скелетной мышцей или сердечной мышцы, вызывающим дегенерацию, слабость или генетическое заболевание. Так, например, индивидуум может страдать мышечной дистрофией Дюшенна, описанной выше.

і) Мышечная дистрофия Дюшенна

[000127] Описанный выше способ может быть применен для коррекции гена дистрофина и восстановления экспрессии полностью функционального или частично функционального белка из указанного мутантного гена дистрофина. В некоторых своих аспектах и вариантах, настоящее изобретение относится к способу уменьшения эффектов (например, ослабления клинических симптомов/показаний) МДД у пациента. В некоторых своих аспектах и вариантах, настоящее изобретение относится к способу лечения МДД у пациента. В некоторых своих аспектах и вариантах, настоящее изобретение относится к способу профилактики МДД у пациента. В некоторых своих аспектах и вариантах, настоящее изобретение относится к способу профилактики дальнейшего прогрессирования МДД у пациента.

6. Конструкции и плазмиды

[000128] Описанные выше композиции могут содержать одну или более генетических конструкций, которые кодируют систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, раскрытую в настоящей заявке. Генетическая конструкция, такая как плазмида, может содержать нуклеиновую кислоту, которая кодирует систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, такую как белок Cas9 и/или слитые белки Cas9 и/или по меньшей мере одну из рРНК. Описанные выше композиции могут содержать генетические конструкции, которые кодируют модифицированный AAVвектор, и последовательность нуклеиновой кислоты, которая кодирует систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, раскрытую в настоящей заявке. Генетическая конструкция, такая как плазмида, может содержать нуклеиновую кислоту, которая кодирует систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Описанные выше композиции могут содержать раскрытые здесь генетические конструкции, которые кодируют модифицированный лентивирусный вектор.

[000129] Генетическая конструкция, такая как рекомбинантная плазмида или рекомбинантная вирусная частица, может содержать нуклеиновую кислоту, которая кодирует слитый белок Cas9 и по меньшей мере одну рРНК. В некоторых вариантах осуществления изобретения, генетическая конструкция может содержать нуклеиновую кислоту, кодирующую слитый белок Cas9 и по меньшей мере две различных рРНК. В

некоторых вариантах осуществления изобретения, генетическая конструкция может содержать нуклеиновую кислоту, кодирующую слитый белок Cas9 и более двух различных рРНК. В некоторых вариантах осуществления изобретения, генетическая конструкция может содержать промотор, который функционально связан с нуклеотидной последовательностью, кодирующей по меньшей мере одну молекулу рРНК и/или молекулу Cas9. В некоторых вариантах осуществления изобретения, промотор функционально связан с нуклеотидной последовательностью, кодирующей первую молекулу рРНК, вторую молекулу рРНК и/или молекулу Cas9. Генетическая конструкция может присутствовать в клетке как функциональная внехромосомная молекула. Генетическая конструкция может представлять собой линейную минихромосому, включая центромеру, теломеры, плазмиды или космиды.

[000130] Генетическая конструкция также может быть частью генома рекомбинантного рекомбинантный вирусного вектора, включая лентивирус, рекомбинантный рекомбинантный аденовирус И аденоассоциированный вирус. Генетическая конструкция может быть частью генетического материала аттенюированных микроорганизмов рекомбинантных микробных живых или векторов, которые присутствуют в клетках. Генетические конструкции могут содержать элементы регуляции экспрессии генов кодирующих последовательностей нуклеиновой кислоты. Регуляторные элементы могут представлять собой промотор, энхансер, инициирующий кодон, стопкодон или сигнал полиаденилирования.

[000131] В некоторых вариантах осуществления изобретения, генетическая представляет собой вектор. Вектор может представлять аденоассоциированный вирусный (AAV) вектор, который кодирует по меньшей мере одну молекулу Cas9 и по меньшей мере одну молекулу рРНК, где указанный вектор способен экспрессировать по меньшей мере одну молекулу Cas9 и по меньшей мере молекулу рРНК в клетке млекопитающего. Вектор может представлять собой плазмиду. Векторы могут быть использованы для генотерапии in vivo. Вектор может быть рекомбинантным. Вектор может содержать гетерологичную нуклеиновую кислоту, кодирующую слитый белок, такой как слитый белок Cas9 или систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Вектор может представлять собой плазмиду. Вектор может быть подходящим для трансфекции клеток нуклеиновой кислотой, кодирующей слитый белок Cas9 или систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, где трансформированную клетку-хозяина культивируют и поддерживают в условиях, при которых происходит экспрессия слитого белка Cas9 или системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9.

[000132] Кодирующие последовательности могут быть оптимизированы для обеспечения стабильности и высоких уровней экспрессии. В некоторых случаях, кодоны отбирают для снижения вероятности образования вторичной структуры РНК, такой как РНК, которая образуется благодаря внутримолекулярному связыванию.

[000133] Вектор может содержать гетерологичную нуклеиновую кислоту, кодирующую систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, и может

дополнительно содержать инициирующий кодон, который может располагаться выше последовательности, кодирующей систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, и стоп-кодон, который может быть расположен ниже последовательности, кодирующей систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Кодон инициации и терминации может находиться в одной рамке считывания с последовательностью, кодирующей систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Вектор может также содержать промотор, который функционально связан с последовательностью, кодирующей систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Промотор, который функционально связан с последовательностью, кодирующей систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, может представлять собой промотор обезьяньего вируса 40 (SV40), промотор вируса опухоли мышиной молочной железы (MMTV), промотор вируса иммунодефицита человека (ВИЧ), такой как промотор длинного концевого повтора (LTR) вируса иммунодефицита крупного рогатого скота (BIV), промотор вируса Молони, промотор вируса лейкоза птиц (ALV), промотор цитомегаловируса (CMV), такой как предранний промотор CMV, промотор вируса Эпштейна-Барра (EBV), промотор U6, такой как человеческий промотор U6, или промотор вируса саркомы Payca (RSV). Промотор может также представлять собой промотор гена человека, такой как промотор человеческого убихитина С (hUbC), человеческого актина, человеческого миозина, человеческого гемоглобина, мышечного креатина или человеческого человека металлотионеина. Промотор может также представлять собой тканеспецифический промотор, такой как промотор, специфичный для мышц или кожи, природный или синтетический. Примеры таких промоторов описаны в публикациях заявок на патенты США US20040175727 и US20040192593, содержание которых в полном объеме включено в настоящее описание. Примеры мышцеспецифических промоторов включают промотор Ѕрс5-12 (описанный в публикации заявки на патент США № 20040192593, содержание которой в полном объеме включено в настоящее описание; Hakim et al. Mol. Ther. Methods Clin. Dev. (2014) 1:14002; и Lai et al. Hum Mol Genet. (2014) 23(12):3189-3199), промотор MHCK7 (описанный Salva et al., Mol. Ther. (2007) 15:320-329), промотор СК8 (описанный Park et al. PLoS ONE (2015) 10 (4):e0124914) и промотор СК8е (описанный Muir et al., Mol. Ther. Methods Clin. Dev. (2014) 1:14025). В некоторых вариантах осуществления изобретения, экспрессия рРНК и/или белка Cas9 инициируется тРНК.

[000134] Каждая из полинуклеотидных последовательностей, кодирующих молекулу рРНК и/или молекулу Саѕ9, может быть функционально связана с промотором. Промоторы, которые функционально связаны с молекулой рРНК и/или молекулой Саѕ9, могут быть одним и тем же промотором. Промоторы, которые функционально связаны с молекулой рРНК и/или молекулой Саѕ9, могут быть разными промоторами. Промотор может представлять собой конститутивный промотор, индуцибельный промотор, репрессируемый промотор или регулируемый промотор. Промотор может представлять собой тканеспецифический промотор. Тканеспецифический промотор может представлять собой мышцеспецифический промотор. Примеры мышцеспецифических промоторов

могут включать промотор МНСК7, промотор СК8 и промотор Spc512. Промотор может представлять собой, например, промотор СК8, промотор Spc512 и промотор МНСК7.

[000135] Вектор может также содержать сигнал полиаденилирования, который может быть расположен ниже системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Сигнал полиаденилирования может представлять собой сигнал полиаденилирования SV40, сигнал полиаденилирования LTR, сигнал полиаденилирования бычьего гормона роста (bGH), сигнал полиаденилирования человеческого гормона роста (hGH) или сигнал полиаденилирования человеческого β-глобина. Сигнал полиаденилирования SV40 может представлять собой сигнал полиаденилирования вектора рСЕР4 (Invitrogen, San Diego, CA).

[000136] Вектор может также содержать энхансер, расположенный перед системой редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, то есть, перед последовательностью, кодирующей белок Cas9 или слитый белок Cas9 или оцрРНК, или систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. Энхансер может быть необходим для экспрессии ДНК. Энхансер может представлять собой энхансер человеческого актина, человеческого миозина, человеческого гемоглобина, мышечного креатина человека или вирусный энхансер, такой как один из CMV, HA, RSV или EBV. Энхансеры полинуклеотидной функции описаны в патентах США № 5593972, 5962428 и в WO 94/016737, содержание которых в полном объеме включено в настоящее описание посредством ссылки. Вектор может также содержать ориджин репликации млекопитающего для поддержания вектора вне хромосом и продуцирования множества копий вектора в клетке. Вектор также может содержать регуляторную последовательность, которая может быть подходящей для экспрессии гена в клетке млекопитающего или человека, в которую вводят вектор. Вектор также может содержать репортерный ген, такой как ген белка, флуоресцирующего в зеленом диапазона спектра («GFP»), и/или селективного маркера, такого как гигромицин («Hygro»).

[000137] Векторы могут представлять собой экспрессионные векторы или системы для продуцирования белка обычными методами и с использованием легко доступных исходных материалов, включая материалы, описанные в руководстве Sambrook et al., Molecular Cloning and Laboratory Manual, Second Ed., Cold Spring Harbor (1989), содержание которого в полном объеме включено в настоящее описание посредством ссылки. В некоторых вариантах осуществления изобретения, вектор может содержать последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую систему редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, включая последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую белок Cas9 или слитый белок Cas9, и последовательность нуклеиновой кислоты, кодирующую по меньшей мере одну рРНК.

7. Фармацевтические композиции

[000138] Настоящее изобретение относится к композициям, содержащим описанные выше генетические конструкции. Подробно описанные здесь фармацевтические композиции могут быть приготовлены в соответствии с применяемым

здесь способом введения. В случаях, когда фармацевтические композиции представляют собой фармацевтические композиции для инъекций, они должны быть стерильными, апирогенными и не должны содержать крупных частиц. Предпочтительно использовать изотонический состав. Обычно, добавки для придания изотоничности могут включать хлорид натрия, декстрозу, маннит, сорбит и лактозу. В некоторых случаях, предпочтительными являются изотонические растворы, такие как забуференный фосфатом физиологический раствор. Стабилизаторы включают желатин и альбумин. В некоторых вариантах осуществления изобретения, в состав добавляют сосудосуживающее средство.

[000139] Композиция может дополнительно содержать фармацевтически приемлемый наполнитель. Фармацевтически приемлемый наполнитель может представлять собой функциональные молекулы, используемые в качестве носителей, адъювантов, наполнителей или разбавителей. Фармацевтически приемлемый наполнитель может представлять собой агент, облегчающий трансфекцию, который может включать поверхностно-активные вещества, такие как иммуностимулирующие комплексы (ISCOMS), неполный адъювант Фрейнда, аналог LPS, включая монофосфорил-липид А, мурамилпептиды, аналоги хинона, везикулы, такие как сквален и сквалан, гиалуроновая кислота, липиды, липосомы, ионы кальция, вирусные белки, полианионы, поликатионы или наночастицы, или другие известные агенты, облегчающие трансфекцию.

[000140] Агент, облегчающий трансфекцию, представляет собой полианион, поликатион, включая поли-L-глутамат (LGS), или липид. Агент, облегчающий трансфекцию, представляет собой поли-L-глутамат, а более предпочтительно, поли-Lглутамат присутствует в композиции для редактирования генома в скелетных мышцах или в сердечных мышцах в концентрации менее 6 мг/мл. Агент, облегчающий трансфекцию, поверхностно-активные может также включать такие как иммуностимулирующие комплексы (ISCOMS), неполный адъювант Фрейнда, аналог LPS, включая монофосфорил-липид А, мурамилпептиды, аналоги хинона и везикулы, такие как сквален и сквалан, и гиалуроновая кислота, которые могут быть также введены в комбинации с генетической конструкцией. В некоторых вариантах осуществления изобретения, ДНК-вектор, кодирующий композицию, может также включать агент, облегчающий трансфекцию, такой как липиды, липосомы, включая липосомы лецитина или другие липосомы, известные специалистам в данной области, в виде смеси ДНКлипосом (см., например, публикацию Международноой патентной заявки № W09324640), ионы кальция, вирусные белки, полианионы, поликатионы или наночастицы или другие известные агенты, облегчающие трансфекцию. Предпочтительным агентом, облегчающим трансфекцию, являются полианион, поликатион, включая поли-L-глутамат (LGS) или липид.

8. Способы доставки

[000141] В настоящей заявке описан способ доставки раскрытой здесь генетической конструкции (например, вектора) или ее композиции в клетку. Доставка

композиций может представлять собой трансфекцию или электропорацию композиции в виде молекулы нуклеиновой кислоты, которая экспрессируется в клетке и доставляется на поверхность клетки. Молекулы нуклеиновой кислоты могут быть подвергнуты электропорации с использованием устройств BioRad Gene Pulser Xcell или Amaxa Nucleofector IIb. Может быть использовано несколько различных буферов, включая раствор для электропорации BioRad, забуференный фосфатом физиологическиий раствор Sigma #D8537 (PBS), Invitrogen OptiMEM I (OM) или раствор Amaxa Nucleofector V (NV). Трансфекция может включать введение реагента для трансфекции, такого как липофектамин 2000.

[000142] После доставки раскрытой здесь генетической конструкции или композиции в ткань, и после доставки вектора в клетки млекопитающего, трансфецированные клетки будут экспрессировать молекулу(ы) рРНК и молекулу Cas9. Генетическая конструкция или композиция могут быть введены млекопитающему для изменения экспрессии гена или для повторного конструирования или изменения генома. Так, например, генетическая конструкция или композиция может быть введена млекопитающему для коррекции гена дистрофина у млекопитающего. Млекопитающим может быть человек, примат, не являющийся человеком, корова, свинья, овца, коза, антилопа, бизон, водяной буйвол, бык, олень, еж, слон, лама, альпака, мышь, крыса или курица, а предпочтительно человек, корова, свинья или курица.

[000143] Генетическая конструкция (например, вектор), кодирующая молекулу(ы) рРНК и молекулу Саѕ9, может быть доставлена млекопитающему путем инъекции ДНК (также называемой ДНК-вакцинацией) с электропорацией in vivo и в отсутствии электропорации, посредством липосом, наночастиц, и/или рекомбинантных векторов. Рекомбинантный вектор может быть доставлен любым способом с использованием вируса. Вирусом может быть рекомбинантный лентивирус, рекомбинантный аденовирус и/или рекомбинантный аденоассоциированный вирус.

[000144] Раскрытая здесь генетическая конструкция (например, вектор) или содержащая ее композиция могут быть введены в клетку для генетической коррекции гена (например, гена дистрофина человека). В некоторых осуществления изобретения, раскрытую здесь генетическую конструкцию (например, вектор) или содержащую ее композицию вводят в миобластные клетки пациента с МДД. В некоторых вариантах осуществления изобретения, генетическую конструкцию (например, вектор) или содержащую ее композицию вводят в фибробласты пациента с МДД, и генетически скорректированная фибробластная клетка может быть обработана МуоD для индуцирования дифференцировки в миобласты, которые могут быть имплантированы индивидууму, например, в поврежденные мышцы индивидуума для подтверждения функциональности скорректированного белка дистрофина и/или для индивидуума. Модифицированные клетки могут также представлять собой стволовые клетки, такие как индуцированные плюрипотентные стволовые клетки, предшественники костного мозга, предшественники скелетных мышц, человеческие скелетные миобласты

пациентов с МДД, CD133⁺-клетки, мезоангиобласты и MyoD- или Pax7-трансдуцированные клетки, или другие миогенные клетки-предшественники. Так, например, система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9 может вызывать нейронную или миогенную дифференцировку индуцированных плюрипотентных стволовых клеток.

9. Способы введения

[000145] Раскрытые здесь генетические конструкции (например, векторы) или содержащая их композиция могут быть введены индивидууму различными способами, включая пероральное введение, парентеральное введение, подъязычное введение, трансдермальное введение и ректальное введение, введение через слизистую, местное введение, введение путем ингаляции, трансбуккальное введение, внутриплевральное введение, внутривенное введение, внутриартериальное введение, внутрибрюшинное введение, подкожное введение, внутримышечное введение, интраназальное введение, интратекальное введение и внутрисуставное введение или их комбинации. В некоторых вариантах осуществления изобретения, раскрытую здесь генетическую конструкцию (например, вектор) или композицию вводят индивидууму (например, индивидууму, страдающему МДД) внутримышечно, внутривенно или в их комбинации. Для применения в ветеринарии, раскрытые здесь генетические конструкции (например, векторы) или композиции могут быть введены в виде приемлемого препарата в соответствии с обычной ветеринарной практикой. Ветеринар может легко определить схему введения доз и способ введения, наиболее подходящий для конкретного животного. Композиции могут быть введены с помощью традиционных шприцев, безыгольных инъекционных устройств, «дробового ружья» для бомбардировки микрочастицами или другими физическими методами, такими как электропорация («EP»), «гидродинамический метод» или обработка ультразвуком.

[000146] Раскрытая здесь генетическая конструкция (например, вектор) или композиция могут быть доставлены млекопитающему с применением нескольких технологий, включая инъекцию ДНК (также называемую ДНК-вакцинацией) с электропорацией in vivo и в отсутствии электропорации, посредством липосом, наночастиц, рекомбинантных векторов, таких как рекомбинантный лентивирус, рекомбинантный аденовирус и рекомбинантный аденоассоциированный вирус. Композиция может быть введена в скелетную мышцу или в сердечную мышцу. Так, например, композиция может быть введена в переднюю большеберцовую мышцу или в хвост.

[000147] В некоторых вариантах осуществления изобретения, раскрытую здесь генетическую конструкцию (например, вектор) или содержащую ее композицию вводят путем 1) инъекций в хвостовую вену (системно) взрослым мышам; 2) внутримышечных инъекций, например, местных инъекций в мышцу, такую как ТА или икроножная мышца взрослых мышей; 3) внутрибрюшинных инъекций мышам Р2; или 4) инъекции в лицевую вену (системно) мышам Р2.

10. Типы клеток

[000148] Любой из этих способов доставки и/или путей введения может быть применен ко множеству типов клеток. Такими клетками могут быть, но не ограничиваются ими, иммортализованные миобластные клетки, такие как клеточные линии дикого типа и линии, полученные от пациентов с МДД, например, $\Delta 48-50$ DMD, DMD 6594 (del48-50), DMD 8036 (del48-50), C25C14, и клеточные линии DMD-7796, дермальные фибробласты пациентов c МДД, первичные индуцированные плюрипотентные стволовые клетки, клетки-предшественники костного мозга, клеткипредшественники скелетных мышц, скелетные миобласты человека, взятые от пациентов с МДД, СD133⁺-клетки, мезоангиобласты, кардиомиоциты, гепатоциты, хондроциты, мезенхимальные клетки-предшественники, гемопоэтические стволовые клетки, клетки гладких мышц и МуоО- или Рах7-трансдуцированные клетки или другие миогенные клетки-предшественники. Иммортализация миогенных клеток человека может быть использована для клональной дериватизации генетически скорректированных миогенных клеток. Эти клетки могут быть модифицированы ех vivo для выделения и увеличения клональных популяций иммортализованных миобластов при МДД, которые включают генетически скорректированный ген дистрофина и не содержат мутаций, введенных другими нуклеазами, в белок-кодирующих областях генома. Альтернативно, временная доставка in vivo систем на основе CRISPR/Cas9 посредством невирусного или неинтегрирующего вирусного переноса гена или путем прямой доставки очищенных белков и рРНК, содержащих проникающие в клетки мотивы, может обеспечивать высокоспецифическую коррекцию in situ с минимальным риском или с отсутствием риска интеграции экзогенной ДНК.

11. Наборы

[000149] В настоящей заявке описан набор, который может быть использован для коррекции мутированного гена дистрофина. Набор содержит по меньшей мере рРНК для коррекции мутированного гена дистрофина и инструкции по использованию системы редактирования генов на основе CRISPR/Cas9. В настоящей заявке также описан набор, который может быть использован для редактирования гена дистрофина в геноме скелетных мышц или сердечных мышц. Набор может содержать генетические конструкции (например, векторы) или содержащую их композицию для редактирования генома в скелетных мышцах или в сердечных мышцах, как описано выше, и инструкции по использованию указанной композиции.

[000150] Инструкции, входящие в наборы, могут быть прикреплены к упаковочному материалу или могут быть вложены в упаковку в качестве вкладыша. Хотя инструкции обычно представляют собой письменные или печатные материалы, однако, они не ограничиваются ими. В настоящей заявке рассматривается любой носитель, способный хранить такие инструкции и передавать их конечному пользователю. Такими носителями являются, но не ограничиваются ими, электронные носители для хранения данных (например, магнитные диски, ленты, картриджи, чипы), оптические носители

(например, CD-ROM) и т.п. Используемый здесь термин «инструкции» может включать адрес Интернет-сайта, который предоставляет такие инструкции.

[000151] Генетические конструкции (например, векторы) или содержащая их композиция для коррекции мутированного дистрофина или для редактирования гена дистрофина в геноме скелетных мышц или сердечных мышц могут включать модифицированный AAV-вектор, который содержит молекулу(ы) рРНК и молекулу Cas9, как описано выше, и эти молекулы специфически связываются с областью гена дистрофина и расщепляют ее. Система редактирования генов на основе CRISPR/Cas9, как описано выше, может быть включена в набор для специфического связывания с конкретной областью и нацеливания на конкретную область в мутантном гене дистрофина. Набор может дополнительно включать донорную ДНК, другую рРНК или трансген, как описано выше.

12. Примеры

[000152] Для специалистов в данной области будет совершенно очевидно, что в описанные здесь способы согласно изобретению могут быть внесены и другие подходящие и ценные модификации и адаптации, и это может быть осуществлено с использованием подходящих эквивалентов, не выходящих за рамки объема настоящего изобретения или раскрытых здесь аспектов и вариантов его осуществления. После подробного описания настоящего изобретения, оно будет более понятным со ссылкой на нижеследующие примеры, которые приводятся лишь для иллюстрации некоторых аспектов и вариантов осуществления изобретения и не должны рассматриваться как ограничение объема изобретения. Все приведенные здесь указания на журналы, патенты США и публикации в полном объеме включены в настоящее описание посредством ссылки.

[000153] В настоящей заявке подробно описаны многочисленные варианты осуществления изобретения и его аспекты, проиллюстрированные в нижеследующих неограничивающих примерах.

Пример 1

Двойная векторная система

[000154] Стандартные системы CRISPR/Cas9 для лечения МДД обычно включают более, чем один вектор (фиг. 6, фиг. 7). Так, например, один вектор может кодировать белок Cas9, а второй вектор может кодировать две рРНК. В качестве другого примера, один вектор может кодировать белок Cas9 и первую рРНК, а второй вектор может кодировать белок Cas9 и вторую рРНК.

[000155] Схема эксперимента, в котором используются несколько векторов для вырезания экзонов 45-55 дистрофина у мышей, показана на фиг. 3 с результатами, представленными на фиг. 4, фиг. 5 и фиг. 10. Новорожденных мышей обрабатывали двойной векторной системой посредством системной инъекции/инъекции в височную вену. Через 8 недель после обработки, ткань собирали. Как показано на фиг. 4, ПЦР и секвенирование подтвердили делецию экзона 45-55 мутационной «горячей точки».

Дополнительные результаты показаны на фиг. 10 либо с AAV-CRISPR, нацеленным на контрольный локус (фиг. 10, верхняя панель), либо с нацеливанием на экзон 45-55 (фиг. 10, нижняя панель), и указывают на то, что широко распространенная экспрессия дистрофина наблюдалась в сердечной мышце после делеции экзона 45-55, но не у мышей, обработанных контрольным вектором.

Пример 2

Подтверждение терапевтического подхода для двойной векторной системы

[000156] Дополнительное подтверждение возможности применения метода на основе CRISPR для восстановления функционального гена дистрофина с помощью двойных векторов Примера 1 проводили с использованием иммортализованных миобластов, выделенных у пациента с МДД. Иммортализованные миобласты содержали делецию экзонов 48-50, которая создавала мутацию вне рамки считывания (фиг. 9А). Миобласты пациентов трансфецировали теми же плазмидами AAV, которые были использованы в эксперименте с НЕК293 in vitro в Примере 1.

[000157] ПЦР геномной ДНК и кДНК для оценки делеции выявила, что экзон 45-55 был эффективно удален, что было подтверждено путем секвенирования по Сэнгеру (фиг. 9В). Вестерн-блот-анализ клеточных лизатов показал, что необработанные миобласты не продуцировали белок дистрофина, тогда как трансфецированные миобласты экспрессировали белок дистрофина меньшего размера по сравнению с позитивным контролем, что соответствует делеции «горячей точки» (фиг. 9С). Эти результаты дополнительно подтвердили in vitro, что двойные векторные конструкции могут быть использованы для редактирования мутации и восстановление экспрессии дистрофина у человека.

Пример 3

Компоненты для объединенных векторов

[000158] Одновекторная система CRISPR/Cas9 была разработана для лечения МДД (фиг. 6, фиг. 7). Преимущества одновекторной системы могут включать наличие всех необходимых компонентов редактирования в одном векторе, возможность увеличения эффективной дозы, оптимизацию продуцирования других векторов терапевтического средства), использование/включение мышцеспецифических промоторов (например, СК8, Spc512, МНСК7), а также возможность нацеливания на комбинации модификации экзонов крупные делеции (например, путем последовательностей). Схематическая диаграмма разработанных объединенных векторов представлена на фиг. 8. Последовательности, включенные в некоторые или во все описанные здесь объединенные векторы, представлены в Таблице 1. На фиг. 12, фиг. 13 и фиг. 14 показаны результаты тестирования этих конструкций на мышах mdx. Объединенные векторы более подробно описаны в Примерах 4-7.

Таблица 1	
Компонент	Последовательность

AAV ITR	CCTGCAGGCAGCTGCGCGCCCCCCCCCCCCCCCCCCCCC
	GGGCGTCGGGCGACCTTTGGTCGCCCGGCCTCAGTGAGCGAG
	CGAGCGCGCAGAGAGGGAGTGGCCAACTCCATCACTAGGGG
	TTCCT (SEQ ID NO:1)
JCR143:	ACATTTCCTCTATACAAATG (SEQ ID NO:2)
руководящая	
последовательнос	
ть РНК,	
нацеленная на	
область интрона	
44 дистрофина	
человека	
JCR120:	ATATAGTAATGAAATTATTGGCAC (SEQ ID NO:3)
руководящая последовательнос	
ть РНК,	
нацеленная на область интрона	
55 дистрофина	
человека	TCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTT
Остов	
руководящей РНК SaCas9	
	NO:4)
Промотор U6	GGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATC
	GAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCATATGATAGTCCATTTTA
	AAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTATTAC
	TTTCTACGTCACGTATTTTGTACTAATATCTTTGTGTTTACAGT
	CAAATTAATTCCAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATA
	TGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTC (SEQ ID
	NO:5)
Промотор Н1	GAACGCTGACGTCATCAACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCC
	AGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGC
	AGGAAGATGGCTGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAA
	TATTTGCATGTCGCTATGTGTTCTGGGAAATCACCATAAACGT
	GAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGA
	CCAC (SEQ ID NO:6)
Промотор EFS	TCGAGTGGCTCCGGTGCCCGTCAGTGGGCAGAGCGCACATCG

	CCCACAGTCCCCGAGAAGTTGGGGGGGGGGGGGCCAATTG
	AACCGGTGCCTAGAGAAGGTGGCGCGGGGTAAACTGGGAAA
	GTGATGTCGTGTACTGGCTCCGCCTTTTTCCCGAGGGTGGGGG
	AGAACCGTATATAAGTGCAGTAGTCGCCGTGAACGTTCTTTTT
	CGCAACGGGTTTGCCGCCAGAACACAGGTGTCGTGACCGCGG
	(SEQ ID NO:7)
Промотор СК8	CTAGACTAGCATGCCCCATGTAAGGAGGCAAGGCCTGGGG
	ACACCCGAGATGCCTGGTTATAATTAACCCAGACATGTGGCT
	GCCCCCCCCCCAACACCTGCTGCCTCTAAAAATAACCCT
	GCATGCCATGTTCCCGGCGAAGGGCCAGCTGTCCCCCGCCAG
	CTAGACTCAGCACTTAGTTTAGGAACCAGTGAGCAAGTCAGC
	CCTTGGGGCAGCCCATACAAGGCCATGGGGCTGGGCAAGCTG
	CACGCCTGGGTCCGGGGTGGCCACGGTGCCCGGGCAACGAG
	CTGAAAGCTCATCTGCTCTCAGGGGCCCCTCCCTGGGGACAG
	CCCCTCCTGGCTAGTCACACCCTGTAGGCTCCTCTATATAACC
	CAGGGGCACAGGGGCTGCCCTCATTCTACCACCACCTCCACA
	GCACAGACAGACACTCAGGAGCCAG (SEQ ID NO:8)
Промотор Spc512	GAGCTCCACCGCGTGGCGGCCGTCCGCCTTCGGCACCATCC
	TCACGACACCCAAATATGGCGACGGGTGAGGAATGGTGGGG
	AGTTATTTTAGAGCGGTGAGGAAGGTGGGCAGCAGCAGGT
	GTTGGCGCTCTAAAAATAACTCCCGGGAGTTATTTTTAGAGC
	GGAGGAATGGTGGACACCCAAATATGGCGACGGTTCCTCACC
	CGTCGCCATATTTGGGTGTCCGCCCTCGGCCGGGGCCGCATTC
	CTGGGGGCCGGCGGCTGCTCCCGCCCGCCTCGATAAAAGGCT
	CCGGGGCCGGCGGCCCACGAGCTACCCGGAGGAGCGGG
	AGGCGCCAAGCTCTAGAACTAGTGGATCCCCCGGGCTGCAGG
	AATTCGATAT (SEQ ID NO:9)
Промотор	GTTTAAACAAGCTTGCATGTCTAAGCTAGACCCTTCAGATTA
мнск7	AAAATAACTGAGGTAAGGGCCTGGGTAGGGGAGGTGGTGTG
	AGACGCTCCTGTCTCTCTATCTGCCCATCGGCCCTTTGGG
	GAGGAGGAATGTGCCCAAGGACTAAAAAAAAGGCCATGGAGC
	CAGAGGGCGAGGCCAACAGACCTTTCATGGGCAAACCTTG
	GGGCCCTGCTGTCTAGCATGCCCCACTACGGGTCTAGGCTGC
	CCATGTAAGGAGGCAAGGCCTGGGGACACCCGAGATGCCTG
	GTTATAATTAACCCAGACATGTGGCTGCCCCCCCCCCAA
	-

SaCas9

AAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACCAGC GTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATC GATGCCGGCGTGCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAA CAACGAGGCAGCGGAGCAAGAGAGGCGCCAGAAGGCTGA AGCGGCGGAGGCGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGCTG CTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGC GGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGGCCTGAGCCA GAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCCGCCCTGCTGCACCT GGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAG AGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGC CGGAACAGCAAGGCCCTGGAAGAGAAATACGTGGCCGAACT GCAGCTGGAACGCTGAAGAAGACGCCGAAGTGCGGGGCA GCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCC AAACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGA CCAGAGCTTCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCG GCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGGCAGCCCCTTCGG CTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCC ACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACG CCTACAACGCCGACCTGTACAACGCCCTGAACGACCTGAACA ATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGGAATATT ACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAG AAGAAGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTG AACGAAGAGGATATTAAGGGCTACAGAGTGACCAGCACCGG

CAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCACGACATCAA GGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCT GCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAG CGAGGACATCCAGGAAGAACTGACCAATCTGAACTCCGAGCT GACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGGGCTA TACCGGCACCACAACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGAT CCTGGACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTAT CTTCAACCGGCTGAAGCTGGTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTC CCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCTGGTGGACGACTTCAT CCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAA AGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGA CATCATTATCGAGCTGGCCCGCGAGAAGAACTCCAAGGACGC CCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAACCGGCAGA CCAACGAGCGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAA GAGAACGCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGA CATGCAGGAAGGCAAGTGCCTGTACAGCCTGGAAGCCATCCC TCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGAGGTGGA CCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAA CAACAAGGTGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGG GCAACCGGACCCCATTCCAGTACCTGAGCAGCAGCAGCACAGCA AGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAATCTGG CCAAGGCAAGGCAGAATCAGCAAGACCAAGAAAGAGTAT CTGCTGGAAGAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAA GACTTCATCAACCGGAACCTGGTGGATACCAGATACGCCACC AGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAGTGAAC AACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACC AGCTTTCTGCGGCGGAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAA CAAGGGGTACAAGCACCACGCCGAGGACGCCCTGATCATTGC CAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAAACTGGACAA GGCCAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGC AGGCCGAGAGCATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTAC AAAGAGATCTTCATCACCCCCCACCAGATCAAGCACATTAAG GACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAGAA GCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCG GAAGGACGACAAGGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGA

	ACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACAAGCTGAAAAAGCTG
	ATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGAC
	CCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTAC
	GGCGACGAGAAGAATCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAAC
	CGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAAAGGACAACGGCC
	CCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACG
	CCCATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACA
	AGGTCGTGAAGCTGTCCCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGT
	ACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGACCGTGAAGAATC
	TGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGC
	AAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAA
	CCAGGCCGAGTTTATCGCCTCCTTCTACAACAACGATCTGATC
	AAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAA
	CGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCAC
	CTACCGCGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCC
	CCAGGATCATTAAGACAATCGCCTCCAAGACCCAGAGCATTA
	AGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTATGAAGTGA
	AATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGC (SEQ ID
	NO:11)
Минисигнал	TAGCAATAAAGGATCGTTTATTTTCATTGGAAGCGTGTGTTGG
полиаденилирова	TTTTTTGATCAGGCGCG (SEQ ID NO:12)
ния	
Сигнал	CTAGAGCTCGCTGATCAGCCTCGACTGTGCCTTCTAGTTGCCA
полиаденилирова	GCCATCTGTTTGCCCCTCCCCGTGCCTTCCTTGACCCTG
нияbGH	GAAGGTGCCACTCCCACTGTCCTTTCCTAATAAAATGAGGAA
	ATTGCATCGCATTGTCTGAGTAGGTGTCATTCTATTCTGGGGG
	GTGGGGTGGGCAGGACAGCAAGGGGGAGGATTGGGAAGAG
	AATAGCAGGCATGCTGGGGA (SEQ ID NO:13)
Интрон SV40	TCTAGAGGATCCGGTACTCGAGGAACTGAAAAACCAGAAAG
	TTAACTGGTAAGTTTAGTCTTTTTGTCTTTTATTTCAGGTCCCG
	GATCCGGTGGTGCAAATCAAAGAACTGCTCCTCAGTGGA
	TGTTGCCTTTACTTCTAGGCCTGTACGGAAGTGTTAC (SEQ ID
	NO: 24)
L	1

Пример 4 Объединенный вектор 1 (варианты 1 и 2)

[000159] Были созданы два варианта вектора 1. Вектор 1 содержал рРНК, нацеленные на экзоны 45-55 со всеми промоторами (U6, H1 и SaCas9-инициирующими) в прямом направлении и минисигнал полиаденилирования для SaCas9.

[000160] Вариант 1 вектора 1 содержал конститутивный промотор EFS. Последовательность для варианта 1 вектора 1 находится в SEQ ID NO: 14.

[000161] Вариант 2 вектора 1 содержал конститутивный промотор СК8. Последовательность для варианта 2 вектора 1 находится в SEQ ID NO: 15.

Пример 5

Объединенный вектор 2 (варианты 1-4)

[000162] Были созданы четыре варианта вектора 2. Вектор 2 содержал рРНК, нацеленные на экзон 45-55 с промотором U6 в обратном направлении, то есть, в направлении от промотора, инициирующего SaCas9, и минисигнал полиаденилирования для SaCas9.

[000163] Вариант 1 вектора 2 содержал конститутивный промотор EFS. Последовательность для варианта 1 вектора 2 находится в SEQ ID NO: 16.

[000164] Вариант 2 вектора 2 содержал конститутивный промотор СК8. Последовательность для варианта 2 вектора 2 является такой же, как и в SEQ ID NO: 17.

[000165] Вариант 3 вектора 2 содержал промотор Spc512. Последовательность для варианта 3 вектора 2 является такой же, как и в SEQ ID NO: 18.

[000166] Вариант 4 вектора 2 содержал промотор МНСК7. Последовательность для варианта 4 вектора 2 является такой же, как и в SEQ ID NO: 19.

Пример 6

Объединенный вектор 3 (варианты 1-4)

[000167] Были созданы четыре варианта вектора 3. Вектор 3 содержал рРНК, нацеленные на экзон 45-55 с промотором U6 в обратном направлении, то есть, в направлении от промотора, инициирующего SaCas9, и минисигнал полиаденилирования для SaCas9.

[000168] Вариант 1 вектора 3 содержал конститутивный промотор EFS. Последовательность для варианта 1 вектора 3 находится в SEQ ID NO: 20.

[000169] Вариант 2 вектора 3 содержал конститутивный промотор СК8. Последовательность для варианта 2 вектора 3 является такой же, как и в SEQ ID NO: 21.

[000170] Вариант 3 вектора 3 содержал промотор Spc512. Последовательность для варианта 3 вектора 3 является такой же, как и в SEQ ID NO: 22.

[000171] Вариант 4 вектора 3 содержал промотор МНСК7. Последовательность для варианта 4 вектора 3 является такой же, как и в SEQ ID NO: 23.

Пример 7

Объединенный вектор 5 (варианты 1-4)

[000172] После скрининга панели объединенных сконструированных векторов для определения эффекта размещения руководящих последовательностей, регуляторных элементов и промоторов Pol-III был создан новый набор объединенных векторов вместе с

конститутивными и мышцеспецифическими промоторами (фиг. 11). Варианты объединенного вектора 5 включали интрон SV40 (см. SEQ ID NO: 24) и различные элементы.

[000173] Вариант 1 вектора 5 включал конститутивный промотор. Последовательность для варианта 1 вектора 5 является такой же, как и в SEQ ID NO: 41.

[000174] Вариант 2 вектора 5 содержал промотор СК8. Последовательность для варианта 2 вектора 5 является такой же, как и в SEQ ID NO: 42.

[000175] Вариант 3 вектора 5 содержал промотор Spc-512. Последовательность для варианта 3 вектора 5 является такой же, как и в SEQ ID NO: 29.

[000176] Вариант 4 вектора 5 содержал промотор МНСК7. Последовательность для варианта 4 вектора 5 является такой же, как и в SEQ ID NO: 30.

[000177] Вышеприведенное описание конкретных аспектов настолько полно раскрывает общий характер изобретения, что специалисты могут, применяя знания в пределах их квалификации в данной области, легко изменять и/или адаптировать эти аспекты изобретения для различных целей без излишнего экспериментирования, не выходя за рамки общей концепции настоящего изобретения. Следовательно, предполагается, что такие адаптации и модификации будут находться в пределах значений и диапазона эквивалентов раскрытых здесь аспектов, основанных на идее и принципах, представленных в настоящей заявке. При этом, следует отметить, что используемая здесь фразеология или терминология приводится лишь для описания, и не является ограничивающей, и такая терминология или фразеология согласно изобретению должна интерпретироваться квалифицированным специалистом исходя из идей и принципов настоящего изобретения.

[000178] Широта и объем раскрытия настоящего изобретения не должны ограничиваться каким-либо из вышеописанных репрезентативных аспектов, а должны определяться только в соответствии с нижеследующей формулой изобретения и ее эквивалентами.

[000179] Все цитируемые здесь публикации, патенты, патентные заявки и/или другие документы в полном объеме и во всех целях вводятся в настоящее описание посредством ссылки так, как если бы каждая отдельная публикация, патент, патентная заявка и/или другой документ были отдельно включены по всех целях посредством ссылки.

[000180] Для полноты описания, различные аспекты раскрытия изобретения изложены в нижеследующих пронумерованных пунктах:

[000181] Пункт 1. Система CRISPR-Cas, содержащая один или более векторов, кодирующих композицию, где указанная композиция включает: (а) первую молекулу руководящей РНК (рРНК), нацеленной на интрон 44 дистрофина; (b) вторую молекулу рРНК, нацеленную на интрон 55 дистрофина; (c) белок Cas9; и (d) один или более остовов рРНК Cas9.

[000182] Пункт 2. Система по пункту 1, где система содержит один вектор.

[000183] Пункт 3. Система по пункту 1, где система содержит два или более векторов, где два или более векторов содержат первый вектор и второй вектор.

[000184] Пункт 4. Система по пункту 3, где (а) первый вектор кодирует первую молекулу рРНК и вторую молекулу рРНК; и (b) второй вектор кодирует белок Cas9.

[000185] Пункт 5. Система по пункту 3, где (а) первый вектор кодирует первую молекулу рРНК; и (b) второй вектор кодирует вторую молекулу рРНК.

[000186] Пункт 6. Система по пункту 5, где первый вектор дополнительно кодирует белок Cas9.

[000187] Пункт 7. Система по пункту 5 или 6, где второй вектор дополнительно кодирует белок Cas9.

[000188] Пункт 8. Система по любому из пунктов 1-7, где экспрессия белка Cas9 инициируется конститутивным промотором или мышцеспецифическим промотором.

[000189] Пункт 9. Система по пункту 8, где мышцеспецифический промотор включает промотор МНСК7, промотор СК8 или промотор Spc512.

[000190] Пункт 10. Система по пункту 2, где один вектор кодирует первую молекулу рРНК, вторую молекулу рРНК и белок Cas9.

[000191] Пункт 11. Система по любому из пунктов 1-10, где вектор содержит по меньшей мере один двунаправленный промотор.

[000192] Пункт 12. Система по пункту 11, где двунаправленный промотор включает: первый промотор, инициирующий экспрессию первой молекулы рРНК и/или второй молекулы рРНК; и второй промотор, инициирующий экспрессию белка Cas9.

[000193] Пункт 13. Система по любому из пунктов 1-12, где первая рРНК нацелена на полинуклеотид SEQ ID NO: 2 или его 5'-усеченный вариант.

[000194] Пункт 14. Система по любому из пунктов 1-13, где вторая рРНК нацелена на полинуклеотид SEQ ID NO: 3 или его 5'-усеченный вариант.

[000195] Пункт 15. Система по любому из пунктов 1-14, где белок Cas9 представляет собой белок SpCas9, SaCas9 или St1Cas9.

[000196] Пункт 16. Система по любому из пунктов 1-15, где остов рРНК Cas9 представляет собой остов рРНК SaCas9.

[000197] Пункт 17. Система по пункту 16, где остов pPHK SaCas9 содержит полинуклеотид SEQ ID NO: 4 или кодируется этим полинуклеотидом.

[000198] Пункт 18. Система по любому из пунктов. 1-17, где белок Cas9 представляет собой белок SaCas9, кодируемый полинуклеотидом SEQ ID NO: 11.

[000199] Пункт 19. Система по любому из пунктов 1-18, где вектор содержит по меньшей мере один полинуклеотид, выбранный из SEQ ID NO: 1-13 и 24.

[000200] Пункт 20. Система по любому из пунктов 1-19, где вектор содержит полинуклеотидную последовательность SEQ ID NO: 24.

[000201] Пункт 21. Система по любому из пунктов 1-20, где вектор содержит полинуклеотидную последовательность, выбранную из SEQ ID NO: 14, SEQ ID NO: 15, SEQ ID NO: 16, SEQ ID NO: 17, SEQ. ID NO: 18, SEQ ID NO: 19, SEQ ID NO: 20, SEQ ID

NO: 21, SEQ ID NO: 22, SEQ ID NO: 23, SEQ ID NO: 41, SEQ ID NO: 42, SEQ ID NO: 29 μ SEQ ID NO: 30.

[000202] Пункт 22. Система по любому из пунктов 1-21, где вектор представляет собой вирусный вектор.

[000203] Пункт 23. Система по любому из пунктов 1-22, где вектором является аденоассоциированный вирусный (AAV) вектор.

[000204] Пункт 24. Система по пункту 23, где вектор AAV представляет собой AAV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV-10, AAV-11, AAV-12, AAV-13 или AAVrh.74.

[000205] Пункт 25. Система по любому из пунктов 1-24, где вектор содержит универсальный промотор или тканеспецифический промотор, функционально связанный с полинуклеотидной последовательностью, кодирующей первую молекулу рРНК, вторую молекулу рРНК и/или белок Cas9.

[000206] Пункт 26. Система по пункту 25, где тканеспецифический промотор представляет собой мышцеспецифический промотор.

[000207] Пункт 27. Клетка, включающая систему по любому из пунктов 1-26.

[000208] Пункт 28. Набор, включающий систему по любому из пунктов 1-26.

[000209] Пункт 29. Способ коррекции мутантного гена дистрофина в клетке, включающий введение в клетку системы по любому из пунктов 1-26.

[000210] Пункт 30. Способ редактирования генома мутантного гена дистрофина у индивидуума, где указанный способ включает введение индивидууму системы по любому из пунктов 1-26 или клетки по пункту 27.

[000211] Пункт 31. Способ лечения индивидуума, имеющего мутантный ген дистрофина, где указанный способ включает введение индивидууму системы по любому из пунктов 1-26 или клетки по пункту 27.

[000212] Пункт 32. Способ по пункту 30 или 31, где систему или клетку вводят индивидууму внутримышечно, внутривенно или в их комбинации.

Последовательности

SEQ ID NO: 1, AAV ITR

cctgcaggcagctgcgctcgctcactgaggccgccgggcgtcgggcgacctttggtcgcccggcctcagtgagcg agcgaggggagaggggcgaactccatcactaggggttcct (SEQ ID NO:1)

SEQ ID NO: 2, JCR143: Последовательность рРНК, нацеленная на ДНК-мишень в области 44 интрона человеческого дистрофина acatttcctctctatacaaatg (SEQ ID NO:2)

SEQ ID NO: 3, JCR120: Последовательность рРНК, нацеленная на ДНКмишень в области 55 интрона человеческого дистрофина

atatagtaatgaaattattggcac (SEQ ID NO:3)

SEQ ID NO: 4, Остов руководящей PHE SaCas9, остов рРНК tctcgccaacaagttgacgagataaacacggcattttgccttgttttagtagattctgtttccagagtactaaaac (SEQ ID NO:4)

SEQ ID NO: 5, Промотор U6

SEQ ID NO: 6, Промотор H1

 $gaacgctgacgtcatcaacccgctccaaggaatcgcgggcccagtgtcactaggcgggaacacccagcgcgcgtgcgcct\\ ggcaggaagatggctgtgagggacaggggagtggcgcctgcaatatttgcatgtcgctatgtgttctgggaaatcaccataaacgtgaaa\\ tgtctttggatttgggaatcttataagttctgtatgagaccac (SEQ ID NO:6)$

SEQ ID NO: 7, Промотор EFS

SEQ ID NO: 8, Промотор СК8

SEQ ID NO: 9, Промотор Spc512

SEQ ID NO: 10, Промотор МНСК7

SEQ ID NO: 11, Полинуклеотид, кодирующий SaCas9

accectacg agg c cag agg cet gag cetaggegtgeacaaegtgaaegaggtggaagaggacaeeggeaaegagetgteeaceaaagageagateageeggaaeageaaggeee tggaagagaaatacgtggccgaactgcagctggaacggctgaagaagacggcgaagtgcggggcagcatcaacagattcaagacca etgetggaaacceggeggacetaetatgagggacetggegagggeageceetteggetggaaggacatcaaagaatggtacgagatget gatgggccactgcacctacttccccgaggaactgcggagcgtgaagtacgcctacaacgccgacctgtacaacgccctgaacgacctgaacaatctcgtgatcaccagggacgagaacgagaagctggaatattacgagaagttccagatcatcgagaacgtgttcaagcagaagaaga gttcaccaacctgaaggtgtaccacgacatcaaggacattaccgcccggaaagagattattgagaacgccgagctgctggatcagattgcc aagateetgaceatetaceagageagegaggacateeaggaagaaetgaceaatetgaaeteegagetgaeeeaggaagagategagea gatetetaatetgaagggetataeeggeaeeeaeaaeetgageetgaaggeeateaaeetgateetggaegagetgtggeaeaeeaaega caaccagatcgctatcttcaaccggctgaagctggtgcccaagaaggtggacctgtcccagcagaaagagatccccaccaccctggtgga cgact t cat cct gag ccccg tcg tgaag ag a ag ctt cat ccag ag cat caa ag tgat caa cgc cat cat caag aag tac gg cct gcc caacgacatcattatcgagctggcccgcgagaagaactccaaggacgcccagaaaatgatcaacgagatgcagaagcggaaccggcagacca acgageggategaggaaatcateeggaccaceggeaaagagaacgccaagtacetgategagaagateaagetgeacgacatgeagga agegtgtccttcgacaacagcttcaacaacaggtgctcgtgaagcaggaagaaaacagcaagaagggcaaccggaccccattccagta cct gag cag cag cag cag cag cag cag cat cag cag cag cat cat cag cag cat cat gag cat gag cat cat gagaccaagaaagagtatetgetggaagaaegggacatcaacaggtteteegtgcagaaagaetteatcaaceggaacetggtggataccaga tacgccaccagaggcctgatgaacctgctgcggagctacttcagagtgaacaacctggacgtgaaagtgaagtccatcaatggcggcttcagccgatttcatcttcaaagagtggaagaaactggacaaggccaaaaaagtgatggaaaaccagatgttcgaggaaaagcaggccgagag gtacagccaccgggtggacaagaagcctaatagagagctgattaacgacaccctgtactccacccggaaggacgacaagggcaacacc ctgatcgtgaacaatctgaacggcctgtacgacaaggacaatgacaagctgaaaaagctgatcaacaagagccccgaaaagctgctgatg gaaaccgggaactacctgaccaagtactccaaaaaggacaacggcccgtgatcaagaagattaagtattacggcaacaaactgaacgc caatggcgtgtacaagttcgtgaccgtgaagaatctggatgtgatcaaaaaagaaaactactacgaagtgaatagcaagtgctatgaggaa gcta agaa gct gaa gaa gat cag cag cct gag ttt at cgcct cctt ctaca acaa cgat ct gat caa gat caa cgg cgag ct gtat a can gat caa cga gct gat caa gat caa cgg cgag ct gtat a caa cga gct gat caa gat caa cgg cgag ct gtat a caa cga gct gat caa gat caa cga gct gat caa cga gctgagtgateggegtgaaeaaegaeetgetgaaeeggategaagtgaaeatgategaeatcaeetaeegegagtaeetggaaaaeatgaaeg acaagaggcccccaggatcattaagacaatcgcctccaagaccagagcattaagaagtacagcacagacattctgggcaacctgtatg aagtgaaatctaagaagcaccctcagatcatcaaaaagggc (SEQ ID NO:11)

SEQ ID NO: 12, Минисигнал полиаденилирования

tagcaataaaggatcgtttattttcattggaagcgtgtgttgttttttgatcaggcgcg (SEQ ID NO:12)

SEQ ID NO:14, Вариант 1 вектора 1

cct g cag ctg ctg ctcg ctcg ctcact g agg ccg cccg g g ctcg g g cga ccttt g g tcg cccg g cct cagt g ag c g ccc g g cct cagt g ag c g ccc g g cct cagt g ag c g ccc g g cct cagt g ag c g ccc g ccc g g ccc g ccc g g ccc g g ccc g ccc g ccc g g ccc g ccc g ccc g gage gage gegeag ag ag gag t geceaact ceat cat cat gag gat teet geg gec TCTAGAGAGGCCTATTTCCCATGATTCCTTCATATTTGCATATACGATACAAGGCTGTTAGAGAGATAATTGGAATTA ATTTGACTGTAAACACAAAGATATTAGTACAAAATACGTGACGTAGAAAGTAATAA TTTCTTGGGTAGTTTGCAGTTTTAAAATTATGTTTTAAAATGGACTATCATATGCTTA CCGTAACTTGAAAGTATTTCGATTTCTTGGCTTTATATATCTTGTGGAAAGGACGAActtgttggcgagatttttCTCGAGTCGAGTGGCTCCGGTGCCCGTCAGTGGCAGAGCGCACATCGCCCACAGTCCCCGAGAAGTTGGGGGGGGGGGGGGGCCAATTGAACCGGTGCCTAG AGAAGGTGGCGCGGGTAAACTGGGAAAGTGATGTCGTGTACTGGCTCCGCCTTTTT CCCGAGGGTGGGGGAGAACCGTATATAAGTGCAGTAGTCGCCGTGAACGTTCTTTTT CGCAACGGGTTTGCCGCCAGAACACAGGTGTCGTGACCGCGGCCATGGCCCCAAAG AAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCT GGGCCTGGACATCGCCATCACCAGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACAC GGGACGTGATCGATGCCGGCGTGCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAAC GAGGGCAGGCGAGCAAGAGGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGCATA GAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGGCCTGAGCCAGAAGCT ACAACGTGAACGAGGTGGAAGAGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCA GATCAGCCGGAACAGCCAAGGCCCTGGAAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTG GAACGCTGAAGAAGACGCCGAAGTGCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCA GCGACTACGTGAAAGAAGCCAAACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAG CTGGACCAGAGCTTCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTA CTATGAGGGACCTGGCGAGGGCAGCCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGT ACGAGATGCTGATGGGCCACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAG TACGCCTACAACGCCGACCTGTACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATC ACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGA ACGTGTTCAAGCAGAAGAAGAAGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTC GTGAACGAAGAGGATATTAAGGGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTT CACCAACCTGAAGGTGTACCACGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTA TTGAGAACGCCGAGCTGCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAACTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGA GATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGGGCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGA ATCTTCAACCGGCTGAAGCTGGTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGA GATCCCCACCACCTGGTGGACGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTT CATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACG ACATCATTATCGAGCTGGCCCGCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATC AACGAGATGCAGAAGCGGAACCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCC

GGACCACCGGCAAAGAGACGCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGA CATGCAGGAAGGCAAGTGCCTGTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGC TGAACAACCCCTTCAACTATGAGGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCG ACAACAGCTTCAACAACAAGGTGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGGG CAACCGGACCCCATTCCAGTACCTGAGCAGCAGCAGCAAGATCAGCTACGAAA ${\tt CCTTCAAGAAGCACATCCTGAATCTGGCCAAGGGCAAGGGCAGAATCAGCAAGACC}$ AAGAAAGAGTATCTGCTGGAAGAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGA CTTCATCAACCGGAACCTGGTGGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACC TGCTGCGGAGCTACTTCAGAGTGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAAT GGGGTACAAGCACCACGCCGAGGACGCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTT CAAAGAGTGGAAGAAACTGGACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTC GAGGAAAAGCAGGCCGAGAGCATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAG AGATCTTCATCACCCCCACCAGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGT ACAGCCACCGGGTGGACAAGAAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTAC TCCACCGGAAGGACAAGGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCT GTACGACAAGGACAATGACAAGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAG CTGCTGATGTACCACCACGACCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGA ACAGTACGGCGACGAGAAGAATCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACT ACCTGACCAAGTACTCCAAAAAGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTAT TACGGCAACAACTGAACGCCCATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAG AAACAAGGTCGTGAAGCTGTCCCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACA ATGGCGTGTACAAGTTCGTGACCGTGAAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAAGAAAAC TACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAG CAACCAGGCCGAGTTTATCGCCTCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGG CGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCGCGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCC CCCAGGATCATTAAGACAATCGCCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCAC AGACATTCTGGGCAACCTGTATGAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCA AGggatcctacccatacgatgttccagattacgcttacccatacgatgttccagattacgcttaccCatacgatgttccagattacgcttaaGATCAACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCG TATTTGCATGTCGCTATGTGTTCTGGGAAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGA TTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCAC GTTTTAGTACTCTGGAAACAGAATCTACTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCT CGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGTACC aggaacccct agt gat ggagt t ggccactccctct t gcgcgct and the property of the contract of the cotgcctgcaggggcgcctgatgcggtattttctccttacgcatctgtgcggtatttcacaccgcatacgtcaaagcaaccatagtacgcgccct

gtagcggcgcattaagcgcgggtgtggtggttacgcgcagcgtgaccgctacacttgccagcgccctagcgcccgctcctttcgctttcttcccttcctttctcgccacgttcgccggctttccccgtcaagctctaaatcgggggctccctttagggttccgatttagtgctttacggcacctcgaccccaaaaaaacttgatttgggtgatggttcacgtagtgggccatcgccctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttcttta a tagtggact ctt gttccaaactggaacaacactcaaccct at ctcgggct at tcttt tgattta taagtggatt tt gccgatt tcggcct at tggccatt to tt gatta tagtggact to the gatta tagtggact tagtggact to the gatta tagtggact to the gatta tagtggact tagtggccg catagtta agccagcccgacacccgccaacacccgctgacgcgccctgacgggcttgtctgctcccggcatccgcttacagacaagctgtgaccgtctccgggagctgcatgtgtcagaggttttcaccgtcatcaccgaaacgcgcgagacgaaagggcctcgtgatacgcctattacattcaaatatgtatccgctcatgagacaataaccctgataaatgcttcaataatattgaaaaaggaagagtatgagtattcaacatttccgtg gttetgetatgtggegeggtattatecegtattgaegeegggeaagageaacteggtegeegeataeactatteteagaatgaettggttgagt act cac cag tea caga aa aa geat cttac ggat ggeat gac ag taa gaga aat tat geag t get gee at aa ceat gag t gat aa cac t geg ge gaga aa gaga aa tat geag t gee gaga aa tat geag t gee gaga aa tat geag t gee gaga aa gaga aa tat geag aa gaga aca acttact tet gaca acgateggaggacega aggageta accgett ttt tt geaca acat gggggate at gtaactegeett gategt tg gacat accept ttt tt geaca acat gggggate at gtaactegeett gategt tg gacat gateggaggate at gateggaggaccggagctgaatgaagccataccaaacgacgagcgtgacaccacgatgcctgtagcaatggcaacaacgttgcgcaaactattaactgg etggetggtttattgetgataaatetggageeggtgagegtggaageegeggtateattgeageactggggeeagatggtaageeeteeegt atcgtagttatctacacgacggggagtcaggcaactatggatgaacgaaatagacagatcgctgagataggtgcctcactgattaagcattg tgaccaa a atccct taacgt gag ttttcgttccact gag cgt cag accccgt agaa aa agat caa agg atcttctt gag atcctttttt ct gcg cgt cag accccg tag aa aa ag atca aa agg atcttct ttgag atcctttttt ct gcg cgt cag accccg tag aa aa ag atca aa agg atcttct ttgag atcctttttt ct gcg cgt cag accccg tag aa aa ag atca aa agg atcttct ttgag atcctttttt ct gcg cgt cag accccg tag aa aa ag atca agct t cag cag ag eg cag at acca a at act g t cette tag t g t ag ecca cac t t cag ag a act ct g t ag eace g cet acat acct to the second experiment of the second experimentcgctctgctaatcctgttaccagtggctgctgccagtggcgataagtcgtgtcttaccgggttggactcaagacgatagttaccggataaggcgcagcggtcgggctgaacgggggttcgtgcacacagcccagcttggagcgaacgacctacaccgaactgagatacctacagcgtgag ggagcttccagggggaaacgcctggtatctttatagtcctgtcgggtttcgccacctctgacttgagcgtcgatttttgtgatgctcgtcaggggggcggagcctatggaaaaacgccagcaacgcggcctttttacggttcctggccttttgctgacatgt

SEQ ID NO:15, Bapuant 2 вектора 1

GGTGGCACGGTGCCCGGGCAACGAGCTGAAAGCTCATCTGCTCTCAGGGGCCCCT CCCTGGGGACAGCCCTCCTGGCTAGTCACACCCTGTAGGCTCCTCTATATAACCCA AGGAGCCAGCCAGCaccggtgccaccATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACC AGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGT GGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGC TGCTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCT ACGAGGCCAGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCC GCCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAG AGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGC CCTGGAAGAGAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGACGGC GAAGTGCGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCA AACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGAC ACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGG ${\tt CAGCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACT}$ GCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTG TACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAA GCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGA AGCCCACCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGATATTAAG GGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCA CGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGG ATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAA CTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCT GAAGGCTATACCGCCACCACACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGG ACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTG GTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCCTGGTGGA CGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCC GCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAA CCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAAC GCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCT GTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGA GGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGG TGCTCGTGAAGCAGGAAGAAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTAC CTGAGCAGCAGCAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAA TCTGGCCAAGGGCAAGGCAGAATCAGCAAGAACCAAGAAGAGTATCTGCTGGAA GAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGT GGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAG

TGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGC GGCGGAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGA GGACGCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAAACTGG ACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAG CATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCACC AGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAG AAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAA GGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACA AGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGAC CCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGACGAGAAGAA TCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAA AGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCC CATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTC ${\tt CCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGAC}$ CGTGAAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGT GCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCC TCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCG CGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCG ${\tt CCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTAT}$ GAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGG CCACGAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAGAAAAAGggatcctacccatacgatgttccagattacgcttacceatacg at gttccag at tacgcttacc Catacg at gttccag at tacgcttaa Ga at tctag caataa ag gat cgttt at tttcatt gg aag comment of the commentgtgtgttgttttttgatcaggcgcgGTACCGAACGCTGACGTCATCAACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGA TGGCTGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAATATTTGCATGTCGCTATGTGTTC TGGGAAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTTTAGTACTCTGGAAACAGAA TCTACTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGTACC aggaacccct agt gat ggagt tggccactccctct tgcgcgctcgctcgctcact gaggccggcgaccaa aggtcgcccg acg cccgggctttgcccgg gcgcctcagtgagcgagcgagcgcagctgcctgcaggggcgcctgatgcggtattttctccttacgcatctgtgcggtatttcacaccgcatacgtcaaagcaaccatagtacgcgcctgtagcggcgcattaagcgcggcggtgtggtgttacaagetetaaategggggeteeetttagggtteegatttagtgetttaeggeaeetegaeeeeaaaaaaettgatttgggtgatggtteaegta gtgggccatcgccctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggactcttgttccaaactggaacaacactcacceget gae geget et get exceget tacagae aa get g taceget te egg gag et geat g te gae geget geat geget ged gae geget ged gag et geat geget geget ged gag gag et geat geget gag gag et geat gag gag et gag gag et geat gag et gag et gag et gagt caggtgg cact ttt cggggaa at gtgcgcggaacccct at tt gtt tatt tt tctaa at acatt caa at at gtat ccgct cat gagacaa taaccct acceptance of the control of the c

gataa at gette aataa tatt gaaa aag gaag ag tat gag tatt caa catt teegt g te gee cett at tee ctt ttt t geg ge at ttt geet teet g ttt teegt ged catt te geg ge at ttt geet teet g ttt teegt ged catt teegt g ttgctcacccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggttga caccacgatg cctg tag caatgg caa caacgttg cgcaa actatta actgg cgaactacttact ctag ctt cccgg caacaattaa tag a caacgatg consistent of the consistency of the consistctgg atgg agg cgg at a a agttg cagg accact tctg cgctcgg ccttccgg ctgg ttt attgctg at a aatctgg agccggt gagcgtggaageegeggtateattgeageaetggggeeagatggtaageeeteeegtategtagttatetaeaegaeggggagteaggeaaetat ggatgaacgaaatagacagatcgctgagataggtgcctcactgattaagcattggtaactgtcagaccaagtttactcatatatactttagattg egteagacecegtagaaaagateaaaggatettettgagateettttttetgegegtaatetgetgettgeaaacaaaaaaaceaeegetaee gtgtagccgtagttaggccaccacttcaagaactctgtagcaccgcctacatacctcgctctgctaatcctgttaccagtggctgctgccagtggcgataagtcgtgtcttaccgggttggactcaagacgatagttaccggataaggcgcagcggtcgggctgaacgggggttcgtgcacacggcggacaggtatccggtaagcggcagggtcggaacaggaggagcgcacgaggggagcttccagggggaaacgcctggtatctttatagtcctttttacggttcctggccttttgctgacatgt

SEQ ID NO: 16, Вариант 1 вектора 2

gataaa cae gg catttt geet t gttt tag tag attet gttte cag ag tactaaaa cae attteet et cae aa t gCGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGC ATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTAT CAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGAGTCGAGTGGCTCCGGTGCCCGTCAGTGGGCAGAGCGCACAT CGCCCACAGTCCCCGAGAAGTTGGGGGGGGGGGGGGGCCAATTGAACCGGTGCCTAG AGAAGGTGGCGCGGGTAAACTGGGAAAGTGATGTCGTGTACTGGCTCCGCCTTTTT CCCGAGGGTGGGGGAGAACCGTATATAAGTGCAGTAGTCGCCGTGAACGTTCTTTTTCGCAACGGGTTTGCCGCCAGAACACAGGTGTCGTGACCGCGGCCATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCT GGGCCTGGACATCGCCATCACCAGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACAC GGGACGTGATCGATGCCGGCGTGCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAAC GAGGGCAGGCGGAGCAAGAGGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGCATA GAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGGCCTGAGCCAGAAGCT GAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCCGCCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAAGAGGCGTGC ACAACGTGAACGAGGTGGAAGAGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCA

GATCAGCCGGAACAGCCAGGCCCTGGAAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTG GAACGCTGAAGAAGACGCCGAAGTGCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCA GCGACTACGTGAAAGAAGCCAAACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAG CTGGACCAGAGCTTCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTA CTATGAGGGACCTGGCGAGGCCAGCCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGT ACGAGATGCTGATGGGCCACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAG TACGCCTACAACGCCGACCTGTACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATC ACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGA ACGTGTTCAAGCAGAAGAAGAAGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTC GTGAACGAAGAGGATATTAAGGGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTT CACCAACCTGAAGGTGTACCACGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTA TTGAGAACGCCGAGCTGCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGC AGCGAGGACATCCAGGAAGAACTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGA GATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGGGCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGA ATCTTCAACCGGCTGAAGCTGGTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGA GATCCCCACCACCTGGTGGACGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTT CATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACG ACATCATTATCGAGCTGGCCCGCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATC AACGAGATGCAGAACCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCC GGACCACCGGCAAAGAGACGCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGA CATGCAGGAAGGCAAGTGCCTGTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGC TGAACAACCCCTTCAACTATGAGGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCG ACAACAGCTTCAACAACAAGGTGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGGG CAACCGGACCCCATTCCAGTACCTGAGCAGCAGCAGCAGCAAGATCAGCTACGAAA CCTTCAAGAAGCACATCCTGAATCTGGCCAAGGGCAAGGGCAGAATCAGCAAGACC AAGAAAGAGTATCTGCTGGAAGAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGA CTTCATCAACCGGAACCTGGTGGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACC TGCTGCGGAGCTACTTCAGAGTGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAAT GGGGTACAAGCACCACGCCGAGGACGCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTT CAAAGAGTGGAAGAACTGGACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTC GAGGAAAAGCAGGCCGAGAGCATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAG AGATCTTCATCACCCCCACCAGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGT ACAGCCACCGGGTGGACAAGAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTAC TCCACCGGAAGGACAAGGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCT GTACGACAAGGACAATGACAAGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAG CTGCTGATGTACCACCACGACCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGA ACAGTACGGCGACGAGAAGAATCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACT ACCTGACCAAGTACTCCAAAAAGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTAT

TACGGCAACAACTGAACGCCCATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAG AAACAAGGTCGTGAAGCTGTCCCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACA TACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAG CAACCAGGCCGAGTTTATCGCCTCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGG CGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCGCGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCC CCCAGGATCATTAAGACAATCGCCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCAC AGACATTCTGGGCAACCTGTATGAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCA AGg g at cetac ceatac g at tacceatac g at tacceatATCAACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCG CGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGATGGCTGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAA TATTTGCATGTCGCTATGTGTTCTGGGAAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGA TTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCAC ${\tt GTTTTAGTACTCTGGAAACAGAATCTACTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCT}$ CGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGTACC aggaacccct agtgatggagttggccactccctcttgcgcgcttgcctgcaggggcgcctgatgcggtattttctccttacgcatctgtgcggtatttcacaccgcatacgtcaaagcaaccatagtacgcgccctgtageggcgcattaageggcgggtgtggtggttaegegcagegtgaeegetaeacttgeeagegecetagegeeegteetttegetttcttcccttcctttctcgccacgttcgccggctttccccgtcaagctctaaatcgggggctccctttagggttccgatttagtgctttacggcacctcgaccccaaaaaaacttgatttgggtgatggttcacgtagtgggccatcgccctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggactettgtteeaaactggaacaacacteaaccetatetegggetattettttgatttataagggattttgeegattteggeetattgg geegeatagttaageeageeegacaceegeeaacaceegetgaegegeeetgaegggettgtetgeteeeggeateegettaeagaeaa getgtgaccgteteegggagetgeatgtgteagaggtttteaeegteateaccgaaaegegegagaegaaagggeetegtgataegeetat ttttataggttaatgtcatgataataatggtttcttagacgtcaggtggcacttttcggggaaatgtgcgcggaacccctatttgtttatttttctaaatggttaatgtcatgataatgtgcgcgaacccctatttgtttatttttctaaatggttaatgtcatgataatgtgcgcggaacccctatttgtttattttctaaatggttaatgtcatgataatgtgcgcggaacccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaacccctatttgtttatttttctaaatggttaatgtgcgcggaacccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaaccccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaaccccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaaccccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaaccccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaaccccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaaccccctatttgtttattttctaaatggttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttggtgcgcggaaccccctatttgttaatgtgcgcggaaccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaacccccctatttggtgcgcggaaccccccctatttggtgcgcggaacccccccatttggtgcgcggaacccccccatttggtgcgcggaaccccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccattggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaaccccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaacccccatttggaaccta catte a a at at grave a catte a at a test categories at a constraint and at a test categories at a catter and at a test categories at a categories at a catter at a categories ategecettatteeettttttgeggeattttgeetteetgttttgeteacceagaaaegetggtgaaagtaaaagatgetgaagateagttgggtge acgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaacagcggtaagatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagaatccttgagagttctgctatgtggcgcggtattatcccgtattgacgccgggcaagagcaactcggtcgccgcatacactattctcagaatgacttggttgagtact cac cag tea caga aa aa geat cttac ggat ggeat gac ag taa gaga aat tat geag t get gee at aa ceat gag t gat aa cac t geg ge act cac ag taa gaga aa tat geag t gee act cac ag taa gaga aat tat geag t gee act cac ag taa gaga ag tag ag taa gaga ag taa gaga ag taa gaga ag tag ag ag tag ag tagcaacttacttctgacaacgatcggaggaccgaaggagctaaccgcttttttgcacaacatgggggatcatgtaactcgccttgatcgttggga accggagctgaatgaagccataccaaacgacgagcgtgacaccacgatgcctgtagcaatggcaacaacgttgcgcaaactattaactggegaactacttactctagetteeeggeaacaattaatagactggatggaggeggataaagttgeaggaceacttetgegeteggeeetteegg ctggctggtttattgctgataaatctggagccggtgagcgtggaagccgcggtatcattgcagcactggggccagatggtaagccctcccgttgaccaa a atccetta acgt gag ttttcgttccact gag cgt cag acccegt agaa aag atca aag gat cttctt gag atcetttttt ct gegegag te gag acceptagaa aag atca aag gat cttctt gag atcetttttt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat cttctt gag atcetttt ttt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat cttctt gag atcett ttt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat cttct tt gag atcett ttt ttt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat cttct tt gag atcett ttt ttt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat cttct tt gag atcett ttt tt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat cttct tt gag atcett tt tt tt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat cttct tt gag atcett tt tt tt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat ctt ctt gag atcett tt tt tt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat ctt ctt gag atcett tt tt tt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat ctt ctt gag atcett tt tt tt ct gegegag acceptagaa aag atca aag gat ctt ctt gag atca aag atca a

SEQ ID NO: 17, Вариант 2 вектора 2

cctg cag cag ctg ctg ctcg ctcg ctcactg agg ccg cccgg gcgt cgg cgaccttt gg tcg cccgg cct cagtg agcgagcgagcgcagagagggagtggccaactccatcactaggggttcctgcggccTCTAGA aaaaatctcgccaacaagttgacgagataaa cac acg catttt gcctt gtttt agtagatt ct gtttccag agtactaaaa cacattt cctct ctatacaa at g CGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGC ATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTAT CAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGAGCTAGACTAGCATGCTGCCCATGTAAGGAGGCAAGGCCTGG CAACACCTGCTGCTCTAAAAATAACCCTGCATGCCATGTTCCCGGCGAAGGGCCAG CTGTCCCCGCCAGCTAGACTCAGCACTTAGTTTAGGAACCAGTGAGCAAGTCAGCC ${\tt CTTGGGGCAGCCCATACAAGGCCATGGGGCTGGGCAAGCTGCACGCCTGGGTCCGG}$ ${\tt GGTGGGCACGGTGCCCGGGCAACGAGCTGAAAGCTCATCTGCTCTCAGGGGCCCCT}$ ${\tt CCCTGGGGACAGCCCTCCTGGCTAGTCACACCCTGTAGGCTCCTCTATATAACCCA}$ AGGAGCCAGCCAGCaccggtgccaccATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACC AGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGT GCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGCAGGCGGAGCAAGAGA GGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGC TGCTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCT ACGAGGCCAGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCC GCCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAG AGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGC CCTGGAAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGACGGC GAAGTGCGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCA AACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGAC ACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGG CAGCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACT GCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTG TACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAA GCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGA

AGCCCACCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGGATATTAAG GGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCA CGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGG ATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAA CTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCT GAAGGCTATACCGCCACCACACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGG ACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTG GTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCCTGGTGGA CGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGAT CAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCC GCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAA CCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAAC GCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCT GTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGA GGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGG TGCTCGTGAAGCAGGAAGAAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTAC CTGAGCAGCAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAA TCTGGCCAAGGGCAAGGCAGAATCAGCAAGAACCAAGAAGAGTATCTGCTGGAA GAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGT GGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAG TGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGC GGCGGAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGA GGACGCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAACTGG ACAAGGCCAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAG CATGCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCACC AGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAG AAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAA GGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACA AGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGAC CCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGACGAGAAGAA TCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAA AGGACAACGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCC CATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTC CCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGAC CGTGAAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGT GCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCC TCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGC GTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCG CGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCG CCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTAT

GAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGG CCACGAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAGAAAAAGggatcctacccatacgatgttccagattacgcttgtgtgttgttttttgatcaggcgcgGGTACCGAACGCTGACGTCATCAACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGATGGCTGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAATATTTGCATGTCGCTATGTGTTC TGGGAAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTTTAGTACTCTGGAAACAGAA TCTACTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTcaagetetaaategggggeteeetttagggtteegatttagtgetttaeggeaeetegaeeeeaaaaaaettgatttgggtgatggtteaegta gtgggceatcgcctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggactcttgttccaaactggaacaacactcaccegetgacgegecetgacgggettgtetgeteceggeatecgettacagacaagetgtgaccgtetecgggagetgcatgtgteagagg t caggtgg cact tttcggggaaatgtgcgcggaacccct atttgtt tatt tttctaaatacattcaaatatgtatccgct catgagacaataacccttgctcacccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtgggcaagagcaactcggtcgccgcatacactattctcagaatgacttggttgagtactcaccagtcacagaaaagcatcttacggatggcat gtggaagccgcggtatcattgcagcactggggccagatggtaagccctcccgtatcgtagttatctacacgacggggagtcaggcaactatggatgaacgaaatagacagatcgctgagataggtgcctcactgattaagcattggtaactgtcagaccaagtttactcatatatactttagattgatttaaaacttcattttaatttaaaaggatctaggtgaagatcctttttgataatctcatgaccaaaatcccttaacgtgagttttcgttccactgag egteagacecegtagaaaagateaaaggatettettgagateettttttetgegegtaatetgetgettgeaaacaaaaaaaceaeegetaee agcggtggtttgtttgccggatcaagagctaccaactctttttccgaaggtaactggcttcagcagagcgcagataccaaatactgtccttctagtgtagccgtagttaggccaccacttcaagaactctgtagcaccgcctacatacctcgctctgctaatcctgttaccagtggctgctgccagtggcgataagtcgtgtcttaccgggttggactcaagacgatagttaccggataaggcgcagcggtcgggctgaacgggggttcgtgcacacagcccagcttggagcgaacgacctacaccgaactgagatacctacagcgtgagctatgagaaagcgccacgcttcccgaagggagaaa ggcggacaggtatccggtaagcggcagggtcggaacaggaggggaacagggggaaacgcctggtatcttatagtcctttttacggttcctggccttttgctggccttttgctcacatgt

SEQ ID NO: 18, Вариант 3 вектора 2

cct g cag ctg ctg ctcg ctcg ctcact g agg ccg cccg g g ctcg g g cga ccttt g g tcg cccg g cct cagt g ag c g ccc g g cct cagt g ag c g ccc g g cct cagt g ag c g ccc g g cct cagt g ag c g ccc g ccc g g ccc g ccc g g ccc g g ccc g ccc g ccc g g ccc g ccc g ccc g gagcgagcgcagagagggagtggccaactccatcactaggggttcctgcggccTCTAGA aaaaatctcgccaacaagttgacgagataaa cac agg catttt gcctt gtttt agtagatt ct gttt cca gag tactaaaa cac attt cct ct ct at acaa at g CGGTGTTT CGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGC ATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTAT CAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGAGGAGCTCCACCGCGGTGGCGGCCGTCCGCCtTCGGCACCATC CGGTGAGGAAGGTGGGCAGCAGCAGGTGTTGGCGCTCTAAAAATAACTCCCGGGAGTTATTTTAGAGCGGAGGAATGGTGGACACCCAAATATGGCGACGGTTCCTCACCC GTCGCCATATTTGGGTGTCCGCCCTCGGCCGGGCCGCATTCCTGGGGGCCGGGCGG TGCTCCGCCGCCTCGATAAAAGGCTCCGGGGCCGGCGGCGGCCCACGAGCTACC CGGAGGAGCGGGAGGCCCAAGCTCTAGAACTAGTGGATCCCCCGGGCTGCAGGAATTCGATATaccggtgccaccATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACCAGCGTG GGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGTGCGGCT GTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGCAGGCGGAGCAAGAGAGGCGCC AGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGCTGCTGT TCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAG GCCAGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCCGCCCT GCTGCACCTGGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAGAGGAC ACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGCCCTGG AAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGACGGCGAAGT GCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCAAACAG CTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGGCAGCC CCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACTGCACC TACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTGTACAA CGCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGG AATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGAAGCCC ACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGGATATTAAGGGCTA CAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCACGACA TCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGGATCAG ATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAACTGAC CAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGG GCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGGACGAG ${\tt CTGTGGCACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTGGTGCCC}$ AAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCCTGGTGGACGACTT CATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACG

CCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCCGCGAG AAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAACCGGC AGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAACGCCAA GTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCTGTACA GCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGAGGTGG ACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGGTGCTCG TGAAGCAGGAAGAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTACCTGAG CAGCAGCGACAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAATCTGG CCAAGGGCAAGGCAGAATCAGCAAGAACCAAGAAGAGTATCTGCTGGAAGAACG GGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGTGGATA CCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAGTGAAC AACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGCGGCG GAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGAGGAC GCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAAACTGGACAA GGCCAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAGCATG CCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCACCAGAT CTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAAGGGC AACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACAAGCT GAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGACCCC AGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGACGAGAAGAATCCC CTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAAAGGA CAACGCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCCCATC TGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTCCCTG AAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGACCGTG AAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTA TGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCCTCCT TCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTG AACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCGCGA GTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCGCCT CCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTATGAA GTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGGCCAC GAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAAGAAAAAGggatcctacccatacgatgttccagattacgcttacccata cgatgttccagattacgcttaccCatacgatgttccagattacgcttaaGaattctagcaataaaggatcgtttattttcattggaagcgtgtgttCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGATGGC TGTGAGGGACAGGGGAGTGGCCCCTGCAATATTTGCATGTCGCTATGTGTTCTGGG AAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGA GACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTTTAGTACTCTGGAAACAGAATCTA ${\sf CTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGT}$

gtgeggtattteaeaeegeataegteaaageaaeeatagtaegegeeetgtageggegcattaagegeggggtgtggtggttaegege tctaaategggggeteeetttagggtteegatttagtgetttaeggeaeetegaeeeeaaaaaaettgatttgggtgatggtteaegtagtggge tgacgcgccctgacgggcttgtctgctcccggcatccgcttacagacaagctgtgaccgtctccgggagctgcatgtgtcagaggttttcac ggcacttttcggggaaatgtgcgcggaacccctatttgtttatttttctaaatacattcaaatatgtatccgctcatgagacaataaccctgataaatgcttcaataatattgaaaaaggaagagtatgagtattcaacatttccgtgtcgcccttattcccttttttgcggcattttgcctcctgtttttgctca cccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatcettgagagttttegeeegaagaaegtttteeaatgatgageaettttaaagttetgetatgtggegeggtattateeegtattgaegeegggea agageaacteggtegeegeatacactatteteagaatgacttggttgagtacteaceagteacagaaaagcatettacggatggeatgacagt gettttttgeacaacatgggggateatgtaactegeettgategttgggaaceggagetgaatgaageeataceaaaegaegagegtgacae act t cat tt tt a a tt a a a agg at ct agg t gaag at cct tt tt gat a at ct cat gaccaa a at ccct ta acg t gag tt tt cg tt cca ct gag cg t cagggtttgtttgccggatcaagagctaccaactcttttccgaaggtaactggcttcagcagaggcgcagataccaaatactgtccttctagtgtagc cgtagttaggccaccacttcaagaactctgtagcaccgcctacatacctcgctctgctaatcctgttaccagtggctgctgccagtggcgataagtcgtgtcttaccgggttggactcaagacgatagttaccggataaggcgcagcggtcgggctgaacggggggttcgtgcacacagccca gettggagegaacgacetacacegaactgagatacetacagegtgagetatgagaaagegecacgettcccgaagggagaaaggegga cagg tatccgg taagcg cagg g tcgg aacag g ag ag cgcacg ag g g ag act ccag g g g aa acgcct g g tatct ttatag tcct g tcg according to the control of the controggttcctggccttttgctggccttttgctcacatgt

SEQ ID NO: 19, Вариант 4 вектора 2

tggagccagagggcgagggcaacagaccttt catgggcaaaccttggggccctgctgtctagcatgccccactacgggtctaggctgccgcctctaaaaataaccctgtccctggtggatcccctgcatgcgaagatcttcgaacaaggctgtgggggactgagggcaggctgtaacaggcttgggggccagggcttatacgtgcctgggactcccaaagtattactgttccatgttcccggcgaagggccagctgtccccgccagctaggtccgggtgggcacggtgcacggcaacgagctgaaagctcatctgctctcaggggcccctcctggggacagcccctcctggctagtgccagccagcggcgccaccggtgccaccATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACCA GCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGTG CGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGCAGGCGGAGCAAGAGAG GCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGCTGCTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCT ACGAGGCCAGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCC GCCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAG AGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGC CCTGGAAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGACGGC GAAGTGCGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCA AACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGAC ACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGG CAGCCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTG TACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAA GCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGA AGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGGATATTAAG GGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCACGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAA CTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCT GAAGGCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGG ACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTG GTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCACCTGGTGGA CGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGAT CAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCC GCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAA CCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAAC GCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCT GTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGA GGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGG TGCTCGTGAAGCAGGAAGAAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTAC CTGAGCAGCAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAA TCTGGCCAAGGGCAAGGAATCAGCAAGAACCAAGAAAGAGTATCTGCTGGAA GAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGT GGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAG TGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGC GGCGGAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGA GGACGCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAAACTGG ACAAGGCCAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAG CATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCACC AGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAG AAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAA GGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACA AGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGAC CCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGACGAGAAGAA ${\sf TCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAA}$ AGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCC ${\tt CATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTC}$ ${\tt CCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGAC}$ CGTGAAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCC TCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCG CGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCG ${\tt CCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTAT}$ GAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGG CCACGAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAGAAAAGggatcctacccatacgatgttccagattacgcttacceatacg at gttccag at tacgcttacc Catacg at gttccag at tacgcttaa Ga at tctag caataa ag gat cgttt at tttcatt gg aag contained at tacgcttacceat acceatacg at tacgcttaa Ga at tctag caataa ag gat cgttt at tttcatt gg aag contained at tacgcttaa Ga at tctag caataa ag gat cgttt at tttcatt gg aag contained at tacgcttaa containgtgtgttgttttttgatcaggcgcgGGTACCGAACGCTGACGTCATCAACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGA TGGCTGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAATATTTGCATGTCGCTATGTGTTC TGGGAAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTTTAGTACTCTGGAAACAGAA TCTACTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGTACC aggaacccct agt gat gag at tggccactccctct tgcgcgctcgctcgctcact gag gccgggcgaccaa agg tcgccact gcccact gccgctcgctcact gag gccgggcgaccaa agg tcgccact gcccact gccgctcgctcact gag gccgggcgaccaa agg tcgccact gcccact gcccacg catctgtgcggtatttcacaccgcatacgtcaaagcaaccatagtacgcgccctgtagcggcgcattaagcgcggcggtgtggtggttacaage tetaa a teggggget ceett tagggt tee gatt tagt get tae ggeacete gae cee caa aa aa act t gatt tagggt gat gg t teae gatt act tagget tee gatt tagget tae gat tagget tagget tagget tagget tee gat tagget tagtgggccatcgcctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggactcttgttccaaactggaacaacactca accetatct cgg gct attettt tg att taa agg gatt tt gcc gatt te gg cetat tt gg tt aaaaaa tg ag ct gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg get gatt taa caaaaaa tt taa cgc gaa ag cetat te gg gaa ag cgc gaa ag

tttt caccg t cat caccgaa acg cg cgaga cgaa agg gcct cgt gat acg cct at ttt tat agg t ta at gat aat aat gg tt ctt ag acg cac gat acg cat caccgaa acg cgaga cgaa agg gcct cgt gat acg cct at ttt tat agg t ta at gat aat gat aat gat acg cac gat acg ct caggtgg cact ttt cggggaa at gtgcgcggaacccct at tt gtt tat ttt tctaa at acat tcaa at at gtat ccgct cat gagacaat aaccct acceptance of the control of the ctgctcacccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggta agateett gagagtttte geece gaagaa egtttte caat gat gageaetttta aagttet getat t geege ggtat tatee egtat t gaegee gagagt tatee egtat t gagagt t gagagtcta accgett tttt geacaa cat gggggat cat gta act egect tgat eg t tgggaa ceg gag et gaat gaa gee at accaa ac gag gg gat cat geached act generally act grant to the second secondetggatggaggeggataaagttgeaggaceacttetgegeteggeeetteeggetggttgattattgetgataaatetggageeggtgage gtgaagccgcggtatcattgcagcactggggccagatggtaagccctcccgtatcgtagttatctacacgacgggagtcaggcaactatggatgaacgaaatagacagatcgctgagataggtgcctcactgattaagcattggtaactgtcagaccaagtttactcatatatactttagattgatttaaaactt cattttaaatttaaaaggat ctaggt gaagat cetttt gataat ct cat gaccaaaat cccttaacgt gagttt tcgtt ccact gagan comment of the comment ofagcggtggtttgtttgccggatcaagagctaccaactctttttccgaaggtaactggcttcagcagagcgcagataccaaatactgtccttctagtgtagccgtagttaggccaccacttcaagaactctgtagcaccgcctacatacctcgctctgctaatcctgttaccagtggctgctgccagtg gcgataagtcgtgtcttaccgggttggactcaagacgatagttaccggataaggcgcagcggtcgggctgaacgggggttcgtgcacac agcccagcttggagcgaacgacctacaccgaactgagatacctacagcgtgagctatgagaaagcgccacgcttcccgaagggagaaaggcggacaggtatccggtaagcggcagggtcggaacaggaggggaacagcgcacgaggggaaacgcctggtatctttatagtcetttttacggttcctggccttttgctgacatgt

SEQ ID NO: 20, Вариант 1 вектора 3

agcgagcgcgcagagagggagtggccaactccatcactaggggttcctgcggccTCTAGA aaaaatctcgccaacaagttgacgagataaa cac a g catttt g cett g ttt tag tag attet g ttt cag a g tac taa aa cac att te c te tataca a a t g C G G T G T T T C GCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGC ATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTAT CAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGAGTCGAGTGGCTCCGGTGCCCGTCAGTGGGCAGAGCGCACAT CGCCCACAGTCCCGAGAAGTTGGGGGGGGGGGGGCCAATTGAACCGGTGCCTAG AGAAGGTGGCGCGGGTAAACTGGGAAAGTGATGTCGTGTACTGGCTCCGCCTTTTT ${\sf CCCGAGGGTGGGGGAGAACCGTATATAAGTGCAGTAGTCGCCGTGAACGTTCTTTTT}$ CGCAACGGGTTTGCCGCCAGAACACAGGTGTCGTGACCGCGGCCATGGCCCCAAAG AAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCT GGGCCTGGACATCGGCATCACCAGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACAC GGGACGTGATCGATGCCGGCGTGCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAAC GAGGGCAGGCGAGCAAGAGGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGCATA

GAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGGCCTGAGCCAGAAGCT ACAACGTGAACGAGGTGGAAGAGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCA GATCAGCCGGAACAGCCAGGCCCTGGAAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTG GAACGCTGAAGAAGACGCCGAAGTGCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCA GCGACTACGTGAAAGAAGCCAAACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAG CTGGACCAGAGCTTCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTA CTATGAGGGACCTGGCGAGGCCAGCCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGT ACGAGATGCTGATGGGCCACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAG TACGCCTACAACGCCGACCTGTACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATC ACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGA ACGTGTTCAAGCAGAAGAAGAAGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTC GTGAACGAAGAGGATATTAAGGGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTT CACCAACCTGAAGGTGTACCACGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTA TTGAGAACGCCGAGCTGCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGC AGCGAGGACATCCAGGAAGAACTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGA GATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGGGCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGA ATCTTCAACCGGCTGAAGCTGGTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGA GATCCCCACCACCTGGTGGACGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTT CATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACG ACATCATTATCGAGCTGGCCCGCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATC AACGAGATGCAGAACCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCC GGACCACCGGCAAAGAGACGCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGA CATGCAGGAAGGCAAGTGCCTGTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGC TGAACAACCCCTTCAACTATGAGGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCG ACAACAGCTTCAACAACAAGGTGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGGG CAACCGGACCCCATTCCAGTACCTGAGCAGCAGCGACAGCAAGATCAGCTACGAAA CCTTCAAGAAGCACATCCTGAATCTGGCCAAGGGCAAGGGCAGAATCAGCAAGACC AAGAAGAGTATCTGCTGGAAGAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGA CTTCATCAACCGGAACCTGGTGGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACC TGCTGCGGAGCTACTTCAGAGTGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAAT GGGGTACAAGCACCACGCCGAGGACGCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTT CAAAGAGTGGAAGAACTGGACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTC GAGGAAAAGCAGGCCGAGAGCATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAG AGATCTTCATCACCCCCACCAGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGT ACAGCCACCGGGTGGACAAGAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTAC TCCACCGGAAGGACGACAAGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCT

GTACGACAAGGACAATGACAAGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAG CTGCTGATGTACCACCACGACCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGA ACAGTACGGCGACGAGAAGAATCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACT ACCTGACCAAGTACTCCAAAAAGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTAT TACGGCAACAACTGAACGCCCATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAG AAACAAGGTCGTGAAGCTGTCCCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACA TACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAG CAACCAGGCCGAGTTTATCGCCTCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGG CGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCGCGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCC CCCAGGATCATTAAGACAATCGCCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCAC AGACATTCTGGGCAACCTGTATGAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCA AGg at cct acceatacg at gttccag at tacgct tacceatacg at gttccag at tacgct tacACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCG TGCGCCCTGCAGGAGATGCTGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAATATT TGCATGTCGCTATGTGTTCTGGGAAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTG GGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTT TAGTACTCTGGAAACAGAATCTACTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTC caggggcgcctgatgcggtatttctccttacgcatctgtgcggtatttcacaccgcatacgtcaaagcaaccatagtacgcgcctgtagcggcgcattaagcgcgggtgtggtggttacgcgcagcgtgaccgctacacttgccagcgccctagcgcccgctcctttcgctttcttcccttaaaaaacttgatttgggtgatggttcacgtagtgggccatcgccctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggact ctt gttc caaact ggaacaacact caaccct at ctc ggc tatt cttt t gatt tata ag ggatt tt gc cgatt tc ggc tatt ggt taaaaatagttaagccagccccgacacccgccaacacccgctgacgcgccctgacgggcttgtctgctcccggcatccgcttacagacaagctgtgggttaatgtcatgataataatggtttcttagacgtcaggtggcacttttcggggaaatgtgcgcggaacccctatttgtttattttctaaatacatt ettatteeettttttgeggeattttgeeteetgtttttgeteaceeagaaaegetggtgaaagtaaaagatgetgaagateagttgggtgeaega gtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaagttctttacttctgacaacgatcggaggaccgaaggagctaaccgcttttttgcacaacatgggggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaaccgatcggaggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaaccgatcggaggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaaccgaacgatcggaggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaaccgaacatggaggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaacatggaggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaacatggaggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaacatggaggatcatgtaactcgccttgatcgttgggaaccgaacatga

SEQ ID NO: 21, Вариант 2 вектора 3

agcgagcgcagagagggagtggccaactccatcactaggggttcctgcggccTCTAGA aaaaatctcgccaacaagttgacgagataaa cae gg catttt gcctt gtttt ag tag att ct gtttcca gag tactaaaa cae att tcctct ctatacaa at g CGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGC ATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTAT CAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGAGCTAGACTAGCATGCTGCCCATGTAAGGAGGCAAGGCCTGG CAACACCTGCTGCCTCTAAAAATAACCCTGCATGCCATGTTCCCGGCGAAGGGCCAG CTGTCCCCGCCAGCTAGACTCAGCACTTAGTTTAGGAACCAGTGAGCAAGTCAGCC ${\tt CTTGGGGCAGCCCATACAAGGCCATGGGGCTGGGCAAGCTGCACGCCTGGGTCCGG}$ GGTGGGCACGGTGCCCGGGCAACGAGCTGAAAGCTCATCTGCTCTCAGGGGCCCCT CCCTGGGGACAGCCCTCCTGGCTAGTCACACCCTGTAGGCTCCTCTATATAACCCA AGGAGCCAGCCAGCaccggtgccaccATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACC AGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGT GCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGCCAGGCGGAGCAAGAGA GGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGC TGCTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCC GCCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAG AGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGC CCTGGAAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGACGGCGAAGTGCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCA

AACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGAC ACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGG CAGCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACT GCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTG TACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAA GCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGA AGCCCACCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGATATTAAG GGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCA CGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGG ATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAA CTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCT GAAGGCTATACCGCCACCACACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGG ACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTG GTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCCTGGTGGA CGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGAT CAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCC GCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAA CCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAAC GCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCT GTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGA GGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGG TGCTCGTGAAGCAGGAAGAAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTAC CTGAGCAGCAGCAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAA TCTGGCCAAGGGCAAGGCAGAATCAGCAAGAACCAAGAAGAGTATCTGCTGGAA GAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGT GGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAG TGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGC GGCGGAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGA GGACGCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAACTGG ACAAGGCCAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAG CATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCACC AGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAG AAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAA GGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACA AGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGAC CCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGACGAGAAGAA TCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAA AGGACAACGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCC CATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTC CCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGAC

CGTGAAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCC TCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGC GTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCG CGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCG CCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTAT GAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGG CCACGAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAAGAAAAAGggatcctacccatacgatgttccagattacgctt acceatacg at gttccag at tacgettacc Catacg at gttccag at tacgetta a GAATT C ctag agete get gate agete gat gttccag at tacgettacce and gat gttccag at tacgettacg at tacgettCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGATGGC TGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAATATTTGCATGTCGCTATGTGTTCTGGG AAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGA GACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTTTAGTACTCTGGAAACAGAATCTA CTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGTgtgcggtatttcacaccgcatacgtcaaagcaaccatagtacgcgcctgtagcggcgcattaagcgcggggtgtggtggtggttacgcgctcta a atcggggctcccttt agggttccgattt agtgcttt acggcacctcgaccccaa aa aa acttgattt gggtgatggttcacgt agtgggctccctt agggtgatggttcacgt agggtgatggttcacgt agggtgatggttcacgt agggtgatggt agggt agggtcategecet gatagaeggtttttegecetttgaegttggagtceaegttetttaatagtggaetettgtteeaaaetggaaeaaeaeteaaecetatetegggetattettttgatttataagggattttgeegattteggeetattggttaaaaaaatgagetgatttaacaaaaaatttaaegegaattttaaca tgacgcgccctgacgggcttgtctgctcccggcatccgcttacagacaagctgtgaccgtctccgggagctgcatgtgtcagaggttttcac egteateacegaaaegegegagaegaaagggeetegtgataegeetatttttataggttaatgteatgataataatggtttettagaegteaggt ggcacttttcggggaaatgtgcgcggaacccctatttgtttatttttctaaatacattcaaatatgtatccgctcatgagacaataaccctgataaatgcttcaataatattgaaaaaggaagagtatgagtattcaacatttccgtgtcgcccttattcccttttttgcggcattttgccttcctgtttttgctca cttg ag ag ttttcccccg aag aacgttttccaatg at gag cacttttaa ag ttctgct at gtggcgcgg tattatcccg tattgacgccgggcalling and the state of thact t cat tt tt aaat taa aa ag gat ctag g t g aa gat cct tt tt g at aat ct cat g accaa aa at ccct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at ccct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g tt cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag tt tt c g t cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag t c t cac t g ag c g t cag accaa aa at c cct taa c g t g ag t c t cac t g accaa aa at c c c t t acca t g ag c g t cac t cac t g accaa aa at c c c t accae t g ag c g t cac t cac t g accaa aa at c c c t accae t g ag c g t cac t cac t g accaa aa at c c c t accae t g accaa aa at c c c t accae t g accaa aa at c c c t accae t g accae

SEQ ID NO: 22, Вариант 3 вектора 3

cctg cag cag ctg ctg ctcg ctcg ctcactg agg ccg cccgg gcgt cgg cgaccttt gg tcg cccgg cct cagtg agcgagcgagcgcagagagggagtggccaactccatcactaggggttcctgcggccTCTAGA aaaaatctcgccaacaagttgacgagataaa cac agg catttt gcctt gtttt agt ag att ct gtttc cag ag tactaaaa cac atttcctct ct at acaa at g CGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGC ATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTAT CAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGAGGAGCTCCACCGCGGTGGCGGCCGTCCGCCtTCGGCACCATC CTCACGACACCCAAATATGGCGACGGGTGAGGAATGGTGGGGAGTTATTTTTAGAGCGGTGAGGAAGGTGGGCAGCAGCAGGTGTTGGCGCTCTAAAAATAACTCCCGGGAGTTATTTTAGAGCGGAGGAATGGTGGACACCCAAATATGGCGACGGTTCCTCACCC GTCGCCATATTTGGGTGTCCGCCCTCGGCCGGGCCGCATTCCTGGGGGCCGGGCGG TGCTCCGCCCGCCTCGATAAAAGGCTCCGGGGCCGGCGGCGGCCCACGAGCTACCCGGAGGAGCGGGAGGCCCAAGCTCTAGAACTAGTGGATCCCCCGGGCTGCAGGAATTCGATATaccggtgccaccATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACCAGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGTGCGGCT GTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGCAGGCGGAGCAAGAGAGGCGCC AGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGCTGCTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCCGCCCT GCTGCACCTGGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAGAGGAC ACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGCCCTGG AAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGACGGCGAAGT GCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCAAACAG CTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGACACCTA ${\tt CATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGGCAGCC}$ ${\tt CCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACTGCACC}$ TACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTGTACAA CGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGAAGCCC ACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGGATATTAAGGGCTA

CAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCACGACA TCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGGATCAG ATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAACTGAC CAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGG GCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGGACGAG CTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTGGTGCCC AAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCTGGTGGACGACTT CATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACG CCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCCGCGAG AAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAACCGGC AGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAACGCCAA GTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCTGTACA GCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGAGGTGG ACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGGTGCTCG TGAAGCAGGAAGAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTACCTGAG CAGCAGCGACAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAATCTGG CCAAGGGCAAGGCAGAATCAGCAAGAACCAAGAAAGAGTATCTGCTGGAAGAACG GGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGTGGATA CCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAGTGAAC AACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGCGGCG GAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGAGGAC GCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAAACTGGACAA GGCCAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAGCATG CCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCACCAGAT CAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAGAAGC CTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAAGGGC AACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACAAGCT GAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGACCCC CTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAAAGGA CAACGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCCCATC TGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTCCCTG AAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGACCGTG AAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTA TGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCCTCCT TCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTG AACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCGCGA GTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCGCCT CCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTATGAA GTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGGCCAC

GAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAGAAAAAGggatcctacccatacgatgttccagattacgcttacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgctacgatgttccagattacgatacgatgttccagattacgataccgat gttccagattacgcttacc Catacgat gttccagattacgcttaa GAATTCctagagctcgct gatcagcctcgact gtgccttctagattacgcttacctagattacgcttacctagattacgcttacagattacgcttaaugcttacagattacgcttacagattacgcttaaugctgcatgctggggaGGTACCGAACGCTGACGTCATCAACCCGCTCCAAGGAATCGCGGGCCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGATGGCTGT GAGGGACAGGGGAGTGGCCCCTGCAATATTTGCATGTCGCTATGTGTTCTGGGAA ATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGAGA ${\tt CCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTTTAGTACTCTGGAAACAGAATCTACT}$ AAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGTAC at cgg gg gct ccttt ag gg tt cgattt ag tgcttt ac gg cacct cgaccccaa aa aactt gattt gg gt gat gg tt cac gt ag t gg gccatcgccct gatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggactcttgttccaaactggaacaacactcaaccctatctcgegeeetgaegggettgtetgeteeeggeateegettaeagaeaagetgtgaeegteteegggagetgeatgtgteagaggtttteaeegte at cacegaa acgegegaga egaa agggeetegt gat acgeet att ttt at aggt ta at gat aat aat get tte tta gaegteaggt ggeetegt gat acgeet at ttt ta ta get ta at gat at a ta at get te ta gaegteaggt ggeetegt gat acgeet gat acgeet at ttt ta aggt ta at gat at a ta at get to the tall gaegteaggt ggeetegt gat acgeet gat acgact tttcggggaaatgtgcgcggaacccct att tgtt tatt tttctaaatacattcaaatatgtatccgctcatgagacaataaccctgataaatgctgaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagagttttcgccccgaagaacgttttccaatgatgagcacttttaaagttctgctatgtggcgcggtattatcccgtattgacgccgggcaaga gca act cgg tcgccg catacact attct caga at gact tgg ttg agt act caccag tcacaga aa ag catct tacgg at gg cat gacagt aa gact caccag tcacaga aa ag catct tacgg at gg cat gacagt aa gact caccag tcacaga aa ag catct tacgg at gg cat gacagt aa gact caccag tcacaga aa ag catct tacgg at gg cat gacag tacgg cat gacag gacag tacgg cat gacag tacgg cat gacag tacgg cat gacag tacgg caagaattatgeagtgetgeeataaceatgagtgataacactgeggeeaacttacttetgacaacgateggaggacegaaggagetaacegett ggeggataaagttgeaggaceacttetgegeteggecetteeggetggttgattattgetgataaatetggageeggtgagegtggaagee gcggtatcattgcagcactggggccagatggtaagccctcccgtatcgtagttatctacacgacggggagtcaggcaactatggatgaacgcattttta attta aa aggatet aggt gaag at cettttt gata at cleat gaee aa aa teect ta ae gt gag ttt te gate agaee catttt aa ttta aa teect gag to gate agaee catttt aa ttta aa ttta aa teect gag to gate agaee catttt aa ttta aa tgtttgccggatcaagagctaccaactctttttccgaaggtaactggcttcagcagagcgcagataccaaatactgtccttctagtgtagccgtagttaggccaccacttcaagaactctgtagcaccgcctacatacctcgctctgctaatcctgttaccagtggctgctgccagtggcgataagtc gtgtcttaccgggttggactcaagacgatagttaccggataaggcgcagcggtcgggctgaacggggggttcgtgcacacagcccagctt cctggccttttgctggccttttgctcacatgt

SEQ ID NO: 23, Вариант 4 вектора 3

agegagegegeagagggagtggeeaactccatcactaggggttcctgeggccTCTAGA aaaaatctcgccaacaagttgacgagataaa cae gg catttt gcctt gtttt ag tag att ct gttt cea gag tactaaaa cae att tcct ctct at acaa at g CGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTAT CAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGAGGtttaaacaagcttgcatgtctaagctagacccttcagattaaaaataactgaggtaagggcctgggccatggagccagagggcaacagaccttt catgggcaaaccttggggccctgctgtctagcatgccccactacgggtctaggctget ge c te taaaaa at aaccet g te cet g t g gate ce te gaa gate t te gaa caa g get g t g g g g act g a g g e t g taac a g get g t g g g g g act g a g g e t g t g a g g e t g a g e t g aaggettgggggccagggettatacgtgcctgggactcccaaagtattactgttccatgttcccggcgaagggccagctgtccccgccagctagact cag cact tag ttt aggaac cag tgag caag tcag ccct tggg g cag cccata caag g ccat g g g caag ct g cac g cct tagact cag cact tagact tagact cact tagact tagact cact tagact tagacagccagcagcggcgccaccggtgccaccATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACC AGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGT GCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGCAGGCGGAGCAAGAGA GGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGC TGCTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCC GCCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAG AGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGC CCTGGAAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGACGGCGAAGTGCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCA AACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGAC ACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGG ${\tt CAGCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACT}$ GCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTG TACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAA GCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGA AGCCCACCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGGATATTAAG GGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCA CGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGG ATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAA CTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGGCTATACCGCCACCACACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGG

ACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTG GTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCACCTGGTGGA CGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGAT CAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCC GCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAA CCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAAC GCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCT GTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGA GGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGG TGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTAC CTGAGCAGCAGCAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAA TCTGGCCAAGGGCAAGGAATCAGCAAGAACCAAGAAAGAGTATCTGCTGGAA GAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGT GGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAG TGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGC GGCGGAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGA GGACGCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAAACTGG ACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAG CATGCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCACC AGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAG AAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAA GGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACA AGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGAC CCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGACGAGAAGAA TCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAA AGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCC CATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTC CCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGAC CGTGAAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCC TCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCG CGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCG ${\tt CCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTAT}$ GAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGGCCACGAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAGAAAAAGggatcctacccatacgatgttccagattacgctt CCCAGTGTCACTAGGCGGGAACACCCAGCGCGCGTGCGCCCTGGCAGGAAGATGGC

TGTGAGGGACAGGGGAGTGGCGCCCTGCAATATTTGCATGTCGCTATGTGTTCTGGG AAATCACCATAAACGTGAAATGTCTTTGGATTTGGGAATCTTATAAGTTCTGTATGA GACCACATATAGTAATGAAATTATTGGCACGTTTTAGTACTCTGGAAACAGAATCTA CTAAAACAAGGCAAAATGCCGTGTTTATCTCGTCAACTTGTTGGCGAGATTTTTGGTgtgcggtatttcacaccgcatacgtcaaagcaaccatagtacgcgcctgtagcggcgcattaagcgcggcggtgtggtggttacgcgctctaaategggggeteeetttagggtteegatttagtgetttaeggeaeetegaeeeeaaaaaaettgatttgggtgatggtteaegtagtggge telegggetattetttgatttataagggattttgeegattteggeetattggttaaaaaaatgagetgatttaacaaaaaatttaaegegaattttaaca tgacgcgccctgacgggcttgtctgctcccggcatccgcttacagacaagctgtgaccgtctccgggagctgcatgtgtcagaggttttcac egteateacegaaacgegegagacgaaagggeetegtgatacgeetatttttataggttaatgteatgataataatggtttettagacgteaggt ggcacttttcggggaaatgtgcgcggaacccctatttgtttatttttctaaatacattcaaatatgtatccgctcatgagacaataaccctgataaatgcttcaataatattgaaaaaggaagagtatgagtattcaacatttccgtgtcgcccttattcccttttttgcggcattttgccttcctgtttttgctca cccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagttgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatcgaactggatctcaacagcggtaagatcgaactggatctcaacagcggtaagatcgaactggatcagatcgaactggatcagatcgaactggatcacagatcgaactggatcagatcagatcgaactggatcagatcagatcgaactggatcagatcagatcgaactggatcacttg ag ag ttttcccccg aag aacgttttccaatg at gag cacttttaa ag ttctgct at gtggcgcgg tattatcccg tattgacgccgggcaact teattt tta att taa aa aggat et aggt gaag at cett ttt gat aat et cat gaccaa aa at eect taa eg t gagt ttt eg te cact gag eg te aggat et act taa eg t gag et ta gag eg te aggat et act taa eg t gag eg te aggat et act ta gag eg te aggat et agg eg te aggat et act ta gag eg te agg eg te aggat et act ta gag eg te aggat et act ta gag eg te aggat et act ta gag eg te aggat et agg eg te aggat et act ta gag eg te aggat et act ta gag eg te agg eg te aggat et agg eg te agg eg te aggat et agg eg te agg egggtttgtttgccggatcaagagctaccaactctttttccgaaggtaactggcttcagcagagcgcagataccaaatactgtccttctagtgtagc cgtagttaggccaccacttcaagaactctgtagcaccgcctacatacctcgctctgctaatcctgttaccagtggctgctgccagtggcgataagtcgtgtcttaccgggttggactcaagacgatagttaccggataaggcgcagcggtcgggctgaacgggggttcgtgcacacagcccagettggagegaacgacctacaccgaactgagatacctacagegtgagctatgagaaagegccacgettcccgaagggagaaaggeggacaggtatccggtaagcggcagggtcggaacaggagagcgcacgagggagcttccagggggaaacgcctggtatctttatagtcctgtcg ggttcctggccttttgctggccttttgctcacatgt

SEQ ID NO: 24, Полинуклеотид, кодирующий интрон SV40

SEQ ID NO: 25

NNGRR (R=A или G; N может представлять собой любой нуклеотидный остаток,

например, любой из А, G, С или Т)

SEQ ID NO: 26

NNGRRN (R=A или G; N может представлять собой любой нуклеотидный остаток, например, любой из A, G, C или T)

SEQ ID NO: 27

NNGRRT (R=A или G; N может представлять собой любой нуклеотидный остаток, например, любой из A, G, C или T)

SEQ ID NO: 28

NNGRRV (R=A или G; N может представлять собой любой нуклеотидный остаток, например, любой из A, G, C или T)

SEQ ID NO: 29, Вариант 3 вектора 5

age gage gege agage gage gage gage to catecate act agg ggt to etge gge c TCTAGACTCGAGGAGCTCCACCGCGGTGGCGCCGTCCGCCtTCGGCACCATCCTCACGACACCCAAATATGGCGACGG GTGAGGAATGGTGGGGAGTTATTTTTAGAGCGGTGAGGAAGGTGGGCAGCAGCAG GTGTTGGCGCTCTAAAAATAACTCCCGGGAGTTATTTTTAGAGCGGAGGAATGGTGG ACACCCAAATATGGCGACGGTTCCTCACCCGTCGCCATATTTGGGTGTCCGCCCTCG TCCGGGGCCGGCGGCCCACGAGCTACCCGGAGGAGCGGGAGGCGCCAAGCTCT AGAACTAGTGGATCCCCCGGGCTGCAGGAATTCGATATCCATGGtctagaggatccggtactcg ctcctcagtggatgttgcctttacttctaggcctgtacggaagtgttacgccaCCATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGAC ATCGGCATCACCAGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGAT CGATGCCGGCGTGTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGCAGG CGGAGCAAGAGGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGGCATAGAATCCAGA GGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGG AACGAGGTGGAAGAGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCC GGAACAGCAAGGCCCTGGAAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCT GAAGAAGACGCCGAAGTGCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTAC GTGAAGAGCCAAACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCA GAGCTTCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGG GACCTGGCGAGGCCAGCCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATG CTGATGGGCCACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTA CAACGCCGACCTGTACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGG ACGAGAACGAGAAGCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTC AAGCAGAAGAAGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACG AAGAGGATATTAAGGGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAAC

CTGAAGGTGTACCACGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAA CGCCGAGCTGCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGG ACATCCAGGAAGAACTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAG CAGATCTCTAATCTGAAGGCCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGAAGGCCAT CAACCTGATCCTGGACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCA ACCGCTGAAGCTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCC ACCACCTGGTGGACGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAAGCTTCATCCAG AGCATCAAAGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCAT TATCGAGCTGGCCCGCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGA TGCAGAAGCGGAACCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCAC CGGCAAAGAGAACGCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAG GAAGGCAAGTGCCTGTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAA CCCCTTCAACTATGAGGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAG CTTCAACAACAAGGTGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGGGCAACCGG ACCCCATTCCAGTACCTGAGCAGCAGCGACAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAA GAAGCACATCCTGAATCTGGCCAAGGGCAAGGGCAGAATCAGCAAGACCAAGAAA GAGTATCTGCTGGAAGAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCAT CAACCGGAACCTGGTGGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGC GGAGCTACTTCAGAGTGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGC CAAGCACCACGCCGAGGACGCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGA GTGGAAGAACTGGACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAA AAGCAGGCCGAGATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCT TCATCACCCCCACCAGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGC CACCGGGTGGACAAGAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCAC CCGGAAGGACAAGGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACG ACAAGGACAATGACAAGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCT GATGTACCACCACGACCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGT ACGGCGACGAGAAGAATCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTG ACCAAGTACTCCAAAAAGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGG CAACAAACTGAACGCCCATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACA AGGTCGTGAAGCTGTCCCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGC CGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAAC CAGGCCGAGTTTATCGCCTCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGCCGAG CTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACAT GATCGACATCACCTACCGCGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCA GGATCATTAAGACAATCGCCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGAC ATTCTGGGCAACCTGTATGAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAA

ccGAATTC tag caata a agg at cgttt at ttt cattggaag cgt gt gt ttttt tg at cag gcg cgGTACCAAAAATCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTAGTAGATTCTGTTTCCAGAGTACTAAAAC a cattle ctete tataca a atgCGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCATATGATAGTCCATTTTA AAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTATTACTTTCTACGTCACGTA TTTTGTACTAATATCTTTGTGTTTACAGTCAAATTAATTCCAATTATCTCTCAACAG ${\tt CCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGACTA}$ GTAGAAAAATCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTA GTAGATTCTGTTTCCAGAGTACTAAAACGTGCCAATAATTTCATTACTATATCGGTG TTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACG GTAAGCATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGA AATTATTACTTCTACGTCACGTATTTTGTACTAATATCTTTGTGTTTACAGTCAAAT TAATTCCAATTATCTCTCAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCA TGGGAAATAGGCCCTCGGTACC aggaacccct agt gat ggagt t ggccactccctct t gcgcgctcgctcactgegect gatgegg tattte teet tacge at etg teges get at the acceptance general acceptance and the acceptance general acceptance and the acceptance general genertaagegeggeggtgtggtggttaegegeagegtgaecgetaeacttgeeagegeectagegeeegteetttegetttetteetttetegecaegttegeeggettteeeegteaagetetaaategggggeteeetttagggtteegatttagtgetttaeggeaeetegaeeeeaaaaa acttg atttg ggtg at ggt cac gt ag t gg gc cat cg cct gat ag ac ggt tttt cg ccttt gac gt t gg ag t cac gt tct tta at ag t gg ac t gat to get the same of the samectgatttaacaaaaatttaacgcgaattttaacaaaatattaacgtttacaattttatggtgcactctcagtacaatctgctctgatgccgcatagtta a g c c a g c c c g a c a c c c g c t a a c g c t g a c g g g c t t g t c t g c t c c g g c a t c g c t t a c a g a c a g c t g t g c c g c t a c g c ttctccgggagctgcatgtgtcagaggttttcaccgtcatcaccgaaacgcgcgagacgaaagggcctcgtgatacgcctatttttataggttaatgtcatgataataatggtttcttagacgtcaggtggcacttttcggggaaatgtgcgcggaacccctatttgtttatttttctaaatacattcaaat at g tatccgct cat g aga caata accct g at a a at g ctt caata at at t g a a a agg a aga g tat g ag tat caa cat t t ccg t g t cgccct t at the state of the state occcttttttgcggcattttgccttcctgtttttgctcacccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtggg tta catega act ggatete a acageggta agateet t gag ag ttt tege cee gaag aac gtt tte caat gatega geaet ttt aa ag tte t getat gatega act gatega gateet to get a gatega gateet gatega gatega gateet gatega gategtggcgcggtattatcccgtattgacgccgggcaagagcaactcggtcgccgcatacactattctcagaatgacttggttgagtactcaccagta at gaag c cataccaa acgac gag c g t gacaccac gat g c ct g t ag caat g g caa caac g t t g c g caa act at t a a ct g g c gaac t act t a ct g c g caa ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act t a ct g c g c a ct act g c c a ct act g c c a ct act g c g c a ct act g c c a ct act act g c c a ct act gttgctgataaatctggagccggtgaagccgcggtatcattgcagcactggggccagatggtaagccctcccgtatcgtagttatctacacgacgggagtcaggcaactatggatgaacgaaatagacagatcgctgagataggtgcctcactgattaagcattggtaactgtcagcettaacgtgagttttegttecactgagegteagaccccgtagaaaagateaaaggatettettgagateetttttttetgegegtaatetgetget cg caga tacca a at act g t cette tag t g tag ceg tag t tag g cac act t caa g a act ct g tag cac e g cet a cat acct c g ct acct a cat acct c g ct a cat acct c g ct a cat acct c g ct a cat acct a ccct gttaccagt ggct gct gccagt ggcgataagt cgt gtcttaccg ggtt ggact caa gac gatagt taccg gataag gcgcag cggt cgcagt ggact gatagt ggcgataagt ggcgataagt ggcgataagt ggcgataagt ggact gatagt ggcgataagt ggcgataagt ggcgataagt ggcgataagt ggact gatagt ggcgataagt

SEQ ID NO: 30, Вариант 4 вектора 5

agcgagcgcgcagagagggggtggccaactccatcactaggggttcctgcggccTCTAGACTCGAGagcttgcatgtctaagcetttggggaggaggaatgtgcccaaggactaaaaaaaggccatggagccagagggcgagggcaacagacctttcatgggcaaaccttggggccctgctgtctagcatgcccactacgggtctaggctgcccatgtaaggaggcaaggcctggggacacccgagatgcctggttattettegaacaaggetgtgggggactgagggetgtaacaggettgggggccagggettataegtgectgggacteccaaagtattaetgttccatgttcccggcgaagggccagctgtccccggccagctagactcagcacttagtttaggaaccagtgagcaagtcagcccttggggcagc ccata caagg ccatgg gcaagct gcacgct gcacgct gg gcacgg t gcacgg t gcacgg t gcacgg t gcacgg gcaacga gct gaaagct catctgaaaaaccagaaagttaactggtaagtttagtctttttgtcttttatttcaggtcccggatccggtggtgcaaatcaaagaactgctcctcaggaaagttaactggtaagtttagtctttttgtcttttatttcaggtcccggatccggtggtggtgcaaatcaaagaactgctcctcaggaaagttaactggtaagtttagtctttttgtcttttatttcaggtcccggatccggtggtggtgcaaatcaaagaactgctcctcaggatcggtgcaaaatcaaagaactgctcctcaggatcggtgcaaaatcaaagaactgctcctcaggatcggtgcaaaatcaaagaactgctcctcaggatcatgg at gtt gcctt tacttc tagg cct gtacg gaag tgtt acg cca CCATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGG CATCACCAGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATG CCGGCGTGCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGCAGGCGGAGCAAGAGGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGGCATAGAATCCAGAGAGTG AAGAAGCTGCTGTTCGACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCAT CAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAG TTCTCTGCCGCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAGAGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAAC AGCAAGGCCCTGGAAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACGGCTGAAGA AAGACGGCGAAGTGCGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAA AGAAGCCAAACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCT TCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGCCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGAT GGGCCACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACG CCGACCTGTACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCA GAAGAAGAAGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAG GATATTAAGGGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAA GGTGTACCACGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCG AGCTGCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATC CAGGAAGAACTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGAT ${\tt CTCTAATCTGAAGGCCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCT}$ GATCCTGGACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGC

TGAAGCTGGTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACC ${\tt CTGGTGGACGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATC}$ AAAGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGA GCTGGCCGCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAG AAGCGGAACCGGCAGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCA AAGAGAACGCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGG CAAGTGCCTGTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTT CAACTATGAGGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAA CAACAAGGTGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCA TTCCAGTACCTGAGCAGCAGCGACAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCA TGCTGGAAGAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCATCAACCGG AACCTGGTGGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTA $\operatorname{CTTCAGAGTGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGCTTCACCA$ GCTTTCTGCGGCGGAAGTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCAC CACGCCGAGGACGCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAA GAAACTGGACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAG GCCGAGAGCATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCAC CCCCCACCAGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGG TGGACAGAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAG GACGACAAGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGA CAATGACAAGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACC ACCACGACCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGAC GAGAAGAATCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTA CTCCAAAAAGGACAACGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAAC TGAACGCCCATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTG AAGCTGTCCCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAA GTTCGTGACCGTGAAGAATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGA ATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGA GTTTATCGCCTCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAG AGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACA TCACCTACCGCGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCGCCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGG CAACCTGTATGAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAA $GGCCGGCCACGAAAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAAGAAAAAGggatccGAATTC \\ tail for the control of the control o$ gcaataaaggatcgtttattttcattggaagcgtgtgttgttttttgatcaggcgcgGGTACCAAAAATCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTAGTAGATTCTGTTTCCAGAGTA CTAAAAC a cattle ctete tata caa atg CGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCATATGATAGTCCATTTTAAAACATAA TTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTATTACTTTCTACGTCACGTATTTTGTACT

AATATCTTTGTGTTTACAGTCAAATTAATTCCAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATC GTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGACTAGTAGAAAA ATCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTAGTAGATTC TGTTTCCAGAGTACTAAAACGTGCCAATAATTTCATTACTATATCGGTGTTTTCGTCCT TTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCAT ATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTATTA ATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAAT ggettteccegteaagetetaaategggggeteeetttagggttecgatttagtgetttaeggeaeetegaeeeeaaaaaaettgatttgggtgalung tooloogie and tooloogie antggttcacgtagtgggccatcgcctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggactcttgttccaaactggaacaacactcaaccctatctcgggctattcttttgatttataagggattttgccgatttcggcctattggttaaaaaaatgagctgatttaacaaaaat accegeaacaccegetgacgegectgacgggettgtetgeteceggeatecgettacagacaagetgtgaccgteteegggagetgea tgtgtcagaggttttcaccgtcatcaccgaaacgcgcgagacgaaagggcctcgtgatacgcctatttttataggttaatgtcatgataataatg gccttcctgtttttgctcacccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatcagatgggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatcagatgggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatcagatgggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagattgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatcagatgggtgaaagatgaaaagatgctgaagatgat caa cagegg taag at cett gag ag ttttcccccgaag aacgttttccaat gat gag cacttttaa ag ttet get at gt gegegg tattat cetter at gag ag tetter at gag ag ag tetter at gag ag ag ag agacaattaatagactggatggaggcggataaagttgcaggaccacttctgcgctcggcccttccggctggttgtttattgctgataaatctgg agccggtgaagccgcggtatcattgcagcactggggccagatggtaagccctcccgtatcgtagttatctacacgacggggagtcaggcaactatggatgaacgaaatagacagatcgctgagataggtgcctcactgattaagcattggtaactgtcagaccaagtttactcatat caccgctaccagcggtggtttgtttgccggatcaagagctaccaactctttttccgaaggtaactggcttcagcagagcgcagataccaaatactg t cct tct agt g tag ccg tag tt agg cca cca ctt caa gaact ctg tag ca ccg cct a catacct cg ct ctg cta at cct g ttacca g t g ct ctg cta at cct g ttacca g t g ct ctg cta at cct g cta ctg cta at cct g cta ctg ctagetgeeagtggegataagtegtgtettacegggttggacteaagaegatagttaceggataaggegeageggtegggetgaaeggggggt tcgtgcacacagcccagcttggagcgaacgacctacaccgaactgagatacctacagcgtgagctatgagaaagcgccacgcttcccgaagggagaaaggcggacaggtatccggtaagcggcagggtcggaacaggagagcgcacgaggggagcttccagggggaaacgcctggtcaacgcggccttttacggttcctggccttttgctggccttttgctcacatgt

SEQ ID NO: 31, Оптимизированный по кодонам полинуклеотид, кодирующий Cas9 S. aureas

atgaaaagga actacattct ggggctggac atcgggatta caagcgtggg gtatgggatt attgactatg aaacaaggga egtgategae geaggegtea gaetgtteaa ggaggeeaae gtggaaaaea atgagggaeg gagaageaag aggggageea ggegeetgaa acgaeggaga aggeaeagaa teeagagggt gaagaaaetg etgttegatt acaacetget gaeegaecat tctgagctga gtggaattaa tccttatgaa gccagggtga aaggcctgag tcagaagctg tcagaggaag agttttccgc agetetgetg cacetggeta agegeegagg agtgeataac gteaatgagg tggaagagga caceggeaac gagetgteta caaaggaaca gatctcacgc aatagcaaag ctctggaaga gaagtatgtc gcagagctgc agctggaacg gctgaagaaa gatggegagg tgagagggte aattaatagg tteaagacaa gegaetaegt eaaagaagee aageagetge tgaaagtgea gaaggettae caccagetgg atcagagett categataet tatategaee tgetggagae teggagaaee tactatgagg gaccaggaga agggagcccc ttcggatgga aagacatcaa ggaatggtac gagatgctga tgggacattg cacctatttt ccagaagagc tgagaagcgt caagtacgct tataacgcag atctgtacaa cgccctgaat gacctgaaca acctggtcat caccagggat gaaaacgaga aactggaata ctatgagaag ttccagatca tcgaaaacgt gtttaagcag aagaaaaagc ctacactgaa acagattgct aaggagatcc tggtcaacga agaggacatc aagggctacc gggtgacaag cactggaaaa ccagagttca ccaatctgaa agtgtatcac gatattaagg acatcacagc acggaaagaa atcattgaga acgccgaact getggatcag attgetaaga teetgactat etaceagage teegaggaca teeaggaaga getgactaac etgaacageg agetgaceca ggaagagate gaacagatta gtaatetgaa ggggtacace ggaacacaca acetgtecet gaaagetate aatctgatte tggatgaget gtggeataea aacgaeaate agattgeaat etttaaccgg etgaagetgg teecaaaaaa ggtggacetg agtcagcaga aagagateec aaccacaetg gtggacgatt teattetgte accegtggte aageggaget tcatccagag catcaaagtg atcaacgcca tcatcaagaa gtacggcctg cccaatgata tcattatcga gctggctagg gagaagaaca gcaaggacgc acagaagatg atcaatgaga tgcagaaacg aaaccggcag accaatgaac gcattgaaga gattatccga actaccggga aagagaacgc aaagtacctg attgaaaaaa tcaagctgca cgatatgcag gagggaaagt gtctgtattc tctggaggcc tccccctgg aggacctgct gaacaatcca ttcaactacg aggtcgatca tattatcccc agaagcgtgt cettegacaa tteetttaac aacaaggtge tggteaagea ggaagagaac tetaaaaagg gcaataggae teettteeag tacctgtcta gttcagattc caagatctct tacgaaacct ttaaaaagca cattctgaat ctggccaaag gaaagggccg catcagcaag accaaaaagg agtacctgct ggaagagcgg gacatcaaca gattctccgt ccagaaggat tttattaacc ggaatctggt ggacacaaga tacgctactc gcggcctgat gaatctgctg cgatcctatt tccgggtgaa caatctggat gtgaaagtca agtccatcaa cggcgggttc acatcttttc tgaggcgcaa atggaagttt aaaaaggagc gcaacaaagg gtacaagcac catgccgaag atgctctgat tatcgcaaat gccgacttca tctttaagga gtggaaaaag ctggacaaag ccaagaaagt gatggagaac cagatgttcg aagagaagca ggccgaatct atgcccgaaa tcgagacaga acaggagtac aaggagattt teateactee teaceagate aageatatea aggattteaa ggaetacaag tacteteace gggtggataa aaagcccaac agagagctga tcaatgacac cctgtatagt acaagaaaag acgataaggg gaataccctg attgtgaaca atetgaacgg actgtacgae aaagataatg acaagetgaa aaagetgate aacaaaagte eegagaaget getgatgtae caccatgate etcagacata teagaaactg aagetgatta tggagcagta eggegacgag aagaacceae tgtataagta ctatgaagag actgggaact acctgaccaa gtatagcaaa aaggataatg gccccgtgat caagaagatc aagtactatg ggaacaaget gaatgeeeat etggacatea eagaegatta eeetaacagt egcaacaagg tggteaaget gteaetgaag ccatacagat tcgatgtcta tctggacaac ggcgtgtata aatttgtgac tgtcaagaat ctggatgtca tcaaaaagga gaactactat gaagtgaata gcaagtgcta cgaagaggct aaaaagctga aaaagattag caaccaggca gagttcatcg cetectttta caacaacgac ctgattaaga tcaatggcga actgtatagg gtcatcgggg tgaacaatga tctgctgaac cgcattgaag tgaatatgat tgacatcact taccgagagt atctggaaaa catgaatgat aagcgcccc ctcgaattat caaaacaatt geetetaaga eteagagtat eaaaaagtae teaacegaca ttetgggaaa eetgtatgag gtgaagagea aaaageacee tcagattatc aaaaagggc [SEQ ID NO: 31]

SEQ ID NO: 32, Оптимизированный по кодонам полинуклеотид, кодирующий Cas9 S. aureas

atgaagegga actacateet gggeetggae ateggeatea ceagegtggg etaeggeate ategaetaeg agacacggga cgtgatcgat gccggcgtgc ggctgttcaa agaggccaac gtggaaaaca acgagggcag gcggagcaag agaggegeca gaaggetgaa geggeggagg eggeatagaa teeagagagt gaagaagetg etgttegaet acaacetget gaccgaccac agcgagctga gcggcatcaa cccctacgag gccagagtga agggcctgag ccagaagctg agcgaggaag agttetetge egecetgetg eacetggeea agagaagagg egtgeacaac gtgaacgagg tggaagagga eaceggeaac gagetgteea ecaaagagea gateageegg aacageaagg eeetggaaga gaaataegtg geegaactge agetggaaeg getgaagaaa gaeggegaag tgeggggeag catcaacaga tteaagacea gegaetaegt gaaagaagee aaacagetge tgaaggtgca gaaggcctac caccagetgg accagagett catcgacacc tacatcgacc tgctggaaac ceggeggacc tactatgagg gacetggega gggeagecee tteggetgga aggacateaa agaatggtae gagatgetga tgggeeactg cacetactte ecegaggaac tgeggagegt gaagtaegee tacaaegeeg acetgtacaa egecetgaac gacetgaaca atctcgtgat caccagggac gagaacgaga agctggaata ttacgagaag ttccagatca tcgagaacgt gttcaagcag aagaagaage ceacetgaa geagategee aaagaaatee tegtgaaega agaggatatt aagggetaca gagtgaeeag caceggeaag eeegagttea eeaacetgaa ggtgtaceae gacateaagg acattacege eeggaaagag attattgaga acgccgagct gctggatcag attgccaaga tcctgaccat ctaccagagc agcgaggaca tccaggaaga actgaccaat etgaacteeg agetgaeeea ggaagagate gageagatet etaatetgaa gggetataee ggeaeeeaea acetgageet gaaggecate aacetgatee tggacgaget gtggcacace aacgacaace agategetat etteaacegg etgaagetgg tgcccaagaa ggtggacctg tcccagcaga aagagateee caccacctg gtggacgact tcatcctgag ccccgtcgtg aagagaaget teateeagag eateaaagtg ateaaegeea teateaagaa gtaeggeetg eecaaegaea teattatega gctggcccgc gagaagaact ccaaggacgc ccagaaaatg atcaacgaga tgcagaagcg gaaccggcag accaacgagc ggategagga aateateegg accaeeggea aagagaaege caagtaeetg ategagaaga teaagetgea egacatgeag gaaggcaagt geetgtacag eetggaagee atecetetgg aagatetget gaacaaceee tteaactatg aggtggacea catcatecee agaagegtgt cettegacaa eagetteaac aacaaggtge tegtgaagea ggaagaaaac ageaagaagg gcaaccggac cccattccag tacctgagca gcagcgacag caagatcagc tacgaaacct tcaagaagca catcctgaat ctggccaagg gcaagggcag aatcagcaag accaagaaag agtatctgct ggaagaacgg gacatcaaca ggttctccgt gcagaaagac ttcatcaacc ggaacctggt ggataccaga tacgccacca gaggcctgat gaacctgctg cggagctact tcagagtgaa caacctggac gtgaaagtga agtccatcaa tggcggcttc accagctttc tgcggcggaa gtggaagttt aagaaagagc ggaacaaggg gtacaagcac cacgccgagg acgccctgat cattgccaac gccgatttca tcttcaaaga gtggaagaaa ctggacaagg ccaaaaaagt gatggaaaac cagatgttcg aggaaaagca ggccgagagc atgcccgaga tegaaacega geaggagtae aaagagatet teateaceee ceaceagate aageacatta aggaetteaa ggaetacaag tacagecace gggtggacaa gaagectaat agagagetga ttaacgacae eetgtactee acceggaagg acgacaaggg caacaccetg ategtgaaca atetgaacgg cetgtacgac aaggacaatg acaagetgaa aaagetgate aacaagagee cegaaaaget getgatgtae caccaegace cecagaceta ceagaaactg aagetgatta tggaacagta eggegaegag aagaateeee tgtacaagta etaegaggaa acegggaact aeetgaceaa gtacteeaaa aaggacaaeg geeeegtgat caagaagatt aagtattacg gcaacaaact gaacgcccat ctggacatca ccgacgacta ccccaacagc agaaacaagg tegtgaaget gteeetgaag eectacagat tegaegtgta eetggacaat ggegtgtaca agttegtgae egtgaagaat ctggatgtga tcaaaaaaga aaactactac gaagtgaata gcaagtgcta tgaggaagct aagaagctga agaagatcag caaccaggee gagtttateg ceteetteta caacaacgat etgateaaga teaacggega getgtataga gtgateggeg tgaacaacga cctgctgaac cggatcgaag tgaacatgat cgacatcacc taccgcgagt acctggaaaa catgaacgac

aagaggeeee eeaggateat taagacaate geeteeaaga eeeagageat taagaagtae ageacagaca ttetgggeaa eetgtatgaa gtgaaateta agaageaeee teagateate aaaaaggge [SEQ ID NO: 32]

SEQ ID NO: 33, Оптимизированный по кодонам полинуклеотид, кодирующий Cas9 S. aureas

atgaagegea actacateet eggaetggae ateggeatta eeteegtggg ataeggeate ategattaeg aaactaggga tgtgatcgac gctggagtca ggctgttcaa agaggcgaac gtggagaaca acgaggggcg gcgctcaaag aggggggccc geeggetgaa gegeegeege agacatagaa teeagegegt gaagaagetg etgttegaet acaacettet gaeegaeeae tecgaacttt eeggeateaa eecatatgag getagagtga agggattgte eeaaaagetg teegaggaag agtteteege egegttgete cacetegeca agegeagggg agtgeacaat gtgaacgaag tggaagaaga taceggaaac gagetgteca ccaaggagca gatcagccgg aactccaagg ccctggaaga gaaatacgtg gcggaactgc aactggagcg gctgaagaaa gaeggagaag tgegeggete gateaaeege tteaagaeet eggaetaegt gaaggaggee aageagetee tgaaagtgea aaaggeetat caccaacttg accagteett tategatace tacategate tgetegagae teggeggaet tactaegagg gtccagggga gggctcccca tttggttgga aggatattaa ggagtggtac gaaatgctga tgggacactg cacatacttc cctgaggagc tgcggagcgt gaaatacgca tacaacgcag acctgtacaa cgcgctgaac gacctgaaca atctcgtgat caccegggae gagaacgaaa agetegagta ttacgaaaag ttecagatta ttgagaacgt gtteaaacag aagaagaage cgacactgaa gcagattgcc aaggaaatcc tcgtgaacga agaggacatc aagggctatc gagtgacctc aacgggaaag ceggagttea ceaatetgaa ggtetaceae gacateaaag acattacege ceggaaggag atcattgaga aegeggaget gttggaccag attgcgaaga ttctgaccat ctaccaatcc tccgaggata ttcaggaaga actcaccaac ctcaacagcg aactgaccca ggaggagata gagcaaatet eeaacetgaa gggetacaee ggaacteata aeetgageet gaaggecate aacttgatcc tggacgagct gtggcacacc aacgataacc agatcgctat tttcaatcgg ctgaagctgg tccccaagaa agtggacete teacaacaaa aggagateee tactaeeett gtggaegatt teattetgte eeeegtggte aagagaaget teatacagte aateaaagtg ateaatgeea ttateaagaa atacggtetg eecaaegaea ttateattga getegeeege gagaagaact cgaaggacge ccagaagatg attaacgaaa tgcagaagag gaaccgacag actaacgaac ggatcgaaga aatcatccgg accaccggga aggaaaacgc gaagtacctg atcgaaaaga tcaagctcca tgacatgcag gaaggaaagt gtctgtactc gctggaggcc attccgctgg aggacttgct gaacaaccct tttaactacg aagtggatca tatcattccg aggagegtgt cattegacaa tteetteaac aacaaggtee tegtgaagea ggaggaaaac tegaagaagg gaaacegeac geegtteeag tacetgagea geagegacte caagatttee taegaaacet teaagaagea eateeteaac etggeaaagg ggaagggtcg catctccaag accaagaagg aatatctgct ggaagaaaga gacatcaaca gattctccgt gcaaaaggac ttcatcaacc gcaacctcgt ggatactaga tacgctactc ggggtctgat gaacctcctg agaagctact ttagagtgaa caatetggae gtgaaggtea agtegattaa eggaggttte aceteettee tgeggegeaa gtggaagtte aagaaggaae ggaacaaggg ctacaagcac cacgccgagg acgccctgat cattgccaac gccgacttca tcttcaaaga atggaagaaa ettgacaagg etaagaaggt eatggaaaac eagatgtteg aagaaaagea ggeegagtet atgeetgaaa tegagaetga acaggagtac aaggaaatet ttattacgee acaccagate aaacacatea aggattteaa ggattacaag tactcacate gegtggacaa aaageegaae agggaaetga teaacgacae eetetaetee aeeeggaagg atgacaaagg gaataeeete ategteaaca acettaacgg cetgtacgac aaggacaacg ataagetgaa gaageteatt aacaagtege cegaaaagtt getgatgtac caccacgace etcagactta ecagaagete aagetgatea tggageagta tggggaegag aaaaaceegt tgtacaagta ctacgaagaa actgggaatt atctgactaa gtactccaag aaagataacg gccccgtgat taagaagatt aagtactacg gcaacaagct gaacgeccat ctggacatca ccgatgacta ccctaattec cgcaacaagg tcgtcaagct gageeteaag eeetaeeggt ttgatgtgta eettgacaat ggagtgtaca agttegtgae tgtgaagaac ettgaegtga tcaagaagga gaactactac gaagtcaact ccaagtgcta cgaggaagca aagaagttga agaagatctc gaaccaggcc

gagtteattg eeteetteta taacaacgae etgattaaga teaaeggega aetgtaeege gteattggeg tgaacaacga teteetgaae egeategaag tgaacatgat egacateaet taeegggaat aeetggagaa tatgaaegae aagegeeege eeeggateat taagaetate geeteaaaga eeeagtegat eaagaaggae agaaeegae teetgggeaa eetgtaegag gteaaatega agaageaeee eeagateate aagaaggga [SEQ ID NO: 33]

SEQ ID NO: 34, Оптимизированный по кодонам полинуклеотид, кодирующий Cas9 S. aureas

atggccccaaagaagaageggaagtcggtatccacggagtcccagcagccaageggaactacatcctgggcctggacatc gg cat cac cag cgt gg ctac cg cat cat cga ctac cga ga cac gg ga cgt gat cga t ga cg cg t g t caa gg ga cat cat cga ctac ga ga cac gg ga cgt gat cga t ga cga t ga cga t ga cac gg ga cgt gat cga t ga cac gg ga cgt ga cga t ga cga t ga cac gg ga cga t ga cga t ga cac gg ga cga t ga cac ga cac ga cga t ga cac ga cac ga cga t ga cac ga cga t ga cac ga cga t ga cac ga cac ga cga t ga cac ga cac ga cga t ga cac ga cac ga cga t ga cac ga cga t ga cac ga caggaaaacaacgagggcaggcggagcaagagggcgccagaaggctgaagcggcggaggcggcatagaatccagagagtgaagaa agetgagegaggaagagttetetgeegeetgetgeacetggeeaagagagagggtgeacaaegtgaaegaggtggaagaggaeae cgg caacgag ctg tccaccag agag cagat cag ccgg aacag caacg cat gcag cagac tgcag cagac tgcacagaaggcctaccaccagctggaccagagcttcatcgacacctacatcgacctgctggaaacccggcggacctactatgagggacctg egagggeageceetteggetggaaggacateaaagaatggtaegagatgetgatgggeeactgeacetaetteecegaggaactgegga gcgtgaagtacgcctacaacgccgacctgtacaacgccctgaacgacctgaacaatctcgtgatcaccagggacgagaacgagaagctg gaatattacgagaagttccagatcatcgagaacgtgttcaagcagaagaagaagcccaccctgaagcagatcgccaaagaaatcctcgtg aacgaagaggatattaagggctacagagtgaccagcaccggcaagcccgagttcaccaacctgaaggtgtaccacgacatcaaggacat taccgccggaaagagattattgagaacgccgagctgctggatcagattgccaagatcctgaccatctaccagagcagcgaggacatcca ggaagaactgaccaatctgaactccgagctgacccaggaagagatcgagcagatctctaatctgaagggctataccggcacccacaacctgagcctgaaggccat caacctgatcctggacgagctgtggcacaccaacgacaaccagatcgctatcttcaaccggctgaagctggtgcccaagaaggtggacctgtcccagcagaaagagatccccaccacctggtggacgacttcatcctgagccccgtcgtgaagagaagcttcat ggacgcccagaaaatgatcaacgagatgcagaagcggaaccggcagaccaacgagcggatcgaggaaatcatccggaccaccggca a agaga acgcca agtacct gategaga agatea agctgcacga cat geagga aggca agtgcctgta cagcctgga agccat cetet gategaga agatea agctgcacga cat geagga aggca agtgcctgta cagcctgga agccat cetet gategaga aggca aggaagatetgetgaacaacccettcaactatgaggtggaccacatcatccccagaagcgtgtcettcgacaacaacagcttcaacaacaaggtget egtgaageaggaagaaacagcaagaagggcaaccggaccccattccagtacctgagcagcagcagcaagatcagctacgaaac ctt caa gaa gcaca teet gaa tet ggee aa gggea ag gaa tea gea ag aa caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gaa eg ggae at caa gaa aa gaa eg ggae at caa gaa eg gaa egacaggttctccgtgcagaaagacttcatcaaccggaacctggtggataccagatacgccaccagaggcctgatgaacctgctgcggagct geggaacaaggggtacaagcaccacgcegaggacgccetgatcattgccaacgcegatttcatcttcaaagagtggaagaaactggaca agatctt cat cacccccac cagatca agcacatta aggactt caaggacta caagta cagccaccgg t gacaagaagcct aatagagacta caagta cagccaccgg t gacaagaagcct aatagagacta caagta cagccaccgg t gacaagaagcct aatagagacta caagta cagccaccgg t gacaagaag cacaagaag cgacaatgacaagctgaaaaagctgatcaacaagagccccgaaaagctgctgatgtaccaccacgacccccagacctaccagaaactgaa getgattatggaacagtacggegacgagaagaatcccetgtacaagtactacgaggaaaccgggaactacetgaccaagtactccaaaaa ggacaacggccccgtgatcaagaagattaagtattacggcaacaaactgaacgcccatctggacatcaccgacgactaccccaacagcagaaacaaggtegtgaagetgtccctgaagccctacagattegaegtgtacctggacaatggegtgtacaagttegtgaeegtgaagaatetg gatgtgatcaaaaaagaaaactactacgaagtgaatagcaagtgctatgaggaagctaagaagctgaagaagatcagcaaccaggccga gtt tategeet cette tacaa caa cgatet gate aa cgategat gategat gategat

SEQ ID NO: 35, Оптимизированный по кодонам полинуклеотид, кодирующий Cas9 S. aureas

accggtgcca ccatgtaccc atacgatgtt ccagattacg cttcgccgaa gaaaaagcgc aaggtcgaag egtecatgaa aaggaactae attetgggge tggacategg gattacaage gtggggtatg ggattattga etatgaaaca agggacgtga tcgacgcagg cgtcagactg ttcaaggagg ccaacgtgga aaacaatgag ggacggagaa gcaagagggg agccaggege etgaaacgae ggagaaggea cagaatecag agggtgaaga aactgetgtt egattacaae etgetgaeeg accattctga gctgagtgga attaatcctt atgaagccag ggtgaaaggc ctgagtcaga agctgtcaga ggaagagttt tecgeagete tgetgeacet ggetaagege egaggagtge ataaegteaa tgaggtggaa gaggaeaceg geaaegaget gtctacaaag gaacagatct cacgcaatag caaagctctg gaagagaagt atgtcgcaga gctgcagctg gaacggctga agaaagatgg cgaggtgaga gggtcaatta ataggttcaa gacaagcgac tacgtcaaag aagccaagca gctgctgaaa gtgcagaagg cttaccacca gctggatcag agcttcatcg atacttatat cgacctgctg gagactcgga gaacctacta tgagggacca ggagaaggga gcccttcgg atggaaagac atcaaggaat ggtacgagat gctgatggga cattgcacct attttccaga agagetgaga agegtcaagt acgettataa egeagatet tacaaegeee tgaatgaeet gaacaaeetg gtcatcacca gggatgaaaa cgagaaactg gaatactatg agaagttcca gatcatcgaa aacgtgttta agcagaagaa aaagcctaca ctgaaacaga ttgctaagga gatcctggtc aacgaagagg acatcaaggg ctaccgggtg acaagcactg gaaaaccaga gttcaccaat ctgaaagtgt atcacgatat taaggacatc acagcacgga aagaaatcat tgagaacgcc gaactgetgg atcagattge taagateetg actatetace agageteega ggacateeag gaagagetga etaacetgaa cagcgagetg acccaggaag agatcgaaca gattagtaat etgaaggggt acaccggaac acacaacetg teeetgaaag ctatcaatct gattetggat gagetgtgge atacaaacga caatcagatt gcaatcttta accggetgaa getggteeca aaaaaggtgg acctgagtca gcagaaagag atcccaacca cactggtgga cgatttcatt ctgtcacccg tggtcaagcg gagetteate eagageatea aagtgateaa egecateate aagaagtaeg geetgeecaa tgatateatt ategagetgg ctagggagaa gaacagcaag gacgcacaga agatgatcaa tgagatgcag aaacgaaacc ggcagaccaa tgaacgcatt gaagagatta teegaactae egggaaagag aacgeaaagt acetgattga aaaaateaag etgeaegata tgeaggaggg aaagtgtetg tattetetgg aggecateee eetggaggae etgetgaaca atceatteaa etaegaggte gateatatta tecceagaag egtgteette gacaatteet ttaacaacaa ggtgetggte aageaggaag agaactetaa aaagggeaat aggacteett teeagtaeet gtetagttea gatteeaaga tetettaega aacetttaaa aageaeatte tgaatetgge caaaggaaag ggccgcatca gcaagaccaa aaaggagtac ctgctggaag agcgggacat caacagattc tccgtccaga aggattttat taaccggaat ctggtggaca caagatacge tactcgcgge ctgatgaate tgctgcgate ctattccgg gtgaacaate tggatgtgaa agtcaagtcc atcaacggcg ggttcacatc ttttctgagg cgcaaatgga agtttaaaaa ggagcgcaac aaagggtaca agcaccatgc cgaagatgct ctgattatcg caaatgccga cttcatcttt aaggagtgga aaaagctgga caaagccaag aaagtgatgg agaaccagat gttcgaagag aagcaggccg aatctatgcc cgaaatcgag acagaacagg agtacaagga gattttcatc actectcacc agatcaagca tatcaaggat ttcaaggact acaagtactc tcaccgggtg gataaaaaagc ccaacagaga gctgatcaat gacaccctgt atagtacaag aaaagacgat aaggggaata ccctgattgt gaacaatctg aacggactgt acgacaaaga taatgacaag ctgaaaaagc tgatcaacaa aagtcccgag aagctgctga tgtaccacca tgatcctcag acatatcaga aactgaagct gattatggag cagtacggcg acgagaagaa cccactgtat aagtactatg aagagactgg gaactacetg accaagtata gcaaaaagga taatggcccc gtgatcaaga agatcaagta ctatgggaac aagetgaatg cccatetgga catcacagac gattacecta acagtegcaa caaggtggte aagetgteac

tgaagccata cagattcgat gtctatctgg acaacggcgt gtataaattt gtgactgtca agaatctgga tgtcatcaaa aaggagaact actatgaagt gaatagcaag tgctacgaag aggctaaaaa gctgaaaaag attagcaacc aggcagagtt catcgcctcc ttttacaaca acgacctgat taagatcaat ggcgaactgt atagggtcat cggggtgaac aatgatctgc tgaaccgcat tgaagtgaat atgattgaca tcacttaccg agagtatctg gaaaacatga atgataagcg ccccctcga attatcaaaaa caattgcctc taagactcag agtatcaaaa agtactcaac cgacattctg ggaaacctgt atgaggtgaa gagcaaaaag caccctcaga ttatcaaaaa gggctaagaa ttc [SEQ ID NO: 35]

SEQ ID NO: 36, Оптимизированный по кодонам полинуклеотид, кодирующий Cas9 S. aureas

atggccccaaagaagaagcggaaggtcggtatccacggagtcccagcagccaagcggaactacatcctgggcctggacatc gg cat cac cag cg tg gg ctac cg cat cat cg act ac cg gg ac gt gat cg at gc cg gc tg tc aa ag ag gc caa cg tg at cg at gc cg gc tg tc aa ag ag gc caa cg tg at cg at gc cg gc tg tc aa ag ag gc caa cg tg at cg at gc cg gc tg tc aa ag ag gc caa cg tg at cg at gc cg gc tg tc aa ag ag gc caa cg tg at cg at gc at gcggaaaacaacgagggcaggcggagcaagagggcgccagaaggctgaagcggcggaggcggcatagaatccagagagtgaagaa getgetgttegactacaacetgetgacegaccacagegagetgageggcatcaacecetacgaggecagagtgaagggeetgagecaga eggcaacgagetgtecaccaaagagcagatcageeggaacagcaaggceetggaagagaaataegtggeegaactgeagetggaacg getgaagaagaeggegaagtgeggggeagcateaacagatteaagaeeagegaetaegtgaaagaageeaaacagetgetgaaggtg egagggcagccctteggctggaaggacatcaaagaatggtacgagatgctgatgggccactgcacctacttccccgaggaactgegga gegtgaagtaegeetaeaaegeegaeetgtaeaaegeeetgaaegaeetgaaeaatetegtgateaeeagggaegagaaegagaagetg gaatattacgagaagttccagatcatcgagaacgtgttcaagcagaagaagaagcccaccctgaagcagatcgccaaagaaatcctcgtg a acga agag gat atta agggcta cagag tgaccag caccgg caag cccg agttcacca acctga aggt gtaccac gacat caag gacat can be a considered and a considered can be a considered at the considered can be a considered and considered aggregated and considered can be a considered and considered aggregated and considered aggregated and considered aggregated aggregated aggregated and considered aggregated aggretaccgcccggaaagagattattgagaacgccgagctgctggatcagattgccaagatcctgaccatctaccagagcagcgaggacatccaggaagaactgaccaatctgaactccgagctgacccaggaagagatcgagcagatctctaatctgaagggctataccggcacccacaacct caagaaggtggacctgtcccagcagaaagagatccccaccacctggtggacgacttcatcctgagccccgtcgtgaagagaagcttcatggacgcccagaaatgatcaacgagatgcagaagcggaaccggcagaccaacgagcggatcgaggaaatcatccggaccaccggca aagagaacgccaagtacctgatcgagaagatcaagctgcacgacatgcaggaaggcaagtgcctgtacagcctggaagccatccctctg gaag at ctgctgaac aaccccttcaact at gaggtggaccacat cat ccccaga ag cgtgtccttcgacaacagcttcaacaacaag gtgctegtgaageaggaagaaacagcaagaagggcaaccggaccccattccagtacctgagcagcagcagcaagatcagctacgaaac ctt caa gaa gcaca teet gaa tet ggee aa gggea ag gaa tea gea ag aa caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gag ta tet get ggaa gaa eg ggae at caa gaa aa gaa eg ggaa aa gaa eg ggaa aa gaa eg ggae at caa gaa aa gaa eg gaa aa gaa eg gaacaggttctccgtgcagaaagacttcatcaaccggaacctggtggataccagatacgccaccagaggcctgatgaacctgctgcggagct geggaaca aggggta caa geceegaggaegeeet gate at tgeea ae geegatt teatette aa agagtggaagaa ac tggacaae geegatte at the caa ag table and the categories of theaggccaaaaaagtgatggaaaaccagatgttcgaggaaaagcaggccgagagcatgcccgagatcgaaaccgagcaggagtacaaag agatetteateaceeecaceagateaageacattaaggaetteaaggaetacaagtacageeacegggtggacaagaageetaatagag agetgattaacgacaccetgtactccacceggaaggacgacaagggcaacaccetgategtgaacaatetgaacggcetgtacgacaag getgattatggaacagtacggegacgagaagaatcccetgtacaagtactacgaggaaaccgggaactacctgaccaagtactccaaaaa ggacaacggcccgtgatcaagaagattaagtattacggcaacaaactgaacgcccatctggacatcaccgacgactaccccaacagca

SEQ ID NO: 37, Полинуклеотидная последовательность Cas9 S. aureus

aageggaactacateetgggeetggacateggeateaceagegtgggetaeggeateategactaegagacaegggaegtga tegatgeeggetgtegaaggeegaaggeegaaggeggaagaggeggaaggeggaaggeggaagaggegeagaaggetgaagaggegtgeacaaegtgaaegaggtggaagaggacaeeggeaaegagetgteeaceaaagageagateageeggaaeageaaggeee tggaagaaaatacgtggccgaactgcagctgaacggctgaagaagacggcgaagtgcggggcagcatcaacagattcaagaccaetgetggaaacceggeggacetactatgagggacetggegagggeageceetteggetggaaggacatcaaagaatggtacgagatget gatgggccactgcacctacttccccgaggaactgcggagcgtgaagtacgcctacaacgccgacctgtacaacgccctgaacgacctga ageceaecetgaageagategecaaagaaateetegtgaaegaagaggatattaagggetaeagagtgaeeageaeeggeaageeega gtt cacca acctga aggtgtac cacga cat caagga catta ccgcccgga aagagat tattgaga acgccgagctgctggat cagattgccgagat cacgacat caagga catta ccgcccgga aagagat tattgaga acgccgagctgctggat cagattgccgagat cacgacat caagga catta ccgcccgga aagagat tattgaga acgccgagat cagattgccgagat cacgacat caagga catta ccgcccgga aagagat tattgaga acgccgagat cagattgccgagat cacgacat caagga catta ccgcccgga aagagat tattgaga acgccgagat cagattgccgagat cacgacat caagga catta ccgcccgga aagaga ccgccga aagaga aagaga ccgccga aagaga aagaga ccgccga aagaga aagagaaagateetgaceatetaeeagageagegaggacateeaggaagaaetgaeeaatetgaaeteegagetgaeeeaggaagagategagea gatct ctaatct gaag g c tatacc g g cacca cacct gag c ct gaag g c cat caacct gatc ct g ac g a g ct g tatacc g gac g cacca cacca g gag ct g tatacct gaag g ct g tatacct g ac g cacca cacca g g cacca g gegaetteateetgageeeegtegtgaagagaagetteateeagageateaaagtgateaaegeeateateaagaagtaeggeetgeeeaae gacat cattate gaget ggecege gagaa gaactee aaggaege ce agaaa at gatea ae gagat geagaa geggaa ee ggeagae cattate gaget ggeagae gagaa gagaaacgageggategaggaaatcateeggaccaceggeaaagagaacgccaagtacetgategagaagateaagetgcacgacatgcagga agegtgtccttcgacaacagcttcaacaacaggtgctcgtgaagcaggaagaaaacagcaagaagggcaaccggaccccattccagta cetgageageagegacageaagateagetacgaaacetteaagaageacateetgaatetggeeaagggeaagggeagaateageaag acca aga a aga at ct g ct g ga aga ac g g ga cat ca a cag g tt ct c g t g cag a a aga ct t cat ca acc g ga acct g g t g ga ta c cag a acct g ga aga cat g a a cag g a acct g g t g at a cca g a acct g g aga acct g g aga acct g g t g at a cca g g a acct g g aga acct g g aga acct g g a acct g g t g at a cca g g a acct g g aga acct g g a acct g a acct g a acct g g a acct g g a acct g g a acct g a acct g g a acct g a acct g g a acct g atacgccaccagaggcctgatgaacctgctgcggagctacttcagagtgaacaacctggacgtgaaagtgaagtccatcaatggcggcttca gccgatttcatcttcaaagagtggaagaaactggacaaggccaaaaaagtgatggaaaaccagatgttcgaggaaaagcaggccgagag catgcccgagatcgaaaccgagcaggagtacaaagagatcttcatcacccccaccagatcaagcacattaaggacttcaaggactacaa gta cag ccaccg g t g ga caa g aa g cctaat a g ag a g ctaat a cag ac accct g t act ccacccg g aa g ga caa a g g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g caa caccct g t act ccacccg g aa g g ac a g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g aa g g ac a caccct g t act ccacccg g ac a caccct g t act ccaccc g ac a caccct g t act ccacccg g ac a caccct g t act ccacccg g ac a caccct g ac a caccctctgatcgtgaacaatctgaacggcctgtacgacaaggacaatgacaagctgaaaaagctgatcaacaagagccccgaaaagctgctgatg taccaccacgacccccagacctaccagaaactgaagctgattatggaacagtacggcgacgagaagaatcccctgtacaagtactacgag gaaaccgggaactacctgaccaagtactccaaaaaggacaacggcccgtgatcaagaagattaagtattacggcaacaaactgaacgc caatggcgtgtacaagttcgtgaccgtgaagaatctggatgtgatcaaaaaagaaaactactacgaagtgaatagcaagtgctatgaggaa gctaagaagctgaagaagatcagcaaccaggccgagtttatcgcctccttctacaacaacgatctgatcaagatcaacggcgagctgtata gagtgatcggcgtgaacaacgacctgctgaaccggatcgaagtgaacatgatcgacatcacctaccgcgagtacctggaaaacatgaacgacgacgacatcacctaccgcgagtacctggaaaacatgaacgacgacgacatcacctaccgcgagtacctggaaaacatgaacgacgacgacgacgacatgaacat acaagaggcccccaggatcattaagacaatcgcctccaagaccagagcattaagaagtacagcacagacattctgggcaacctgtatg aagtgaaatctaagaagcacctcagatcatcaaaaagggc [SEQ ID NO: 37]

SEQ ID NO: 38, pDO242 (SaCas9, используемый во всех проектах JCR89/91 и JCR157/160 для исследований in vitro; SaCas9 показан прописными буквами)

ctaa att gtaa gegttaa tatttt gttaa aattegegttaa attttt gttaa at eageteatttttaa ee aataggeegaa at eggeaa aatt gegeaa aatt gegoaa aatt gegeaa aatt gegoaa aatt gegeaa aatt gegoaa aatt gegcaa agggcgaa aaa accgtct at cagggcgat ggcccact acgtgaac cat caccct aat caagtttttt ggggtcgaggtgccgtaaagcalla agggcgaaaaaccgtct ac ggggtgccgtaaagcalla agggcgaaaaaccgtct acggggtgccgtaaagcalla agggcgaaaaaccgtct acggggtgccgtaaagcalla aggggtgccgtaaagcalla aggggtgccgalla aggctaaatcggaaccctaaagggagcccccgatttagagcttgacggggaaagccggcgaacgtggcgagaaaggaaagggaagaaagcg a a aggag c g g g c g c t ag g g c a g t g a g g t c a c g c t g c g c t a a c c a c c a c c c g c c g c t t a a t g c g c c t a c a g g c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c g c t a c a g g c c a g c agcgcgtcccattcgccattcagctgcgcaactgttgggaagggcgatcggtgcgggcctcttcgctattacgccagctggcgaaaggggctcactatagggcgaattgggtacCtttaattctagtactatgcaTgcgttgacattgattattgactagttattaatagtaatcaattacggggtcgggactttcctacttggcagtacatctacgtattagtcatcgctattaccatggtgatgcggttttggcagtacatcaatgggcgtggatagcggcaact ccgcccc attgacgcaa atgggcggtaggcgtgtacggtgggaggtctatataagcagagctctctggctaactaccggtgccaccATGAAAAGGAACTACATTCTGGGGCTGGACATCGGGATTACAAGCGTGGGGTATGG GATTATTGACTATGAAACAAGGGACGTGATCGACGCAGGCGTCAGACTGTTCAAGG AGGCCAACGTGGAAAACAATGAGGGACGGAGAAGCAAGAGGGGAGCCAGGCGCCT GAAACGACGGAGAAGCACAGAATCCAGAGGGTGAAGAAACTGCTGTTCGATTAC AACCTGCTGACCGACCATTCTGAGCTGAGTGGAATTAATCCTTATGAAGCCAGGGTG AAAGGCCTGAGTCAGAAGCTGTCAGAGGAAGAGTTTTCCGCAGCTCTGCTGCACCT GGCTAAGCGCCGAGGAGTGCATAACGTCAATGAGGTGGAAGAGGACACCGGCAAC GAGCTGTCTACAAAGGAACAGATCTCACGCAATAGCAAAGCTCTGGAAGAGAAGTA TGTCGCAGAGCTGCAGCTGGAACGGCTGAAGAAGATGGCGAGGTGAGAGGGTCA ATTAATAGGTTCAAGACAAGCGACTACGTCAAAGAAGCCAAGCAGCTGCTGAAAGT GCAGAAGGCTTACCACCAGCTGGATCAGAGCTTCATCGATACTTATATCGACCTGCT GGAGACTCGGAGAACCTACTATGAGGGACCAGGAGAAGGGAGCCCCTTCGGATGG AAAGACATCAAGGAATGGTACGAGATGCTGATGGGACATTGCACCTATTTTCCAGA AGAGCTGAGAAGCGTCAAGTACGCTTATAACGCAGATCTGTACAACGCCCTGAATG ACCTGAACAACCTGGTCATCACCAGGGATGAAAACGAGAAACTGGAATACTATGAG AAGTTCCAGATCATCGAAAACGTGTTTAAGCAGAAGAAAAAGCCTACACTGAAACA GATTGCTAAGGAGATCCTGGTCAACGAAGAGGACATCAAGGGCTACCGGGTGACAA GCACTGGAAAACCAGAGTTCACCAATCTGAAAGTGTATCACGATATTAAGGACATC ACAGCACGGAAAGAAATCATTGAGAACGCCGAACTGCTGGATCAGATTGCTAAGAT CCTGACTATCTACCAGAGCTCCGAGGACATCCAGGAAGAGCTGACTAACCTGAACA GCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAACAGATTAGTAATCTGAAGGGGTACACCGGA ACACACAACCTGTCCCTGAAAGCTATCAATCTGATTCTGGATGAGCTGTGGCATACA

AACGACAATCAGATTGCAATCTTTAACCGGCTGAAGCTGGTCCCAAAAAAGGTGGA CCTGAGTCAGCAGAAAGAGATCCCAACCACACTGGTGGACGATTTCATTCTGTCACC CGTGGTCAAGCGGAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACGCCATCATCAAGA AGTACGGCCTGCCCAATGATATCATTATCGAGCTGGCTAGGGAGAAGAACAGCAAG GCATTGAAGAGATTATCCGAACTACCGGGAAAGAAGAACGCAAAGTACCTGATTGAA AAAATCAAGCTGCACGATATGCAGGAGGGAAAGTGTCTGTATTCTCTGGAGGCCAT CCCCCTGGAGGACCTGCTGAACAATCCATTCAACTACGAGGTCGATCATATTATCCC CAGAAGCGTGTCCTTCGACAATTCCTTTAACAACAAGGTGCTGGTCAAGCAGGAAG AGAACTCTAAAAAGGGCAATAGGACTCCTTTCCAGTACCTGTCTAGTTCAGATTCCA AGATCTCTTACGAAACCTTTAAAAAGCACATTCTGAATCTGGCCAAAGGAAAGGGC CGCATCAGCAAGACCAAAAAGGAGTACCTGCTGGAAGAGCGGGACATCAACAGATT CTCCGTCCAGAAGGATTTTATTAACCGGAATCTGGTGGACACAAGATACGCTACTCGCGGCCTGATGAATCTGCTGCGATCCTATTTCCGGGTGAACAATCTGGATGTGAAAGTCAAGTCCATCAACGGCGGGTTCACATCTTTTCTGAGGCGCAAATGGAAGTTTAAAAA GGAGCGCAACAAGGGTACAAGCACCATGCCGAAGATGCTCTGATTATCGCAAATG CCGACTTCATCTTTAAGGAGTGGAAAAAGCTGGACAAAGCCAAGAAAGTGATGGAGAACCAGATGTTCGAAGAGAAGCAGGCCGAATCTATGCCCGAAATCGAGACAGAACA GGAGTACAAGGAGATTTTCATCACTCCTCACCAGATCAAGCATATCAAGGATTTCAA GGACTACAAGTACTCTCACCGGGTGGATAAAAAGCCCAACAGAGAGCTGATCAATG ACACCCTGTATAGTACAAGAAAAGACGATAAGGGGAATACCCTGATTGTGAACAAT CTGAACGGACTGTACGACAAGATAATGACAAGCTGAAAAAGCTGATCAACAAA GTCCCGAGAAGCTGCTGATGTACCACCATGATCCTCAGACATATCAGAAACTGAAG CTGATTATGGAGCAGTACGGCGACGAGAAGAACCCACTGTATAAGTACTATGAAGAGACTGGGAACTACCTGACCAAGTATAGCAAAAAGGATAATGGCCCCGTGATCAAGA AGATCAAGTACTATGGGAACAAGCTGAATGCCCATCTGGACATCACAGACGATTAC CCTAACAGTCGCAACAAGGTGGTCAAGCTGTCACTGAAGCCATACAGATTCGATGT CTATCTGGACAACGCCGTGTATAAATTTGTGACTGTCAAGAATCTGGATGTCATCAA AAAGGAGAACTACTATGAAGTGAATAGCAAGTGCTACGAAGAGGCTAAAAAGCTG AAAAAGATTAGCAACCAGGCAGAGTTCATCGCCTCCTTTTACAACAACGACCTGATT AAGATCAATGGCGAACTGTATAGGGTCATCGGGGTGAACAATGATCTGCTGAACCG CATTGAAGTGAATATGATTGACATCACTTACCGAGAGTATCTGGAAAACATGAATG ATAAGCGCCCCCTCGAATTATCAAAACAATTGCCTCTAAGACTCAGAGTATCAAAA AGTACTCAACCGACATTCTGGGAAACCTGTATGAGGTGAAGAGCAAAAAGCACCCT ccctccccgtgccttccttgaccctggaaggtgccactcccactgtcctttcctaataaaatgaggaaattgcatcgcattgtctgagtaggtccgc CCgcggtggagctccagcttttgttcctttagtgagggttaattgcgcgcttggcgtaatcatggtcatagctgtttcctgtgtgaaatt

cgttgcgctcactgccgctttccagtcgggaaacctgtcgtgccagctgcattaatgaatcggccaacgcgggggagaggcggtttgcggttgctggcgtttttccataggctccgccccctgacgagcatcacaaaaatcgacgctcaagtcagaggtggcgaaacccgacaggacta taa agatac cagge gtttcccct ggaag ctccct gtgcgctctcct gttccgaccct gccgcttaccggatacct gtccgcctttctcccttcgggaagcgtggcgctttctcatagctcacgctgtaggtatctcagttcggtgtaggtcgttcgctccaagctgggctgtgtgcacgaaccccccgt t cag c c g a c c g c t a t c c g t t a t c g t c t a t c g c a t c ggtaa caggattag cagag caggatg ctacagag ttcttg aagtg gtgcctaactacg gctacactag aag gacag tattta act cac gt ta aggg att tt g g t cat g ag att at caa a a ag g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att aa a a at g a ag tt tt a a at ca act ca ag g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att a a a a ag g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a att a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a a a a a g g at ctt cac ct ag at ccttt ta a a a ct cac ct ag at cctt ta a a ct cac ct ag at cctt ta a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a a a ct cac ct ag at cctt a cac ct ag at cctt a cac ct ag at cctt a ct agcccgtcgtgtagataactacgatacgggagggcttaccatctggccccagtgctgcaatgataccgcgagacccacgctcaccggctccacgg gaag ctag agtaag tag ttcgccagt taatag tttgcgcaacg ttgttgccattgctacag gcatcg tggtgtcacgctcg tttgg tatggett catte agetee ggttee caa egate aaggegagt ta cat gate ee cat gt t g te caa aaa aag eggt ta getee t te ggtee te cat gate ea cat gate aaggegagt ta cat gate ea cat gat gate ea cat gat gate ea cat gate ea cat gate ea cat gate ea catgttgtcagaagtaagttggccgcagtgttatcactcatggttatggcagcactgcataattctcttactgtcatgccatccgtaagatgcttttctgtgactggtgagtactcaaccaagtcattctgagaatagtgtatgcggcgaccgagttgctcttgcccggcgtcaatacgggataataccgcgcca catag caga a cttta a aagt get cat cattggaa aa acgttette ggggegaa aa actete aaggatetta ee get gtt gagatee agtte gagatee acgtte gagatee atgtaacccactcgtgcacccaactgatcttcagcatcttttactttcaccagcgtttctgggtgagcaaaaacaggaaggcaaaatgccgcaagatacatatttgaatgtatttagaaaaataaacaaataggggttccgcgcacatttccccgaaaagtgccac [SEQ ID NO:38]

SEQ ID NO: 39, Аминокислотная последовательность молекулы Cas9 S. aureus MKRNYILGLDIGITSVGYGIIDYETRDVIDAGVRLFKEANVENNEGRRSKRGARR LKRRRHRIQRVKKLLFDYNLLTDHSELSGINPYEARVKGLSQKLSEEEFSAALLHLAKR RGVHNVNEVEEDTGNELSTKEQISRNSKALEEKYVAELQLERLKKDGEVRGSINRFKTS DYVKEAKQLLKVQKAYHQLDQSFIDTYIDLLETRRTYYEGPGEGSPFGWKDIKEWYEM LMGHCTYFPEELRSVKYAYNADLYNALNDLNNLVITRDENEKLEYYEKFQIIENVFKQK KKPTLKQIAKEILVNEEDIKGYRVTSTGKPEFTNLKVYHDIKDITARKEIIENAELLDQIA KILTIYQSSEDIQEELTNLNSELTQEEIEQISNLKGYTGTHNLSLKAINLILDELWHTNDNQ IAIFNRLKLVPKKVDLSQQKEIPTTLVDDFILSPVVKRSFIQSIKVINAIIKKYGLPNDIIIEL AREKNSKDAQKMINEMQKRNRQTNERIEEIIRTTGKENAKYLIEKIKLHDMQEGKCLYS LEAIPLEDLLNNPFNYEVDHIIPRSVSFDNSFNNKVLVKQEENSKKGNRTPFQYLSSSDSK ISYETFKKHILNLAKGKGRISKTKKEYLLEERDINRFSVQKDFINRNLVDTRYATRGLMN LLRSYFRVNNLDVKVKSINGGFTSFLRRKWKFKKERNKGYKHHAEDALIIANADFIFKE WKKLDKAKKVMENQMFEEKQAESMPEIETEQEYKEIFITPHQIKHIKDFKDYKYSHRVD KKPNRELINDTLYSTRKDDKGNTLIVNNLNGLYDKDNDKLKKLINKSPEKLLMYHHDP QTYQKLKLIMEQYGDEKNPLYKYYEETGNYLTKYSKKDNGPVIKKIKYYGNKLNAHLD ITDDYPNSRNKVVKLSLKPYRFDVYLDNGVYKFVTVKNLDVIKKENYYEVNSKCYEEA KKLKKISNQAEFIASFYNNDLIKINGELYRVIGVNNDLLNRIEVNMIDITYREYLENMND

KRPPRIIKTIASKTQSIKKYSTDILGNLYEVKSKKHPQIIKKG [SEQ ID NO: 39]

SEQ ID NO: 40, Аминокислотная последовательность молекулы Cas9 S. aureus KRNYILGLDIGITSVGYGIIDYETRDVIDAGVRLFKEANVENNEGRRSKRGARRL KRRRHRIQRVKKLLFDYNLLTDHSELSGINPYEARVKGLSQKLSEEEFSAALLHLAKRR GVHNVNEVEEDTGNELSTKEQISRNSKALEEKYVAELQLERLKKDGEVRGSINRFKTSD YVKEAKQLLKVQKAYHQLDQSFIDTYIDLLETRRTYYEGPGEGSPFGWKDIKEWYEML MGHCTYFPEELRSVKYAYNADLYNALNDLNNLVITRDENEKLEYYEKFQIIENVFKQKK KPTLKQIAKEILVNEEDIKGYRVTSTGKPEFTNLKVYHDIKDITARKEIIENAELLDQIAKI LTIYQSSEDIQEELTNLNSELTQEEIEQISNLKGYTGTHNLSLKAINLILDELWHTNDNQIA IFNRLKLVPKKVDLSQQKEIPTTLVDDFILSPVVKRSFIQSIKVINAIIKKYGLPNDIIIELAR EKNSKDAQKMINEMQKRNRQTNERIEEIIRTTGKENAKYLIEKIKLHDMQEGKCLYSLE AIPLEDLLNNPFNYEVDHIIPRSVSFDNSFNNKVLVKQEENSKKGNRTPFQYLSSSDSKIS YETFKKHILNLAKGKGRISKTKKEYLLEERDINRFSVQKDFINRNLVDTRYATRGLMNL LRSYFRVNNLDVKVKSINGGFTSFLRRKWKFKKERNKGYKHHAEDALIIANADFIFKEW KKLDKAKKVMENQMFEEKQAESMPEIETEQEYKEIFITPHQIKHIKDFKDYKYSHRVDK KPNRELINDTLYSTRKDDKGNTLIVNNLNGLYDKDNDKLKKLINKSPEKLLMYHHDPQ TYQKLKLIMEQYGDEKNPLYKYYEETGNYLTKYSKKDNGPVIKKIKYYGNKLNAHLDI TDDYPNSRNKVVKLSLKPYRFDVYLDNGVYKFVTVKNLDVIKKENYYEVNSKCYEEA KKLKKISNQAEFIASFYNNDLIKINGELYRVIGVNNDLLNRIEVNMIDITYREYLENMND KRPPRIIKTIASKTQSIKKYSTDILGNLYEVKSKKHPQIIKKG [SEQ ID NO: 40]

SEQ ID NO: 41, Вариант 1 вектора 5

agcgagcgcagagagggagtggccaactccatcactaggggttcctgcggccTCTAGACTCGAGTCGAGTGGCTCCGGTGCCCGTCAGTGGGCAGAGCGCACATCGCCCACAGTCCCCGAGAAGTTGGGG GGAGGGGTCGCCAATTGAACCGGTGCCTAGAGAAGGTGGCGCGGGGTAAACTGGG AAAGTGATGTCGTGTACTGGCTCCGCCTTTTTCCCGAGGGTGGGGGAGAACCGTATA TAAGTGCAGTAGTCGCCGTGAACGTTCTTTTTCGCAACGGGTTTGCCGCCAGAACACAGGTGTCGTGACCGCGCCATGGtctagaggatccggtactcgaggaactgaaaaaccagaaagttaactggtaagtttagtctttttgtcttttatttcaggtcccggatccggtggtgcaaatcaaagaactgctcctcagtggatgttgcctttacttctaggcctgtacggaagtgttacgccaCCATGGCCCCAAAGAAGAAGCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACCAGCGTGGGCT ACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACGTGATCGATGCCGGCGTGCGGCTGTTC AAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGCAGGCGGAGCAAGAGAGGCGCCAGA AGGCTGAAGCGGCGGAGGCGCATAGAATCCAGAGAGTGAAGAAGCTGCTGTTCG ACTACAACCTGCTGACCGACCACAGCGAGCTGAGCGGCATCAACCCCTACGAGGCC AGAGTGAAGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCGAGGAAGAGTTCTCTGCCGCCCTGCT GCACCTGGCCAAGAGAGAGGCGTGCACAACGTGAACGAGGTGGAAGAGGACACC GGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCAGCCGGAACAGCAAGGCCCTGGAAG GGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGACTACGTGAAAGAAGCCAAACAGCTGC TGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGACACCTACATC GACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGGCAGCCCCTT CGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGATGCTGATGGGCCACTGCACCTACT TCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTGTACAACGCC CTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGGGACGAGAACGAGAAGCTGGAATA TTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTTCAAGCAGAAGAAGAAGCCCACCC TGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAACGAAGAGGATATTAAGGGCTACAGA GTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAACCTGAAGGTGTACCACGACATCAA GGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGAACGCCGAGCTGCTGGATCAGATTG CCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAGGACATCCAGGAAGAACTGACCAAT CTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGAGCAGATCTCTAATCTGAAGGGCTA TACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGAAGGCCATCAACCTGATCCTGGACGAGCTGT GGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCAACCGGCTGAAGCTGGTGCCCAAG AAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCCACCACCCTGGTGGACGACTTCAT CCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAGAGCATCAAAGTGATCAACGCCA TCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCATTATCGAGCTGGCCCGCGAGAAG AACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGATGCAGAAGCGGAACCGGCAGA CCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCACCGGCAAAGAGAACGCCAAGTA CCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAGGAAGGCAAGTGCCTGTACAGCC TGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAACCCCTTCAACTATGAGGTGGACC ACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAGCTTCAACAACAAGGTGCTCGTGA AGCAGGAAGAAACAGCAAGAAGGGCAACCGGACCCCATTCCAGTACCTGAGCAG CAGCGACAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAAGAAGCACATCCTGAATCTGGCCA AGGGCAAGGGCAGAATCAGCAAGACCAAGAAAGAGTATCTGCTGGAAGAACGGGA CATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAGACTTCATCAACCGGAACCTGGTGGATACCA GATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGCGGAGCTACTTCAGAGTGAACAAC CTGGACGTGAAAGTCAATCAATGGCGGCTTCACCAGCTTTCTGCGGCGGAA GTGGAAGTTTAAGAAAGAGCGGAACAAGGGGTACAAGCACCACGCCGAGGACGCC CTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGAGTGGAAGAAACTGGACAAGGCCAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAAAAGCAGGCCGAGAGCATGCCC GAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCTTCATCACCCCCCACCAGATCAA GCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGCCACCGGGTGGACAAGAAGCCTA ATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCACCCGGAAGGACGACAAGGGCAAC ACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACGACAAGGACAATGACAAGCTGAA AAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAGCTGCTGATGTACCACCACGACCCCCAGA CCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGTACGGCGACGAGAAGAATCCCCTG TACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTGACCAAGTACTCCAAAAAGGACAA CGGCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGGCAACAAACTGAACGCCCATCTGG ACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACAAGGTCGTGAAGCTGTCCCTGAAG CCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGCGTGTACAAGTTCGTGACCGTGAAG

AATCTGGATGTGATCAAAAAAGAAAACTACTACGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGA GGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAACCAGGCCGAGTTTATCGCCTCCTTCT ACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGGCGAGCTGTATAGAGTGATCGGCGTGAAC AACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACATGATCGACATCACCTACCGCGAGTA CCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCAGGATCATTAAGACAATCGCCTCCA AGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGACATTCTGGGCAACCTGTATGAAGTG AAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAAGGGCAAAAGGCCGGCGGCCACGA AAAAGGCCGGCCAGGCAAAAAAGAAAAAGggatccGAATTCtagcaataaaggatcgtttattttcattg gaagegtgtgttgttttttgatcaggegegGGTACCAAAAATCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTAGTAGATTCTGTTTCCAGAGTACTAAAACacatttcctctata caa atg CGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAAC TACCCAAGAAATTATTACTTTCTACGTCACGTATTTTGTACTAATATCTTTGTGTTTA CAGTCAAATTAATTCCAATTATCTCTCTAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGACTAGTAGAAAAATCTCGCCAACAAGT TGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTAGTAGATTCTGTTTCCAGAGTACT AAAACGTGCCAATAATTTCATTACTATATCGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATAT AAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCATATGATAGTCCATTTTA AAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTATTACTTTCTACGTCACGTA TTTTGTACTAATATCTTTGTGTTTACAGTCAAATTAATTCCAATTATCTCTCAACAG CCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCGGTACCag attteacacegeatacgteaaageaaceatagtacgegecetgtageggegeattaagegeggggggtgtgggtggttaegegeagegtga gggggctccctttagggttccgatttagtgctttacggcacctcgaccccaaaaaaacttgatttgggtgatggttcacgtagtgggccatcgccctgatagacggtttttcgccctttgacgttggagtccacgttctttaatagtggactcttgttccaaactggaacaacactcaaccctatctcgggccctgacgggcttgtctgctcccggcatccgcttacagacaagctgtgaccgtctccgggagctgcatgtgtcagaggttttcaccgtcatcaccgaaacgcgcgagacgaaagggcctcgtgatacgcctatttttataggttaatgtcatgataataatggtttcttagacgtcaggtggcacttttegggaa a tgtgegeggaa cccct att tgtt tatt ttt ctaa at acat caa at at gtat cegete at gaga caa taa ccct gat aa at get teaa at acat caa at at get teaa at acat caa at at get teaa at acat caa at a get teaa at acat caa at at get teaa at accct gat aa at get teaa at get teaa at accct gat aa at get teaa at accct gat aa at get teaa at accct gat aa at get teaa at get teaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagaagatcagtgggtgaagatcagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagaagatcagttgggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagaagatcagttggggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagaagatcagttggggtgcacgagtgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagaagatccttgagaagatcagttgggttacatcgaactggatctcaacagcggtaagatccttgagaagatccttgagaagatcagatcgaagatcgaagatcgaagatcagatcgaagatcagatcgaagatcagatcgaagatcagatcgaagatcagatactegg tege egeata cact attete aga at gaet t gg ttg ag tactea ce ag tea eaga a aga acatet tac egg at gg cat gae ag tag acatet ac egg at gae ag tag acatet acate acateggataaagttgcaggaccacttctgcgctcggcccttccggctggtttattgctgataaatctggagccggtgagcgtggaagccgcg

SEQ ID NO: 42, Вариант 2 вектора 5

age gage gege agage gag ag gag t geceaact ceat cact ag g g g t t cet g e g e c TCTAGACTCGAGCTAGACTAGCATGCTGCCCATGTAAGGAGGCAAGGCCTGGGGACACCCGAGATGCCTGGTTATAAT TAACCCAGACATGTGGCTGCCCCCCCCCCCAACACCTGCTGCCTCTAAAAATAAC ${\tt CCTGCATGCCATGTTCCCGGCGAAGGGCCAGCTGTCCCCGCCAGCTAGACTCAGCA}$ ${\tt CTTAGTTTAGGAACCAGTGAGCAAGTCAGCCCTTGGGGCAGCCCATACAAGGCCAT}$ GGGGCTGGGCAAGCTGCACGCCTGGGTCCGGGGTGGCCACGGTGCCCGGGCAACGA GCTGAAAGCTCATCTGCTCTCAGGGGCCCCTCCCTGGGGACAGCCCCTCCTGGCTAG TCACACCCTGTAGGCTCCTCTATATAACCCAGGGGCACAGGGGCTGCCCTCATTCTAggtactcg aggaactgaaaaccagaaagttaactgg taagtttagtctttttgtcttttatttcaggtcccggatccggtggtgcaaatcaaCGGAAGGTCGGTATCCACGGAGTCCCAGCAGCCAAGCGGAACTACATCCTGGGCCTGGACATCGGCATCACCAGCGTGGGCTACGGCATCATCGACTACGAGACACGGGACG TGATCGATGCCGGCGTGCGGCTGTTCAAAGAGGCCAACGTGGAAAACAACGAGGGC AGGCGGAGCAAGAGGCGCCAGAAGGCTGAAGCGGCGGAGGCGCATAGAATCC AGCGGCATCAACCCCTACGAGGCCAGAGTGAAGGGCCTGAGCCAGAAGCTGAGCG AGGAAGAGTTCTCTGCCGCCCTGCTGCACCTGGCCAAGAGAAGAGGCGTGCACAAC GTGAACGAGGTGGAAGAGGACACCGGCAACGAGCTGTCCACCAAAGAGCAGATCA GCCGGAACAGCAAGGCCCTGGAAGAGAAATACGTGGCCGAACTGCAGCTGGAACG GCTGAAGAAGACGGCGAAGTGCGGGGCAGCATCAACAGATTCAAGACCAGCGAC TACGTGAAAGAAGCCAAACAGCTGCTGAAGGTGCAGAAGGCCTACCACCAGCTGGACCAGAGCTTCATCGACACCTACATCGACCTGCTGGAAACCCGGCGGACCTACTATGAGGGACCTGGCGAGGCCCCTTCGGCTGGAAGGACATCAAAGAATGGTACGAGA TGCTGATGGGCCACTGCACCTACTTCCCCGAGGAACTGCGGAGCGTGAAGTACGCCTACAACGCCGACCTGTACAACGCCCTGAACGACCTGAACAATCTCGTGATCACCAGG GACGAGAACGAGAAGCTGGAATATTACGAGAAGTTCCAGATCATCGAGAACGTGTT

CAAGCAGAAGAAGCCCACCCTGAAGCAGATCGCCAAAGAAATCCTCGTGAAC GAAGAGGATATTAAGGGCTACAGAGTGACCAGCACCGGCAAGCCCGAGTTCACCAA CCTGAAGGTGTACCACGACATCAAGGACATTACCGCCCGGAAAGAGATTATTGAGA ACGCCGAGCTGCTGGATCAGATTGCCAAGATCCTGACCATCTACCAGAGCAGCGAG GACATCCAGGAAGAACTGACCAATCTGAACTCCGAGCTGACCCAGGAAGAGATCGA GCAGATCTCTAATCTGAAGGGCTATACCGGCACCCACAACCTGAGCCTGAAGGCCA TCAACCTGATCCTGGACGAGCTGTGGCACACCAACGACAACCAGATCGCTATCTTCA ACCGCTGAAGCTGGTGCCCAAGAAGGTGGACCTGTCCCAGCAGAAAGAGATCCCC ACCACCTGGTGGACGACTTCATCCTGAGCCCCGTCGTGAAGAGAAGCTTCATCCAG AGCATCAAAGTGATCAACGCCATCATCAAGAAGTACGGCCTGCCCAACGACATCAT TATCGAGCTGGCCCGCGAGAAGAACTCCAAGGACGCCCAGAAAATGATCAACGAGA TGCAGAAGCGGAACCGACCAACGAGCGGATCGAGGAAATCATCCGGACCAC CGGCAAAGAGAACGCCAAGTACCTGATCGAGAAGATCAAGCTGCACGACATGCAG GAAGGCAAGTGCCTGTACAGCCTGGAAGCCATCCCTCTGGAAGATCTGCTGAACAA CCCCTTCAACTATGAGGTGGACCACATCATCCCCAGAAGCGTGTCCTTCGACAACAG CTTCAACAACAAGGTGCTCGTGAAGCAGGAAGAAAACAGCAAGAAGGGCAACCGG ACCCCATTCCAGTACCTGAGCAGCAGCGACAGCAAGATCAGCTACGAAACCTTCAA GAAGCACATCCTGAATCTGGCCAAGGGCAAGGGCAGAATCAGCAAGACCAAGAAA GAGTATCTGCTGGAAGAACGGGACATCAACAGGTTCTCCGTGCAGAAAGACTTCAT CAACCGGAACCTGGTGGATACCAGATACGCCACCAGAGGCCTGATGAACCTGCTGC GGAGCTACTTCAGAGTGAACAACCTGGACGTGAAAGTGAAGTCCATCAATGGCGGC CAAGCACCACGCCGAGGACGCCCTGATCATTGCCAACGCCGATTTCATCTTCAAAGA GTGGAAGAACTGGACAAGGCCAAAAAAGTGATGGAAAACCAGATGTTCGAGGAA AAGCAGGCCGAGAGCATGCCCGAGATCGAAACCGAGCAGGAGTACAAAGAGATCT TCATCACCCCCACCAGATCAAGCACATTAAGGACTTCAAGGACTACAAGTACAGC CACCGGGTGGACAAGAAGCCTAATAGAGAGCTGATTAACGACACCCTGTACTCCAC CCGGAAGGACAAGGGCAACACCCTGATCGTGAACAATCTGAACGGCCTGTACG ACAAGGACAATGACAAGCTGAAAAAGCTGATCAACAAGAGCCCCGAAAAAGCTGCT GATGTACCACCACGACCCCAGACCTACCAGAAACTGAAGCTGATTATGGAACAGT ACGGCGACGAGAAGAATCCCCTGTACAAGTACTACGAGGAAACCGGGAACTACCTG ACCAAGTACTCCAAAAAGGACAACGGCCCCGTGATCAAGAAGATTAAGTATTACGG CAACAACTGAACGCCCATCTGGACATCACCGACGACTACCCCAACAGCAGAAACA AGGTCGTGAAGCTGTCCCTGAAGCCCTACAGATTCGACGTGTACCTGGACAATGGC CGAAGTGAATAGCAAGTGCTATGAGGAAGCTAAGAAGCTGAAGAAGATCAGCAAC CAGGCCGAGTTTATCGCCTCCTTCTACAACAACGATCTGATCAAGATCAACGCCGAG CTGTATAGAGTGATCGGCGTGAACAACGACCTGCTGAACCGGATCGAAGTGAACAT GATCGACATCACCTACCGCGAGTACCTGGAAAACATGAACGACAAGAGGCCCCCCA GGATCATTAAGACAATCGCCTCCAAGACCCAGAGCATTAAGAAGTACAGCACAGAC

ATTCTGGGCAACCTGTATGAAGTGAAATCTAAGAAGCACCCTCAGATCATCAAAAA ccGAATTC tag caata a agg at cgtt tatttt cattgg a ag cgt gt gt ttttt gat cag gcg cgGGTACCAAAAATCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTAGTAGATTCTGTT TCCAGAGTACTAAAAC a cattle ctete tataca a atgCGGTGTTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACGGTAAGCATATGATAGTCCATTTTA AAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGAAATTATTACTTTCTACGTCACGTA TTTTGTACTAATATCTTTGTGTTTACAGTCAAATTAATTCCAATTATCTCTCTAACAG CCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCATGGGAAATAGGCCCTCCTCGACTAGTAGAAAAATCTCGCCAACAAGTTGACGAGATAAACACGGCATTTTGCCTTGTTTTA GTAGATTCTGTTTCCAGAGTACTAAAACGTGCCAATAATTTCATTACTATATCGGTG TTTCGTCCTTTCCACAAGATATATAAAGCCAAGAAATCGAAATACTTTCAAGTTACG GTAAGCATATGATAGTCCATTTTAAAACATAATTTTAAAACTGCAAACTACCCAAGA AATTATTACTTCTACGTCACGTATTTTGTACTAATATCTTTGTGTTTACAGTCAAAT TAATTCCAATTATCTCTCAACAGCCTTGTATCGTATATGCAAATATGAAGGAATCA TGGGAAATAGGCCCTCGGTACC aggaacccct agt gat ggagt t ggccactccctct t gcgcgctcgct cactgegect gatgegg tattte teet tacge at etg teges get at the acceptance general acceptance and the acceptance general acceptance and the acceptance general genertaagegeggggtgtggtggttaegegeagegtgaccgctacacttgccagegecctagegeccgctcctttcgctttcttcctttctctgatttaacaaaaatttaacgcgaattttaacaaaatattaacgtttacaattttatggtgcactctcagtacaatctgctctgatgccgcatagttaageeageeegacaceegeeaacaceegetgaegegeeetgaegggettgtetgeteeeggeateegettaeagaeaagetgtgaeeg atgtatccgctcatgagacaataaccctgataaatgcttcaataatattgaaaaaggaagagtatgagtattcaacatttccgtgtcgcccttatt cccttttttgcggcattttgccttcctgtttttgctcacccagaaacgctggtgaaagtaaaagatgctgaagatcagttgggtgcacgagtgggtggcgcggtattatcccgtattgacgccgggcaagagcaactcggtcgccgcatacactattctcagaatgacttggttgagtactcaccagtcacagaa a ag catctt acgg atgg cat gacagta ag ag a att atg cag t g cata acc at gag t gat a a cact g c g g c ca act t act t ct to the catagory of the catagorya at gaag c cataccaa acgac gag c g t gacaccac gat g cct g t ag caat g g caa caac g t t g c g caa act at t a act g g c gaac t act t a company of the companttgctgataaatctggagccggtggaagccgcggtatcattgcagcactggggccagatggtaagccctcccgtatcgtagttatctacacgacgggagtcaggcaactatggatgaacgaaatagacagatcgctgagataggtgcctcactgattaagcattggtaactgtcagtg caa acaa aa aa aa accaccg ctaccag cgg tgg tttgtttg ccgg at caa gag ctacca act cttttt ccg aa gg taa ctgg ctt cag cag ag accade act ctttt ccg aa gg taa ctgg ctt cag cag ag accade accade act ctttt ccg aa gg taa ctgg ctt cag cag ag accade accadecg caga tacca a at act g tect tetag t g tag ceg tag t tag g cea cea ct tea aga act et g tag cace g ceta cat acct e g et a tag cace g ceta cat acct e g et a tag cace g et a

ФОРМУЛА ИЗОБРЕТЕНИЯ

- 1. Система CRISPR-Cas, содержащая один или более векторов, кодирующих композицию, где указанная композиция включает:
- (a) первую молекулу руководящей РНК (pPHK), нацеленную на интрон 44 дистрофина;
 - (b) вторую молекулу рРНК, нацеленную на интрон 55 дистрофина;
 - (c) белок Cas9; и
 - (d) один или более остовов рРНК Cas9.
 - 2. Система по п. 1, где система содержит один вектор.
- 3. Система по п. 1, где система содержит два или более векторов, где два или более векторов содержат первый вектор и второй вектор.
 - 4. Система по п. 3, где
 - (а) первый вектор кодирует первую молекулу рРНК и вторую молекулу рРНК; и
 - (b) второй вектор кодирует белок Cas9.
 - 5. Система по п. 3, где
 - (а) первый вектор кодирует первую молекулу рРНК; и
 - (b) второй вектор кодирует вторую молекулу рРНК.
 - 6. Система по п. 5, где первый вектор дополнительно кодирует белок Cas9.
 - 7. Система по п. 5 или 6, где второй вектор дополнительно кодирует белок Cas9.
- 8. Система по любому из пп. 1-7, где экспрессия белка Cas9 инициируется конститутивным промотором или мышцеспецифическим промотором.
- 9. Система по п. 8, где мышцеспецифический промотор включает промотор МНСК7, промотор СК8 или промотор Spc512.
- 10. Система по п. 2, где один вектор кодирует первую молекулу рРНК, вторую молекулу рРНК и белок Cas9.
- 11. Система по любому из пп. 1-10, где вектор содержит по меньшей мере один двунаправленный промотор.
 - 12. Система по п. 11, где двунаправленный промотор включает:

первый промотор, инициирующий экспрессию первой молекулы pPHK и/или второй молекулы pPHK; и

второй промотор, инициирующий экспрессию белка Cas9.

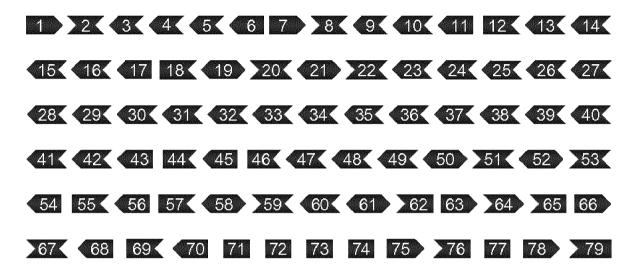
- 13. Система по любому из пп. 1-12, где первая рРНК нацелена на полинуклеотид SEQ ID NO: 2 или его 5'-усеченный вариант.
- 14. Система по любому из пп. 1-13, где вторая pPHK нацелена на полинуклеотид SEQ ID NO: 3 или его 5'-усеченный вариант.
- 15. Система по любому из пп. 1-14, где белок Cas9 представляет собой белок SpCas9, SaCas9 или St1Cas9.
- 16. Система по любому из пп. 1-15, где остов pPHK Cas9 представляет собой остов pPHK SaCas9.
 - 17. Система по п. 16, где остов pPHK SaCas9 содержит полинуклеотид SEQ ID NO:

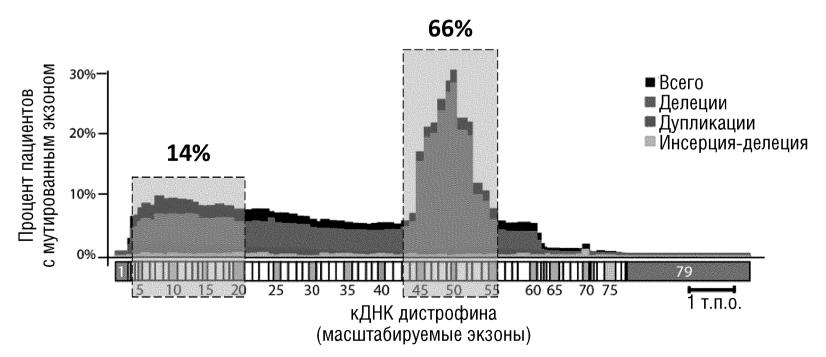
4 или кодируется этим полинуклеотидом.

- 18. Система по любому из пп. 1-17, где белок Cas9 представляет собой белок SaCas9, кодируемый полинуклеотидом SEQ ID NO: 11.
- 19. Система по любому из пп. 1-18, где вектор содержит по меньшей мере один полинуклеотид, выбранный из SEQ ID NO: 1-13 и 24.
- 20. Система по любому из пп. 1-19, где вектор содержит полинуклеотидную последовательность SEQ ID NO: 24.
- 21. Система по любому из пп. 1-20, где вектор содержит полинуклеотидную последовательность, выбранную из SEQ ID NO: 14, SEQ ID NO: 15, SEQ ID NO: 16, SEQ ID NO: 17, SEQ. ID NO: 18, SEQ ID NO: 19, SEQ ID NO: 20, SEQ ID NO: 21, SEQ ID NO: 22, SEQ ID NO: 23, SEQ ID NO: 41, SEQ ID NO: 42, SEQ ID NO: 29 и SEQ ID NO: 30.
- 22. Система по любому из пп. 1-21, где вектор представляет собой вирусный вектор.
- 23. Система по любому из пп. 1-22, где вектор представляет собой аденоассоциированный вирусный (AAV) вектор.
- 24. Система по п. 23, где вектор AAV представляет собой AAV1, AAV2, AAV3, AAV4, AAV5, AAV6, AAV7, AAV8, AAV9, AAV-10, AAV-11, AAV-12, AAV-13 или AAVrh.74.
- 25. Система по любому из пп. 1-24, где вектор содержит универсальный промотор или тканеспецифический промотор, функционально связанный с полинуклеотидной последовательностью, кодирующей первую молекулу рРНК, вторую молекулу рРНК и/или белок Cas9.
- 26. Система по п. 25, где тканеспецифический промотор представляет собой мышцеспецифический промотор.
 - 27. Клетка, включающая систему по любому из пп. 1-26.
 - 28. Набор, включающий систему по любому из пп. 1-26.
- 29. Способ коррекции мутантного гена дистрофина в клетке, включающий введение в клетку системы по любому из пп. 1-26.
- 30. Способ редактирования генома мутантного гена дистрофина у индивидуума, где указанный способ включает введение индивидууму системы по любому из пп. 1-26 или клетки по п. 27.
- 31. Способ лечения индивидуума, имеющего мутантный ген дистрофина, где указанный способ включает введение индивидууму системы по любому из пп. 1-26 или клетки по п. 27.
- 32. Способ по п. 30 или 31, где систему или клетку вводят индивидууму внутримышечно, внутривенно или в их комбинации.

По доверенности





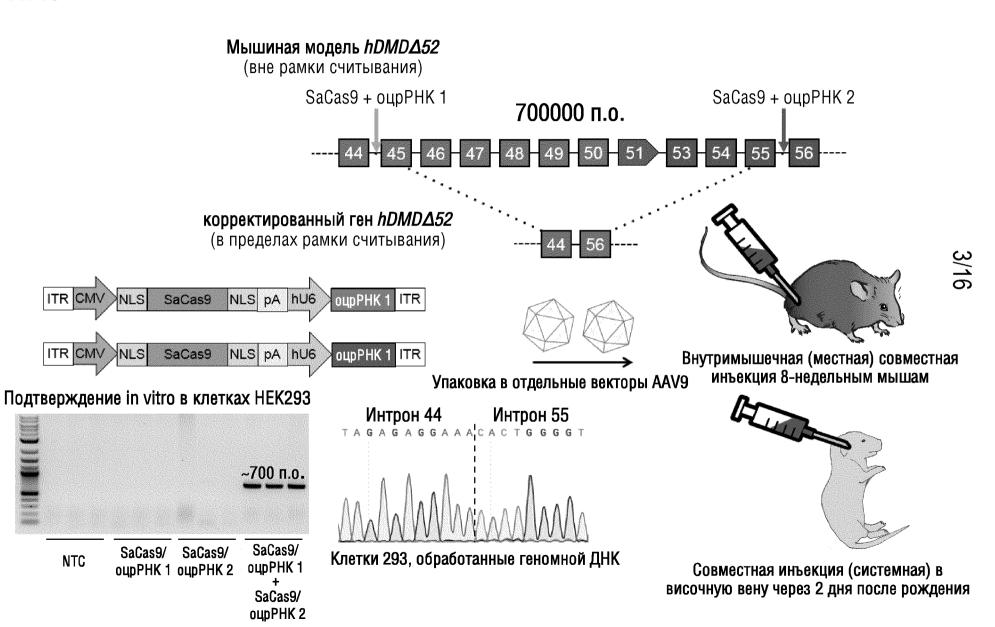


1/16

Усеченный функциональный дистрофин



ФИГ.3



4/16

Совместная инъекция (системная) в височную

вену через 2 дня после

Heoopaorannie Obrana 293 Heoopaorannie Obrana 293

Обработанные

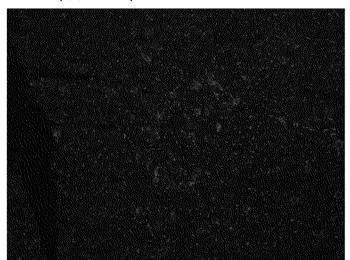
#1

Полоса делеции ~ 700 п.о.

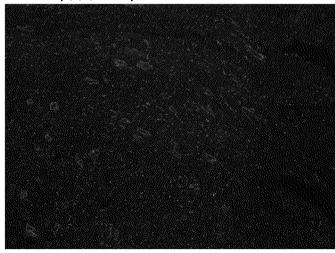




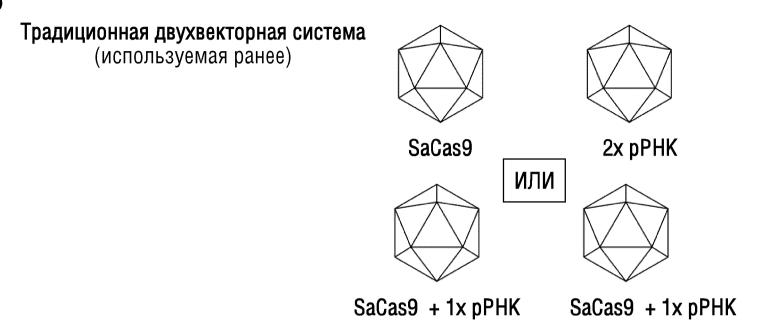
Сердце обработанной мыши 2



Сердце обработанной мыши 3



ФИГ.6



Одновекторная система

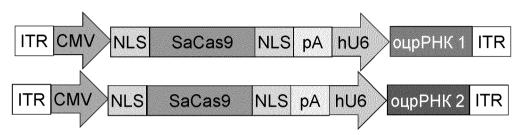


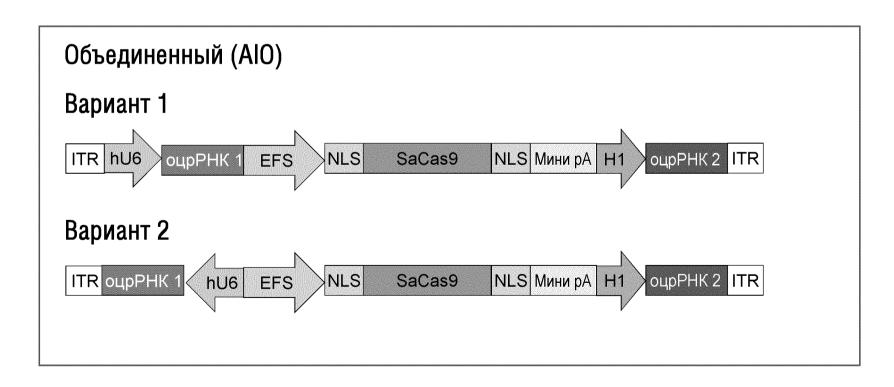
SaCas9 + 2x pPHK

~3,2 т.п.о.

- ITR — U6 pPHK #1 — EFS SaCas9 3xHA Muhu-PA — H1 pPHK #2 — ITR —

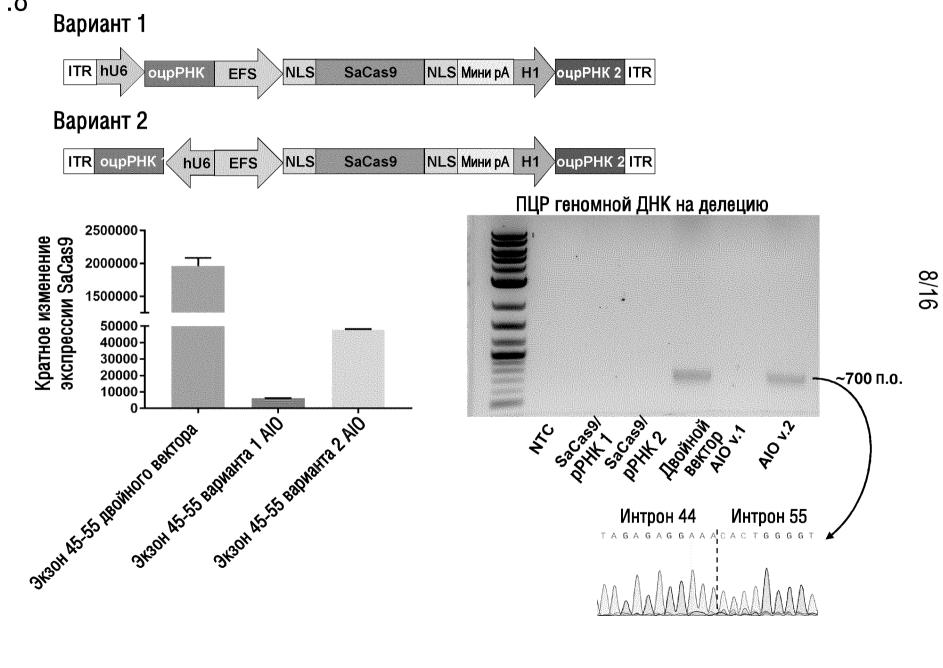
2x SaCas9/руководящая (двойная)



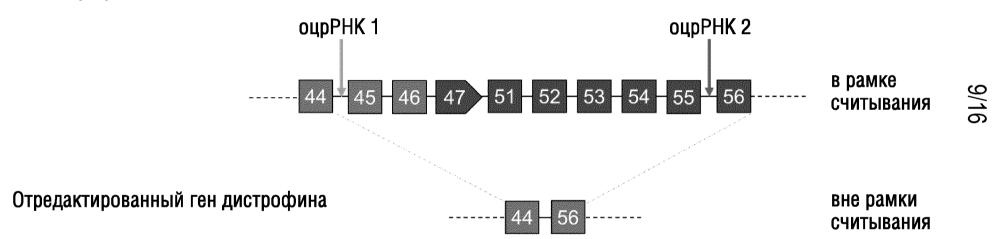


//1¢

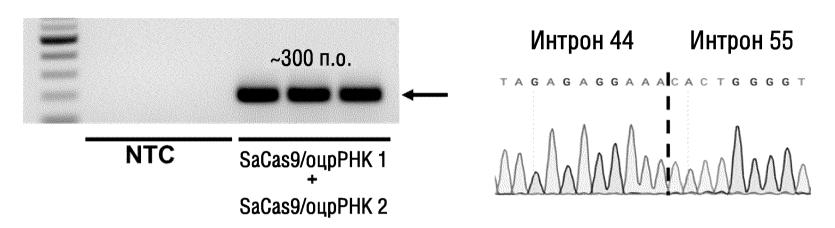
8. П Ф



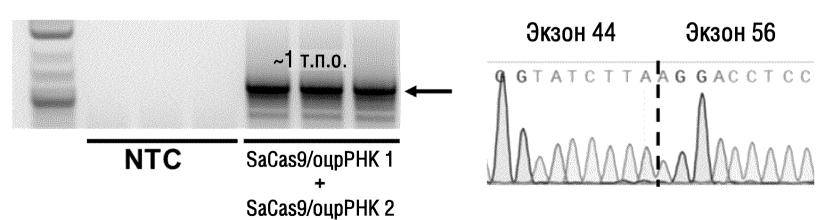
Ген дистрофина миобластов пациента



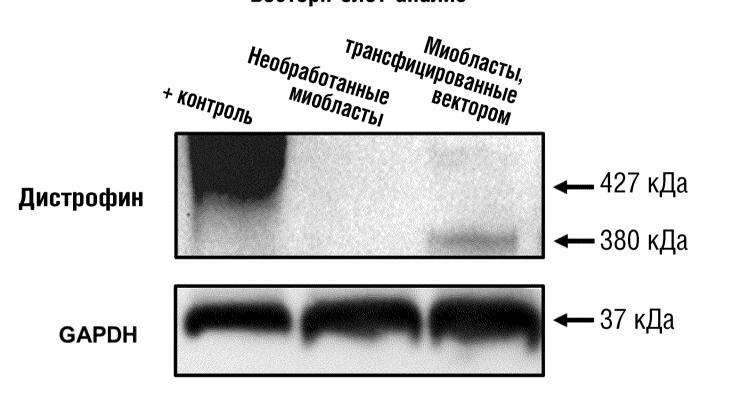
Геномная ДНК

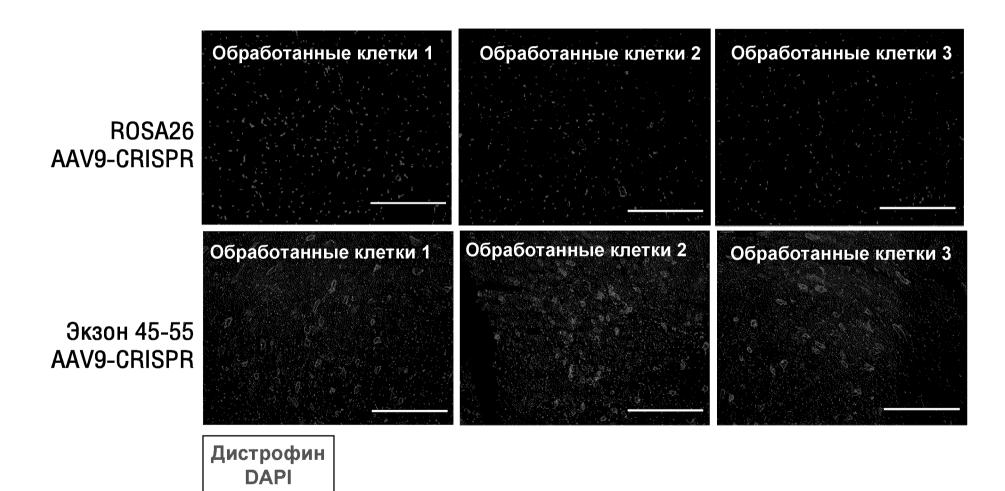


кДНК

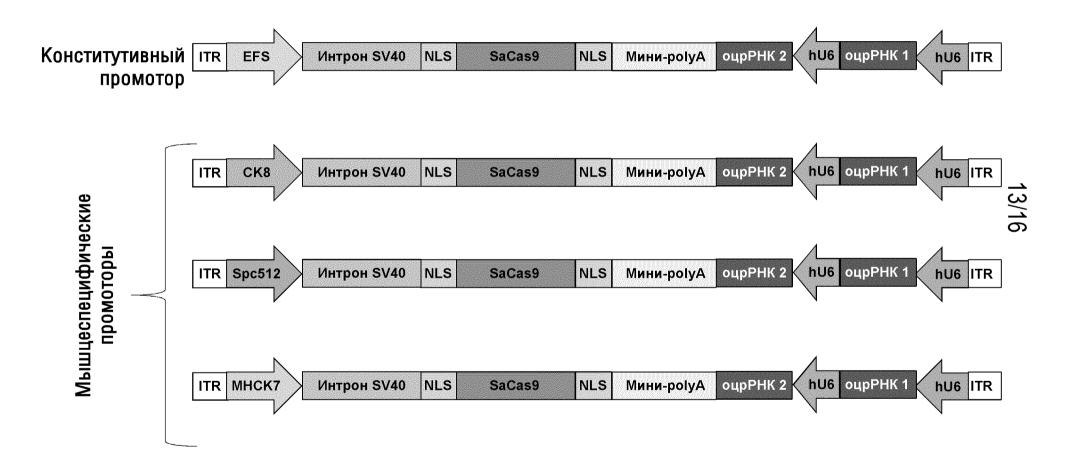


Вестерн-блот-анализ





ФИГ.11

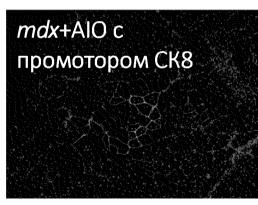












DAPI Дистрофин

